

VU Research Portal

The role of transcription factor STOX1A in transcriptional networks associated with neurodegeneration

van Abel, D.

2012

document version

Publisher's PDF, also known as Version of record

[Link to publication in VU Research Portal](#)

citation for published version (APA)

van Abel, D. (2012). *The role of transcription factor STOX1A in transcriptional networks associated with neurodegeneration*. [PhD-Thesis - Research and graduation internal, Vrije Universiteit Amsterdam].

General rights

Copyright and moral rights for the publications made accessible in the public portal are retained by the authors and/or other copyright owners and it is a condition of accessing publications that users recognise and abide by the legal requirements associated with these rights.

- Users may download and print one copy of any publication from the public portal for the purpose of private study or research.
- You may not further distribute the material or use it for any profit-making activity or commercial gain
- You may freely distribute the URL identifying the publication in the public portal ?

Take down policy

If you believe that this document breaches copyright please contact us providing details, and we will remove access to the work immediately and investigate your claim.

E-mail address:

vuresearchportal.ub@vu.nl

test_id	gene_id	locus	value_1	value_2	log2(fold_change)	test_stat	p_value	q_value	sign.
TSS10069	DCX	chrX:110423662-110542116	21,40	47,03	1,14	-11,82	0	0	yes
TSS10118	FGFR2	chr10:123227833-123347962	0,21	3,18	3,91	-14,95	0	0	yes
TSS10689	CNTFR	chr9:34541429-34580138	36,01	92,07	1,35	-10,56	0	0	yes
TSS12587	KIF21B	chr1:199205142-199259451	0,39	2,55	2,70	-8,30	0	0	yes
TSS12751	FSTL5	chr4:162524498-163304636	3,24	10,95	1,76	-10,33	0	0	yes
TSS12899	KIF21A	chr12:37973296-38123459	43,26	80,01	0,89	-11,62	0	0	yes
TSS13373	IGLON5	chr19:56506913-56525914	5,07	25,72	2,34	-9,58	0	0	yes
TSS13576	GRIN1	chr9:139153429-139184312	1,15	5,91	2,36	-16,49	0	0	yes
TSS13823	6-sep	chrX:118633715-118711361	172,56	345,03	1,00	-10,83	0	0	yes
TSS13861		GPR64 chrX:18917345-19050676	5,01	1,83	-1,46	11,97	0	0	yes
TSS14027	PBX1	chr1:162795220-163087684	10,37	24,16	1,22	-11,14	0	0	yes
TSS1410	8-sep	chr5:132111035-132141460	7,41	0,68	-3,44	10,09	0	0	yes
TSS1456		TBC1D30 chr12:63504618-63561065	0,20	2,25	3,47	-9,67	0	0	yes
TSS15125	RAP1GAP	chr1:21795294-21868443	0,22	2,54	3,55	-8,68	0	0	yes
TSS15526	CADPS	chr3:62359060-62836104	0,90	2,99	1,73	-9,27	0	0	yes
TSS15571	NNAT	chr20:35579232-35589747	162,88	482,02	1,57	-11,48	0	0	yes
TSS16169	KIF1A	chr2:241301856-241408297	17,85	67,89	1,93	-10,38	0	0	yes
TSS16310	SEZ6L	chr22:24468119-25125579	4,58	14,93	1,71	-18,39	0	0	yes
TSS16753	UNC5D	chr8:35212516-35771723	0,60	5,81	3,27	-10,53	0	0	yes
TSS17675	CDH4	chr20:59260953-59945694	0,62	5,40	3,11	-8,70	0	0	yes
TSS17910	SYT13	chr11:45218428-45264460	0,20	1,99	3,34	-8,63	0	0	yes
TSS18997	LOC100507421	chr7:140420500-140826648	1,03	5,29	2,36	-8,92	0	0	yes
TSS19145	KCNQ3	chr8:133202286-133562186	0,14	1,51	3,46	-9,25	0	0	yes
TSS19154	SEZ6	chr17:24306072-24357207	3,77	23,53	2,64	-17,13	0	0	yes
TSS19261	TRIM67	chr1:229365296-229423937	0,54	5,72	3,42	-11,15	0	0	yes
TSS19336	STOX1	chr10:70257299-70325215	0,43	24,39	5,83	-18,52	0	0	yes
TSS19968	C6orf192	chr6:133132199-133161440	1,54	0,01	-6,74	8,72	0	0	yes
TSS2041	SOX14	chr3:138965823-138967862	0,17	2,47	3,84	-8,43	0	0	yes
TSS20459	TUBB4	chr19:6445329-6453330	8,66	38,44	2,15	-9,19	0	0	yes
TSS20902	SPOCK2	chr10:73488797-73518796	2,43	12,55	2,37	-9,34	0	0	yes
TSS21127	FAM5B	chr1:175407255-175518181	0,33	4,75	3,86	-10,48	0	0	yes
TSS21865	ALK	chr2:29269143-29997981	9,96	34,37	1,79	-9,36	0	0	yes
TSS2204	TRIM29	chr11:119487203-119514073	21,86	5,31	-2,04	8,33	0	0	yes
TSS2237	COL3A1	chr2:189547343-189585717	35,54	10,93	-1,70	8,89	0	0	yes
TSS23009	B3GAT1	chr11:133753607-133787022	2,30	13,00	2,50	-12,42	0	0	yes
TSS23255	IGF2	chr11:2106917-2139015	235,24	8,68	-4,76	22,16	0	0	yes
TSS23359	CACNA1C	chr12:2032676-2677376	0,22	0,72	1,72	-9,07	0	0	yes
TSS23860	TRIB2	chr2:12774448-12800309	17,64	53,57	1,60	-12,57	0	0	yes
TSS23967	IGF2BP1	chr17:44429772-44488506	0,04	1,92	5,43	-13,35	0	0	yes
TSS24694	IMPDH1	chr7:127819566-127837272	5,61	20,02	1,83	-8,68	0	0	yes
TSS24963	ASTN1	chr1:175096825-175400647	0,97	5,01	2,37	-10,76	0	0	yes
TSS25258	NOS1	chr12:116130329-116283990	0,02	0,45	4,22	-8,75	0	0	yes
TSS25345	PTPN12	chr7:77004708-77107324	10,84	1,32	-3,04	11,22	0	0	yes
TSS25593	PTPRN2	chr7:157024510-158073243	17,24	38,25	1,15	-11,80	0	0	yes
TSS26131	FAM131B	chr7:142760614-142769962	0,08	1,50	4,25	-8,66	0	0	yes
TSS26421	L1CAM	chrX:152780164-152794593	54,38	110,55	1,02	-9,71	0	0	yes
TSS26639	CACNG2	chr22:35286861-35428636	0,25	2,39	3,28	-8,56	0	0	yes
TSS27182	HGF	chr7:81169379-81237388	28,57	13,11	-1,12	9,71	0	0	yes
TSS27500	PPP2R2C	chr4:6373205-6616228	1,13	7,99	2,83	-8,97	0	0	yes
TSS2786	RTN4	chr2:55052830-55131238	18,67	0,64	-4,86	12,78	0	0	yes
TSS27960	C1orf93	chr1:2507758-2554341	16,89	3,44	-2,29	10,35	0	0	yes
TSS2818	NELL1	chr11:20647692-21553805	7,60	2,21	-1,78	8,34	0	0	yes
TSS3222	UBE2H	chr7:129257808-129380036	9,59	1,87	-2,36	8,36	0	0	yes
TSS3487	11-mrt	chr5:16120473-16232897	9,10	52,57	2,53	-9,96	0	0	yes
TSS3965		ELMO1 chr7:36859035-37455420	0,72	11,80	4,03	-14,21	0	0	yes

TSS4584	CELF4	chr18:33077005-33399998	2,55	9,02	1,82	-11,33	0	0 yes
TSS4854	TOX2	chr20:41976905-42131668	7,36	32,15	2,13	-8,90	0	0 yes
TSS5265	TIMP3	chr22:31238539-31784377	5,73	33,22	2,54	-12,12	0	0 yes
TSS5449	MIAT	chr22:25383445-25402440	1,40	3,31	1,24	-8,54	0	0 yes
TSS5538	PRKCA	chr17:61729387-62237324	5,41	16,90	1,64	-8,31	0	0 yes
TSS6150	RELN	chr7:102899466-103417199	4,73	14,85	1,65	-8,52	0	0 yes
TSS7096	LRRN3	chr7:110090345-110989583	31,61	15,57	-1,02	10,16	0	0 yes
TSS9197	GABRB3	chr15:24339786-24570028	2,53	12,31	2,28	-9,16	0	0 yes
TSS9334	GALNT14	chr2:30986836-31215075	6,42	49,29	2,94	-12,46	0	0 yes
TSS9380	GUK1	chr1:226394407-226403278	62,52	12,05	-2,38	8,40	0	0 yes
TSS9776	KLHL13	chrX:116915803-117135331	21,54	4,65	-2,21	8,73	0	0 yes
TSS9831	MYO1B	chr2:191818351-191998360	31,39	9,70	-1,69	8,54	0	0 yes
TSS8551	SPRED2	chr2:65391488-65513160	9,73	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	5,40E-20	1,40E-17 yes
TSS17265	KLHDC3	chr6:43089818-43097014	23,55	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	2,07E-19	5,30E-17 yes
TSS2703	TES	chr7:115637782-115686073	13,13	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	1,61E-18	4,05E-16 yes
TSS16069	AHCYL1	chr1:110328909-110367887	8,77	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	2,99E-18	7,44E-16 yes
TSS9816	C5orf24	chr5:134209268-134223324	6,24	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	6,43E-18	1,58E-15 yes
TSS16959	CACNA1G	chr17:45988566-46059541	1,07	4,08	1,93	-8,18	2,22E-16	4,97E-14 yes
TSS1762	BASP1	chr5:17270749-17329943	12,21	45,53	1,90	-8,19	2,22E-16	4,97E-14 yes
TSS22719	PRNP	chr20:4614796-4630234	0,25	2,47	3,32	-8,21	2,22E-16	4,97E-14 yes
TSS22848	GRM8	chr7:125865887-126679664	0,12	1,77	3,88	-8,27	2,22E-16	4,97E-14 yes
TSS23193	ABCC9	chr12:21841590-21980895	2,95	0,80	-1,88	8,17	2,22E-16	4,97E-14 yes
TSS25093	NMNAT2	chr1:181483994-181654257	5,14	17,54	1,77	-8,19	2,22E-16	4,97E-14 yes
TSS27768	KCNH2	chr7:150272976-150306335	33,91	67,29	0,99	-8,26	2,22E-16	4,97E-14 yes
TSS17717	ARPC2	chr2:218790118-218827316	46,64	11,12	-2,07	8,14	4,44E-16	9,81E-14 yes
TSS24405	FEZ1	chr11:124820850-124871416	4,69	21,43	2,19	-8,06	6,66E-16	1,40E-13 yes
TSS27604	UHMK1	chr1:160733587-160766043	2,65	0,38	-2,82	8,06	6,66E-16	1,40E-13 yes
TSS5750	RPH3A	chr12:111713931-111821067	7,13	21,49	1,59	-8,09	6,66E-16	1,40E-13 yes
TSS9995	SOCS5	chr2:46779602-46843431	2,76	0,30	-3,20	8,08	6,66E-16	1,40E-13 yes
TSS14722	TCF4	chr18:51040559-51454186	7,10	0,00	-11,38	8,05	8,88E-16	1,82E-13 yes
TSS5680	NRXN2	chr11:64130221-64247236	2,82	13,18	2,22	-8,05	8,88E-16	1,82E-13 yes
TSS26693	SF1	chr11:64288651-64302892	39,43	12,80	-1,62	8,02	1,11E-15	2,25E-13 yes
TSS13266	FAM89A	chr1:229221326-229242618	3,46	19,98	2,53	-7,97	1,55E-15	3,09E-13 yes
TSS23818	PHF21B	chr22:43655706-43784473	13,90	41,65	1,58	-7,96	1,55E-15	3,09E-13 yes
TSS4583	ZNF727	chr7:63143255-63176362	0,21	2,66	3,67	-7,96	1,78E-15	3,49E-13 yes
TSS1232	POU3F3	chr2:104838400-104839903	6,38	29,99	2,23	-7,94	2,00E-15	3,84E-13 yes
TSS16308	BACH2	chr6:90692967-91063348	3,02	10,04	1,73	-7,93	2,00E-15	3,84E-13 yes
TSS18876	MAP6	chr11:74975610-75057127	16,05	37,92	1,24	-7,91	2,66E-15	4,96E-13 yes
TSS23623	PPEF1	chrX:18618965-18755955	0,16	1,31	3,03	-7,90	2,66E-15	4,96E-13 yes
TSS4647	IGFBP3	chr7:45918368-45927396	5,20	21,24	2,03	-7,90	2,66E-15	4,96E-13 yes
TSS17710	PRKRA	chr2:178767453-179380395	3,56	0,20	-4,18	7,88	3,11E-15	5,72E-13 yes
TSS12367	APBA1	chr9:71232268-71477095	2,49	9,43	1,92	-7,87	3,55E-15	6,40E-13 yes
TSS16679	FCHO1	chr19:17719526-17760377	0,23	1,77	2,91	-7,87	3,55E-15	6,40E-13 yes
TSS20221	TNC	chr9:116821675-116920357	1,02	4,71	2,21	-7,86	3,77E-15	6,74E-13 yes
TSS26916	C1orf93	chr1:2507758-2554341	11,60	24,65	1,09	-7,82	5,33E-15	9,41E-13 yes
TSS10081	KIRREL3	chr11:125798605-126375976	0,12	1,18	3,30	-7,81	5,55E-15	9,71E-13 yes
TSS11547	PLCXD3	chr5:41342804-41546487	7,27	20,63	1,51	-7,77	7,55E-15	1,31E-12 yes
TSS9647	COLEC11	chr2:3620511-3669922	53,57	149,45	1,48	-7,75	9,33E-15	1,60E-12 yes
TSS8422	SYN1	chrX:47305459-47364200	7,03	15,72	1,16	-7,69	1,51E-14	2,56E-12 yes
TSS2800	NPY	chr7:24290331-24298009	408,63	1074,54	1,39	-7,66	1,80E-14	3,03E-12 yes
TSS9765	RGS4	chr1:161305019-161313216	0,00	6,95	1.79769e+308	1.79769e+308	1,86E-14	3,09E-12 yes
TSS23177	DYNC11I	chr7:95239753-95565672	1,03	4,69	2,19	-7,65	2,02E-14	3,34E-12 yes
TSS10559	ATP6V0C	chr16:2503727-2510225	54,50	152,94	1,49	-7,64	2,11E-14	3,45E-12 yes
TSS750	JPH3	chr16:86193999-86289262	5,58	18,75	1,75	-7,63	2,33E-14	3,78E-12 yes
TSS12381	SEMA5B	chr3:124110732-124229266	4,91	16,31	1,73	-7,62	2,44E-14	3,92E-12 yes
TSS19059	ELAVL3	chr19:11423142-11452803	37,88	63,01	0,73	-7,62	2,51E-14	3,99E-12 yes

TSS863	VGf	chr7:100592509-100595572	208,53	616,33	1,56	-7,59	3,11E-14	4,90E-12	yes
TSS14690	BACE1	chr11:116608613-116692182	3,02	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	4,11E-14	6,42E-12	yes
TSS2904	TOX2	chr20:41976905-42131668	0,34	2,79	3,06	-7,52	5,68E-14	8,81E-12	yes
TSS22467	SLC41A3	chr3:127207889-127303081	3,59	0,34	-3,40	7,49	6,93E-14	1,06E-11	yes
TSS23422	KCNH1	chr1:208918279-209374080	6,36	13,36	1,07	-7,48	7,48E-14	1,14E-11	yes
TSS13534	ANP32E	chr1:148457340-148475128	3,11	0,37	-3,07	7,47	8,15E-14	1,23E-11	yes
TSS2018	CNTNAP5	chr2:124499333-125389333	0,49	3,00	2,62	-7,47	8,22E-14	1,23E-11	yes
TSS7014	SFMBT2	chr10:7240591-7493454	5,70	16,06	1,49	-7,46	8,44E-14	1,25E-11	yes
TSS10415	IGSF8	chr1:158327753-158335242	6,47	24,37	1,91	-7,45	9,10E-14	1,34E-11	yes
TSS21303	CHRNA4	chr20:61445108-61463139	0,01	0,31	5,30	-7,45	9,33E-14	1,36E-11	yes
TSS14422	ROBO2	chr3:77171983-77781804	14,26	5,10	-1,48	7,42	1,14E-13	1,65E-11	yes
TSS8844	ST6GAL1	chr3:188131008-188279035	2,88	0,39	-2,89	7,40	1,36E-13	1,96E-11	yes
TSS3528	CRMP1	chr4:5873391-5945686	22,00	58,33	1,41	-7,36	1,83E-13	2,61E-11	yes
TSS11111	4-mrt	chr2:216830829-216944995	2,44	9,67	1,99	-7,36	1,91E-13	2,70E-11	yes
TSS1015	ZNF99	chr19:22726824-22758813	0,01	0,22	4,22	-7,35	1,95E-13	2,74E-11	yes
TSS23414	NRXN2	chr11:64130221-64247236	1,07	4,12	1,95	-7,32	2,54E-13	3,53E-11	yes
TSS12486	MECOM	chr3:170283980-170864257	0,24	1,77	2,86	-7,30	2,78E-13	3,83E-11	yes
TSS27528	SHANK1	chr19:55856895-55912007	0,73	3,63	2,31	-7,25	4,14E-13	5,67E-11	yes
TSS24134	ZFAT	chr8:135559212-135794474	0,67	0,03	-4,48	7,20	6,08E-13	8,27E-11	yes
TSS11450	C22orf34	chr22:48399293-48437194	0,22	1,90	3,08	-7,15	8,52E-13	1,15E-10	yes
TSS17799	ACHE	chr7:100325550-100331477	3,05	8,73	1,52	-7,15	8,90E-13	1,19E-10	yes
TSS27626	GDAP1L1	chr20:42309321-42342427	5,04	19,25	1,93	-7,13	9,75E-13	1,29E-10	yes
TSS6718	ETV1	chr7:13897380-13997575	0,04	0,62	3,95	-7,11	1,20E-12	1,58E-10	yes
TSS14384	SIPA1L1	chr14:71065794-71275873	19,10	46,95	1,30	-7,10	1,28E-12	1,68E-10	yes
TSS8497	D4S234E	chr4:4438883-4594676	27,49	56,70	1,04	-7,07	1,50E-12	1,94E-10	yes
TSS26800	CAMK2N1	chr1:20681470-20685315	4,24	16,64	1,97	-7,07	1,54E-12	1,99E-10	yes
TSS20822	C2orf3	chr2:75743339-75791619	4,09	0,72	-2,50	7,06	1,61E-12	2,06E-10	yes
TSS9785	GOLGA7B	chr10:99599985-99780575	2,48	10,68	2,11	-7,06	1,70E-12	2,17E-10	yes
TSS19494	DSG2	chr18:27332024-27382812	0,35	0,03	-3,74	7,05	1,75E-12	2,20E-10	yes
TSS18063	NBL1	chr1:19796057-19857536	36,32	91,95	1,34	-7,05	1,79E-12	2,25E-10	yes
TSS17908	GYG2	chrX:2756862-2810861	3,44	1,07	-1,69	7,03	2,08E-12	2,59E-10	yes
TSS14902	BSCL2	chr11:62214309-62251433	2,05	10,73	2,39	-7,01	2,37E-12	2,93E-10	yes
TSS9338	GAP43	chr3:116824840-116923024	46,50	116,31	1,32	-7,00	2,51E-12	3,08E-10	yes
TSS6940	KSR2	chr12:116375199-116890411	0,02	0,16	3,36	-7,00	2,61E-12	3,18E-10	yes
TSS19735	SV2C	chr5:75415060-75657172	4,51	17,08	1,92	-6,99	2,82E-12	3,41E-10	yes
TSS1460	PAM	chr5:102229425-102394707	34,06	25,06	-0,44	6,98	3,00E-12	3,61E-10	yes
TSS319	TGIF1	chr18:3402071-3448406	4,84	0,59	-3,05	6,95	3,73E-12	4,45E-10	yes
TSS1851	C14orf102	chr14:89814150-89868234	1,29	0,11	-3,54	6,93	4,21E-12	5,00E-10	yes
TSS13978	CFL2	chr14:34249338-34253780	4,22	0,68	-2,63	6,93	4,31E-12	5,07E-10	yes
TSS701	ARNTL	chr11:13255900-13365388	4,38	9,05	1,05	-6,92	4,39E-12	5,14E-10	yes
TSS6397	ARHGAP20	chr11:109952975-110088661	0,17	1,15	2,75	-6,91	4,86E-12	5,64E-10	yes
TSS19757	GABRB3	chr15:24339786-24570028	0,09	0,90	3,26	-6,90	5,11E-12	5,90E-10	yes
TSS12749	SLC16A12	chr10:91180030-91285293	0,72	0,08	-3,14	6,90	5,36E-12	6,14E-10	yes
TSS13498	CGREF1	chr2:27163114-27195499	4,37	14,59	1,74	-6,89	5,59E-12	6,37E-10	yes
TSS20977	ADAM22	chr7:87401501-87670140	21,47	32,41	0,59	-6,89	5,69E-12	6,45E-10	yes
TSS10385	ADCK4	chr19:45889273-45914630	3,02	0,35	-3,11	6,85	7,32E-12	8,23E-10	yes
TSS22774	ELF1	chr13:40404054-40491508	2,81	0,42	-2,73	6,84	8,07E-12	9,02E-10	yes
TSS8976	SCRN1	chr7:29926243-29996430	0,19	1,42	2,91	-6,83	8,49E-12	9,44E-10	yes
TSS13805	ZNF676	chr19:22153742-22171593	0,05	0,59	3,70	-6,83	8,72E-12	9,63E-10	yes
TSS7209	POU4F2	chr4:147779494-147783073	0,10	0,94	3,22	-6,82	8,90E-12	9,76E-10	yes
TSS9739	CUX2	chr12:109956210-110272741	10,00	24,45	1,29	-6,79	1,12E-11	1,23E-09	yes
TSS19170	TP53I11	chr11:44742551-44929184	10,26	25,79	1,33	-6,79	1,15E-11	1,25E-09	yes
TSS10132	BRSK2	chr11:1367704-1439904	2,91	10,70	1,88	-6,78	1,21E-11	1,30E-09	yes
TSS24105	HS3ST2	chr16:22733360-22835160	12,05	35,41	1,55	-6,74	1,55E-11	1,66E-09	yes
TSS1314	ELFN2	chr22:36093945-36153451	0,02	0,19	3,66	-6,74	1,57E-11	1,67E-09	yes
TSS17420	SEZ6L2	chr16:29789980-29818086	57,92	87,78	0,60	-6,74	1,58E-11	1,67E-09	yes

TSS14448	RGS4	chr1:161305019-161313216	154,16	66,01	-1,22	6,71	1,97E-11	2,07E-09	yes
TSS25476	ITGA9	chr3:37468816-37836285	8,27	22,25	1,43	-6,70	2,12E-11	2,22E-09	yes
TSS8596	CNTN2	chr1:203278962-203313794	0,13	0,84	2,70	-6,70	2,13E-11	2,22E-09	yes
TSS15784	NEFM	chr8:24827178-24832511	18,06	44,41	1,30	-6,69	2,25E-11	2,32E-09	yes
TSS19686	MECOM	chr3:170283980-170864257	0,31	1,91	2,64	-6,67	2,52E-11	2,57E-09	yes
TSS5513	C7	chr5:40945355-41018798	76,14	180,81	1,25	-6,67	2,50E-11	2,57E-09	yes
TSS9098	VCAN	chr5:82803248-82913878	10,27	17,59	0,78	-6,67	2,59E-11	2,63E-09	yes
TSS27774	LBH	chr2:30307900-30336403	3,72	13,17	1,82	-6,66	2,70E-11	2,72E-09	yes
TSS21436	CELF2	chr10:11087264-11418678	0,02	0,24	3,82	-6,66	2,74E-11	2,75E-09	yes
TSS6839	TNFAIP6	chr2:151922351-151944808	0,83	5,22	2,66	-6,65	2,84E-11	2,83E-09	yes
TSS7837	SNCB	chr5:175979815-175990163	0,60	3,94	2,70	-6,64	3,05E-11	3,03E-09	yes
TSS3807	CXCR4	chr2:136588388-136592195	11,83	35,87	1,60	-6,64	3,19E-11	3,15E-09	yes
TSS25243	FLT1	chr13:27772482-27967265	0,27	0,05	-2,34	6,60	4,22E-11	4,14E-09	yes
TSS2659	RPS6KA2	chr6:166742843-167195761	27,39	62,82	1,20	-6,59	4,45E-11	4,35E-09	yes
TSS25460	MAPT	chr17:41276501-41461546	11,15	22,52	1,01	-6,57	4,88E-11	4,74E-09	yes
TSS14209	SMPD3	chr16:66949730-67039910	0,86	3,83	2,15	-6,57	4,91E-11	4,74E-09	yes
TSS1793	GTF2H2C	chr5:69746952-69781945	0,10	1,54	4,01	-6,57	5,20E-11	4,99E-09	yes
TSS24759	YTHDF2	chr1:28935719-28968874	27,65	10,14	-1,45	6,53	6,42E-11	6,13E-09	yes
TSS17693	NFASC	chr1:203064404-203258573	0,87	2,77	1,68	-6,51	7,74E-11	7,35E-09	yes
TSS1044	ATCAY	chr19:3831617-3879080	11,20	26,85	1,26	-6,48	9,41E-11	8,89E-09	yes
TSS20023	KIAA0284	chr14:104402694-104434152	2,29	5,01	1,13	-6,47	9,61E-11	9,03E-09	yes
TSS78	SYN3	chr22:31238539-31784377	0,07	0,61	3,17	-6,45	1,11E-10	1,04E-08	yes
TSS12732	CAPN6	chrX:110374982-110400430	0,36	2,08	2,53	-6,45	1,12E-10	1,04E-08	yes
TSS230	TMEM100	chr17:51151986-51164481	3,74	14,96	2,00	-6,45	1,12E-10	1,04E-08	yes
TSS25478	IFITM10	chr11:1447260-1742077	7,00	19,05	1,45	-6,45	1,14E-10	1,05E-08	yes
TSS15283	LRRN2	chr1:202852925-202921220	2,12	0,36	-2,57	6,43	1,25E-10	1,15E-08	yes
TSS9205	ITM2A	chrX:78502536-78509705	5,08	16,89	1,73	-6,41	1,46E-10	1,33E-08	yes
TSS9777	LYPD1	chr2:132890616-133145540	0,67	4,08	2,60	-6,41	1,46E-10	1,33E-08	yes
TSS9410	PHACTR1	chr6:12825022-13403797	0,98	4,82	2,30	-6,41	1,48E-10	1,33E-08	yes
TSS362	SCRT2	chr20:590239-604823	0,94	4,34	2,21	-6,40	1,51E-10	1,35E-08	yes
TSS1448	PCSK6	chr15:99661655-99847710	10,53	5,83	-0,85	6,40	1,53E-10	1,37E-08	yes
TSS10884	TBX3	chr12:113592441-113606352	27,45	15,35	-0,84	6,40	1,60E-10	1,42E-08	yes
TSS25592	YAP1	chr11:101486401-101609364	1,03	0,14	-2,91	6,38	1,77E-10	1,56E-08	yes
TSS21944	GPR85	chr7:112507703-112515069	0,15	1,08	2,87	-6,37	1,91E-10	1,68E-08	yes
TSS14437	VIP	chr6:153113625-153122593	0,09	0,98	3,47	-6,36	1,97E-10	1,73E-08	yes
TSS13966	TNFRSF19	chr13:23042508-23148244	0,23	1,46	2,68	-6,36	2,08E-10	1,81E-08	yes
TSS1550	ASCL1	chr12:101875581-101878424	34,00	13,24	-1,36	6,35	2,14E-10	1,86E-08	yes
TSS3511	MMP24	chr20:33278116-33328218	10,23	25,01	1,29	-6,34	2,32E-10	2,00E-08	yes
TSS13854	NRCAM	chr7:107575306-107884077	68,35	124,53	0,87	-6,33	2,44E-10	2,09E-08	yes
TSS14427	WSCD2	chr12:107047640-107168443	0,04	0,38	3,28	-6,33	2,49E-10	2,12E-08	yes
TSS26422	DPP10	chr2:114916368-116318796	0,13	0,95	2,88	-6,32	2,57E-10	2,18E-08	yes
TSS3470	ANK1	chr8:41629900-41873437	0,96	2,15	1,17	-6,30	2,98E-10	2,52E-08	yes
TSS24637	DLGAP2	chr8:1436975-1644049	0,01	0,15	3,37	-6,29	3,10E-10	2,61E-08	yes
TSS15831	PPP1R16B	chr20:36867761-36985081	11,83	26,31	1,15	-6,28	3,49E-10	2,92E-08	yes
TSS23135	COL4A2	chr13:109757631-109963374	15,41	34,36	1,16	-6,27	3,70E-10	3,09E-08	yes
TSS21965	SCOC	chr4:141397889-141523160	5,52	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	4,22E-10	3,50E-08	yes
TSS21036	SCG2	chr2:224169901-224175461	33,78	75,64	1,16	-6,23	4,61E-10	3,81E-08	yes
TSS17480	NCAN	chr19:19183781-19224061	0,93	3,57	1,95	-6,23	4,64E-10	3,81E-08	yes
TSS10347	RUNX1T1	chr8:93036370-93184630	0,00	0,25	1.79769e+308	1.79769e+308	4,77E-10	3,90E-08	yes
TSS4155	LYPD1	chr2:132890616-133145540	0,65	3,46	2,41	-6,17	6,97E-10	5,67E-08	yes
TSS25829	MECOM	chr3:170283980-170864257	0,06	0,63	3,30	-6,16	7,12E-10	5,77E-08	yes
TSS20492	PTPRN	chr2:219862588-219882539	4,00	11,54	1,53	-6,14	8,03E-10	6,48E-08	yes
TSS13433	MYT1L	chr2:1771891-2314052	1,64	5,15	1,65	-6,14	8,33E-10	6,66E-08	yes
TSS18638	BAMBI	chr10:29006429-29011874	12,44	34,18	1,46	-6,14	8,32E-10	6,66E-08	yes
TSS22477	RNF182	chr6:14032655-14088219	2,60	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	8,38E-10	6,67E-08	yes
TSS6651	SNAP91	chr6:84319323-84475846	0,92	3,95	2,11	-6,13	8,66E-10	6,86E-08	yes

TSS25446	ITGA7	chr12:54361596-54392356	1,54	4,52	1,55	-6,13	8,78E-10	6,93E-08	yes
TSS1378	ATP6V0C	chr16:2503727-2510225	135,68	58,37	-1,22	6,13	8,92E-10	7,01E-08	yes
TSS23140	DNER	chr2:229930588-230287530	1,17	4,98	2,09	-6,13	8,96E-10	7,01E-08	yes
TSS8397	BACH2	chr6:90692967-91063348	0,71	2,66	1,91	-6,11	1,03E-09	8,00E-08	yes
TSS17428	SLC18A3	chr10:50487146-50543156	5,81	17,51	1,59	-6,10	1,03E-09	8,02E-08	yes
TSS16631	GABRD	chr1:1940627-1952052	0,88	4,48	2,35	-6,10	1,04E-09	8,02E-08	yes
TSS2059	EPHA10	chr1:37954232-38003411	0,12	0,65	2,49	-6,10	1,04E-09	8,02E-08	yes
TSS7860	RPLP0	chr12:119118885-119123397	780,81	498,18	-0,65	6,10	1,05E-09	8,06E-08	yes
TSS2874	INHBA	chr7:41695125-41785501	2,24	8,95	2,00	-6,08	1,20E-09	9,07E-08	yes
TSS5092	DPP6	chr7:153215351-154316928	4,07	0,98	-2,06	6,08	1,20E-09	9,07E-08	yes
TSS13037	TFDP2	chr3:143145959-143351076	0,48	0,07	-2,84	6,08	1,21E-09	9,12E-08	yes
TSS14349	PLEC	chr8:145061308-145122901	0,58	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	1,23E-09	9,25E-08	yes
TSS1725	SNAP91	chr6:84319323-84475846	3,90	8,06	1,05	-6,07	1,28E-09	9,61E-08	yes
TSS15107	LMX1B	chr9:128416542-128503132	0,84	0,19	-2,10	6,03	1,69E-09	1,26E-07	yes
TSS25474	LHX8	chr1:75366706-75399806	1,15	0,17	-2,76	6,01	1,84E-09	1,36E-07	yes
TSS23637	EXOC7	chr17:71586857-71611463	0,03	0,48	3,79	-6,01	1,86E-09	1,37E-07	yes
TSS4237	LEPROT	chr1:65658718-65875764	6,22	1,82	-1,78	6,01	1,86E-09	1,37E-07	yes
TSS187	OSBPL1A	chr18:19996008-20231831	2,87	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	2,00E-09	1,47E-07	yes
TSS18867	OPRM1	chr6:154373328-154719592	3,23	10,39	1,69	-5,99	2,07E-09	1,51E-07	yes
TSS14813	GRIK4	chr11:120036237-120362179	0,10	0,73	2,90	-5,98	2,27E-09	1,65E-07	yes
TSS26808	SHB	chr9:37905894-38059210	7,38	17,01	1,20	-5,96	2,58E-09	1,87E-07	yes
TSS9631	INSM2	chr14:35072998-35076011	109,04	51,68	-1,08	5,95	2,61E-09	1,88E-07	yes
TSS12126	ELAVL2	chr9:23680102-23816063	1,48	5,65	1,94	-5,95	2,70E-09	1,94E-07	yes
TSS10661	ATP2B2	chr3:10340706-10522268	0,28	1,23	2,15	-5,91	3,43E-09	2,45E-07	yes
TSS19175	GNG3	chr11:62214309-62251433	3,88	16,65	2,10	-5,91	3,45E-09	2,46E-07	yes
TSS5388	APLP1	chr19:41051240-41062539	83,06	139,76	0,75	-5,91	3,52E-09	2,49E-07	yes
TSS9707	NRF1	chr7:129038790-129184158	4,88	1,19	-2,03	5,91	3,51E-09	2,49E-07	yes
TSS27188	CCM2	chr7:45005869-45082594	23,34	44,11	0,92	-5,90	3,55E-09	2,49E-07	yes
TSS4951	CALB1	chr8:91140013-91164283	0,89	4,05	2,19	-5,90	3,56E-09	2,49E-07	yes
TSS7327	DUSP4	chr8:29246497-29264186	27,07	56,88	1,07	-5,90	3,55E-09	2,49E-07	yes
TSS20672	LOC283177	chr11:133811585-133880765	0,02	0,30	3,73	-5,88	4,00E-09	2,78E-07	yes
TSS24056	GLP1R	chr6:39124534-39163498	0,06	0,49	3,06	-5,87	4,40E-09	3,05E-07	yes
TSS7462	TNFRSF10B	chr8:22900874-22997077	18,16	29,64	0,71	-5,87	4,45E-09	3,07E-07	yes
TSS18507	OGDHL	chr10:50612692-50640431	10,57	19,39	0,88	-5,85	4,82E-09	3,31E-07	yes
TSS27786	SNRPN	chr15:22619886-22774822	1,52	0,22	-2,78	5,85	5,02E-09	3,44E-07	yes
TSS14155	GGA3	chr17:70744288-70778906	0,77	0,07	-3,50	5,84	5,18E-09	3,53E-07	yes
TSS14065	PNMA3	chrX:151975421-151979483	0,30	1,55	2,36	-5,84	5,32E-09	3,62E-07	yes
TSS14368	DPYSL2	chr8:26427625-26571610	22,30	47,01	1,08	-5,83	5,53E-09	3,75E-07	yes
TSS14810	MINPP1	chr10:89254202-89303198	3,28	0,61	-2,43	5,83	5,63E-09	3,80E-07	yes
TSS15649	PEX2	chr8:78055048-78075835	0,10	0,72	2,87	-5,83	5,66E-09	3,80E-07	yes
TSS23832	IQSEC3	chr12:46309-157886	0,50	2,03	2,03	-5,82	5,77E-09	3,86E-07	yes
TSS12287	NDRG2	chr14:20554761-20563775	0,00	0,62	1.79769e+308	1.79769e+308	6,04E-09	4,03E-07	yes
TSS9656	SLC6A2	chr16:54247042-54297605	26,79	56,35	1,07	-5,81	6,08E-09	4,04E-07	yes
TSS20446	ASPDH	chr19:55706668-55709759	0,64	4,19	2,72	-5,79	6,90E-09	4,54E-07	yes
TSS25877	CPLX1	chr4:768744-809945	8,63	23,16	1,42	-5,79	6,89E-09	4,54E-07	yes
TSS6239	PTCHD2	chr1:11461881-11520227	1,88	5,85	1,64	-5,79	6,91E-09	4,54E-07	yes
TSS1008	PPP2R5A	chr1:210525501-210601828	2,70	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	7,30E-09	4,78E-07	yes
TSS12820	SMAD3	chr15:65145248-65274587	1,79	0,39	-2,21	5,78	7,59E-09	4,95E-07	yes
TSS27795	PDLIM5	chr4:95592060-95808400	34,56	17,02	-1,02	5,76	8,36E-09	5,43E-07	yes
TSS12608	ZSCAN1	chr19:63237245-63257811	0,03	0,38	3,86	-5,74	9,56E-09	6,19E-07	yes
TSS9004	LOC100507043	chr14:95412861-95461661	0,03	0,31	3,35	-5,74	9,61E-09	6,20E-07	yes
TSS23879	MTUS1	chr8:17545582-17702706	1,72	0,64	-1,42	5,74	9,70E-09	6,23E-07	yes
TSS18025	SVOP	chr12:107828786-107943228	1,70	6,38	1,91	-5,73	9,81E-09	6,28E-07	yes
TSS8433	ADARB2	chr10:1213252-1769670	0,10	0,52	2,40	-5,73	1,01E-08	6,42E-07	yes
TSS12762	ANKZF1	chr2:219802722-219809635	1,25	0,16	-2,95	5,72	1,10E-08	6,96E-07	yes
TSS21190	PHACTR4	chr1:28568679-28699468	0,31	1,48	2,25	-5,70	1,19E-08	7,55E-07	yes

TSS22327	KCNT1	chr9:137733851-137824814	0,40	1,79	2,16	-5,69	1,24E-08	7,81E-07	yes
TSS1349	AFF3	chr2:99530147-100125469	0,43	1,72	2,01	-5,69	1,25E-08	7,86E-07	yes
TSS3011	NR2F2	chr15:94670160-94684496	0,31	0,04	-2,89	5,68	1,33E-08	8,30E-07	yes
TSS9200	RPLP0P2	chr11:61139083-61163497	4,60	1,22	-1,91	5,68	1,35E-08	8,42E-07	yes
TSS19137	SRRM4	chr12:117903682-118085239	1,70	4,68	1,46	-5,68	1,38E-08	8,56E-07	yes
TSS21133	PHF21B	chr22:43655706-43784473	1,01	4,11	2,03	-5,68	1,38E-08	8,56E-07	yes
TSS5702	CRHR1	chr17:41053492-41268975	0,13	0,83	2,64	-5,67	1,42E-08	8,76E-07	yes
TSS24925	BCAT1	chr12:24854224-24993660	13,70	6,37	-1,10	5,67	1,44E-08	8,84E-07	yes
TSS1106	HPCAL1	chr2:10360490-10485194	88,08	179,10	1,02	-5,64	1,69E-08	1,03E-06	yes
TSS7035	CACNA1B	chr9:139892061-140138897	2,51	6,10	1,28	-5,64	1,69E-08	1,03E-06	yes
TSS14622	EFCAB2	chr1:243199793-243355153	0,02	0,34	4,29	-5,64	1,71E-08	1,04E-06	yes
TSS18187	STMN1	chr1:26083263-26105955	4,46	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	1,81E-08	1,10E-06	yes
TSS1163	HIVEP3	chr1:41748270-42274183	0,47	1,12	1,24	-5,61	1,97E-08	1,19E-06	yes
TSS6333	PPP1R12A	chr12:78691473-78853366	5,21	1,68	-1,63	5,61	1,99E-08	1,20E-06	yes
TSS14036	RGNEF	chr5:72957738-73273574	4,01	1,48	-1,44	5,61	2,00E-08	1,20E-06	yes
TSS637	CD59	chr11:33681131-33714601	0,80	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	2,06E-08	1,23E-06	yes
TSS26382	SHANK2	chr11:69991608-70613456	0,38	1,48	1,97	-5,60	2,10E-08	1,25E-06	yes
TSS4624	HMP19	chr5:173405329-173468788	36,67	75,88	1,05	-5,60	2,12E-08	1,26E-06	yes
TSS11511	UNC13A	chr19:17573136-17660008	7,40	15,41	1,06	-5,59	2,22E-08	1,31E-06	yes
TSS9114	SPTSSB	chr3:162545273-162572565	1,78	6,69	1,91	-5,59	2,31E-08	1,36E-06	yes
TSS6240	RIMS4	chr20:42807901-42872393	12,32	23,13	0,91	-5,59	2,31E-08	1,36E-06	yes
TSS1694	NRP1	chr10:33506424-33663839	4,91	2,15	-1,19	5,57	2,50E-08	1,46E-06	yes
TSS11122	KIAA1409	chr14:92869317-93243442	3,24	7,63	1,24	-5,57	2,61E-08	1,53E-06	yes
TSS11102	AADAT	chr4:171217947-171247947	1,15	0,13	-3,10	5,56	2,63E-08	1,53E-06	yes
TSS7648	PSMG2	chr18:12648737-12715739	6,76	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	2,65E-08	1,54E-06	yes
TSS3111	CRTAC1	chr10:99599985-99780575	0,34	1,46	2,11	-5,56	2,71E-08	1,57E-06	yes
TSS16838	ATP1A3	chr19:47162573-47190222	90,08	183,38	1,03	-5,53	3,23E-08	1,87E-06	yes
TSS9463	CDKN1C	chr11:2861023-2863571	51,50	27,32	-0,91	5,53	3,28E-08	1,89E-06	yes
TSS1234	C20orf103	chr20:9443004-9459171	23,79	50,88	1,10	-5,52	3,33E-08	1,91E-06	yes
TSS601	CPLX2	chr5:175156215-175243629	8,81	19,40	1,14	-5,51	3,49E-08	2,00E-06	yes
TSS6830	FAT4	chr4:126457016-126633537	3,18	1,30	-1,29	5,50	3,73E-08	2,13E-06	yes
TSS19440	CDKN2D	chr19:10538137-10540655	0,23	1,80	2,96	-5,49	4,03E-08	2,29E-06	yes
TSS23959	TOX2	chr20:41976905-42131668	0,34	1,88	2,48	-5,47	4,59E-08	2,60E-06	yes
TSS23159	SEC14L1	chr17:72596319-72724776	0,97	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	4,86E-08	2,74E-06	yes
TSS27242	MMD2	chr7:4912145-4965370	0,10	0,62	2,60	-5,45	4,99E-08	2,81E-06	yes
TSS24100	LMO7	chr13:75092570-75332007	0,14	0,75	2,39	-5,45	5,02E-08	2,82E-06	yes
TSS15029	MAP2K3	chr17:21128560-21159144	3,70	0,80	-2,21	5,44	5,23E-08	2,92E-06	yes
TSS12844	HPCA	chr1:33124684-33139540	0,18	1,20	2,73	-5,44	5,30E-08	2,95E-06	yes
TSS20260	PCDHB16	chr5:140541163-140545980	0,74	2,73	1,89	-5,42	6,06E-08	3,37E-06	yes
TSS21699	SWT1	chr1:183353840-183527536	2,82	0,69	-2,04	5,41	6,13E-08	3,40E-06	yes
TSS23562	C2orf71	chr2:29138061-29150631	0,01	0,12	3,17	-5,41	6,23E-08	3,44E-06	yes
TSS11696	MAB21L2	chr4:151405045-152156099	84,99	42,86	-0,99	5,41	6,28E-08	3,45E-06	yes
TSS14527	AKAP9	chr7:91408124-91577923	3,93	6,81	0,79	-5,41	6,46E-08	3,53E-06	yes
TSS2333	CYS1	chr2:10114376-10137989	0,18	0,98	2,43	-5,41	6,44E-08	3,53E-06	yes
TSS19853	CELF3	chr1:149939157-149955914	6,35	14,10	1,15	-5,40	6,68E-08	3,64E-06	yes
TSS21475	RASA1	chr5:86599906-86723489	7,66	2,59	-1,56	5,39	7,02E-08	3,82E-06	yes
TSS25397	ACTL6B	chr7:100078661-100092020	14,98	36,23	1,27	-5,38	7,26E-08	3,93E-06	yes
TSS25538	SYK	chr9:92603832-92700663	10,09	17,20	0,77	-5,37	8,09E-08	4,37E-06	yes
TSS24918	GAL	chr11:68208558-68215219	250,94	124,81	-1,01	5,35	8,70E-08	4,69E-06	yes
TSS10046	TREM1	chr6:41350976-41362435	0,00	0,24	1.79769e+308	1.79769e+308	9,78E-08	5,25E-06	yes
TSS3468	GRM8	chr7:125865887-126679664	0,89	3,38	1,92	-5,33	9,82E-08	5,26E-06	yes
TSS10290	KCNH6	chr17:58954426-58980070	2,05	4,73	1,21	-5,32	1,05E-07	5,60E-06	yes
TSS17893	PDZK1	chr1:144439022-144475563	0,64	2,57	2,00	-5,31	1,08E-07	5,72E-06	yes
TSS16502	DLGAP3	chr1:35103623-35143571	1,43	4,79	1,75	-5,31	1,08E-07	5,75E-06	yes
TSS10076	ATRX	chrX:76647011-76928375	11,66	18,07	0,63	-5,30	1,15E-07	6,07E-06	yes
TSS18859	EDIL3	chr5:83273881-83716367	3,37	9,58	1,51	-5,29	1,21E-07	6,37E-06	yes

TSS19129	FAT3	chr11:91724909-92269283	0,23	0,78	1,78	-5,29	1,24E-07	6,50E-06	yes
TSS15076	IL17RD	chr3:57099049-57174443	48,60	98,06	1,01	-5,29	1,25E-07	6,55E-06	yes
TSS797	GRAMD1B	chr11:122901737-122998728	4,03	11,15	1,47	-5,28	1,30E-07	6,81E-06	yes
TSS23545	CRY2	chr11:45825244-45861375	0,92	0,17	-2,47	5,27	1,36E-07	7,10E-06	yes
TSS22966	KITLG	chr12:87410700-87498381	3,08	7,05	1,19	-5,27	1,39E-07	7,22E-06	yes
TSS1763	KRT80	chr12:50849046-50872051	3,77	1,69	-1,16	5,26	1,46E-07	7,57E-06	yes
TSS20963	BEND4	chr4:41807626-41849652	3,52	1,92	-0,88	5,25	1,49E-07	7,72E-06	yes
TSS22444	SYNE2	chr14:63389435-63762922	5,29	7,74	0,55	-5,25	1,54E-07	7,90E-06	yes
TSS16482	NTRK2	chr9:86473285-86828325	0,50	1,79	1,84	-5,25	1,54E-07	7,90E-06	yes
TSS1929	ITGB1	chr10:33229251-33287299	39,08	19,50	-1,00	5,25	1,55E-07	7,93E-06	yes
TSS14787	MAP2	chr2:209997015-210307079	22,63	34,50	0,61	-5,23	1,67E-07	8,54E-06	yes
TSS6009	STRA6	chr15:72258860-72289099	68,53	121,76	0,83	-5,22	1,80E-07	9,14E-06	yes
TSS25628	PDZRN3	chr3:73514341-73756762	9,67	3,88	-1,32	5,22	1,81E-07	9,17E-06	yes
TSS16318	CPLX2	chr5:175156215-175243629	3,20	8,22	1,36	-5,22	1,81E-07	9,18E-06	yes
TSS6048	KCNH2	chr7:150272976-150306335	59,73	94,75	0,67	-5,21	1,85E-07	9,36E-06	yes
TSS11816	C7orf52	chr7:100600493-100610277	1,72	5,68	1,72	-5,21	1,90E-07	9,56E-06	yes
TSS18637	CCDC80	chr3:113806098-113842667	15,73	7,58	-1,05	5,21	1,92E-07	9,64E-06	yes
TSS22507	PCDH20	chr13:60881819-60887656	2,76	0,79	-1,81	5,20	1,99E-07	9,97E-06	yes
TSS6208	ZBTB22	chr6:33390159-33393697	5,89	1,69	-1,80	5,19	2,07E-07	1,03E-05	yes
TSS23587	RCOR3	chr1:209499330-209556348	3,24	0,91	-1,84	5,18	2,28E-07	1,13E-05	yes
TSS26847	PPARGC1A	chr4:23402741-23500798	0,20	0,03	-2,65	5,17	2,28E-07	1,13E-05	yes
TSS7980	ADAMTS19	chr5:128824001-129102275	22,60	11,22	-1,01	5,17	2,36E-07	1,17E-05	yes
TSS5192	NQO1	chr16:68300804-68318034	20,20	10,08	-1,00	5,17	2,39E-07	1,18E-05	yes
TSS9398	ST8SIA1	chr12:22237591-22378915	0,34	0,07	-2,22	5,16	2,41E-07	1,19E-05	yes
TSS7923	BZW1	chr2:201384513-201396814	41,78	20,85	-1,00	5,16	2,53E-07	1,24E-05	yes
TSS14175	PCSK2	chr20:17154751-17413222	0,12	0,56	2,29	-5,15	2,58E-07	1,26E-05	yes
TSS13812	PKD1	chr16:2037990-2125900	10,66	15,65	0,55	-5,14	2,71E-07	1,32E-05	yes
TSS3948	PPP2R4	chr9:130913048-130951046	29,12	48,53	0,74	-5,14	2,77E-07	1,35E-05	yes
TSS18979	YY1AP1	chr1:153895856-153925447	3,92	1,13	-1,79	5,14	2,81E-07	1,36E-05	yes
TSS26370	MECOM	chr3:170283980-170864257	0,40	1,56	1,97	-5,12	3,03E-07	1,47E-05	yes
TSS3502	DPP10	chr2:114916368-116318796	0,41	1,63	1,99	-5,11	3,14E-07	1,52E-05	yes
TSS27526	ZNF135	chr19:63262418-63272922	0,16	0,68	2,09	-5,11	3,20E-07	1,54E-05	yes
TSS23099	CACHD1	chr1:64709063-64931329	8,18	16,87	1,04	-5,10	3,32E-07	1,60E-05	yes
TSS16105	LHFPL2	chr5:77816793-77980404	8,58	17,68	1,04	-5,10	3,45E-07	1,65E-05	yes
TSS21486	ZBTB22	chr6:33390159-33393697	5,23	13,40	1,36	-5,10	3,47E-07	1,66E-05	yes
TSS15158	KCNA3	chr1:111015832-111019178	0,09	0,49	2,47	-5,09	3,59E-07	1,71E-05	yes
TSS11750	C5orf13	chr5:110861920-111340527	0,00	1,78	1.79769e+308	1.79769e+308	3,63E-07	1,72E-05	yes
TSS11717	AGPAT1	chr6:32228556-32253866	29,15	12,94	-1,17	5,09	3,64E-07	1,72E-05	yes
TSS20332	SWT1	chr1:183353840-183527536	0,77	2,83	1,88	-5,09	3,66E-07	1,73E-05	yes
TSS11694	LOC389023	chr2:114916368-116318796	0,62	3,26	2,39	-5,08	3,72E-07	1,75E-05	yes
TSS13774	SLC4A2	chr7:150386231-150404547	0,00	0,86	1.79769e+308	1.79769e+308	3,83E-07	1,79E-05	yes
TSS14056	DNAH9	chr17:11442472-11813790	0,02	0,09	2,58	-5,08	3,82E-07	1,79E-05	yes
TSS1804	IQSEC3	chr12:46309-157886	0,06	0,51	3,19	-5,07	4,03E-07	1,88E-05	yes
TSS15851	LIMCH1	chr4:41057560-41396818	2,57	6,46	1,33	-5,06	4,19E-07	1,95E-05	yes
TSS11969	PROKR2	chr20:5230685-5243015	0,18	1,14	2,62	-5,06	4,24E-07	1,97E-05	yes
TSS23308	ELAVL2	chr9:23680102-23816063	0,00	0,87	1.79769e+308	1.79769e+308	4,35E-07	2,02E-05	yes
TSS5534	KCNH7	chr2:162936162-163403503	0,18	0,56	1,61	-5,04	4,75E-07	2,20E-05	yes
TSS4696	BLCAP	chr20:35579232-35589747	23,87	47,51	0,99	-5,04	4,76E-07	2,20E-05	yes
TSS1290	TPM1	chr15:61121890-61151166	126,64	71,37	-0,83	5,03	4,87E-07	2,24E-05	yes
TSS11355	LETM2	chr8:38363115-38385219	0,09	0,88	3,28	-5,03	4,90E-07	2,24E-05	yes
TSS13528	WDR5	chr9:135991030-136014915	1,02	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	4,90E-07	2,24E-05	yes
TSS10956	NFATC4	chr14:23905984-23918650	3,44	1,04	-1,72	5,02	5,05E-07	2,31E-05	yes
TSS12520	LUC7L3	chr17:46151924-46185071	48,70	72,70	0,58	-5,01	5,35E-07	2,43E-05	yes
TSS24689	ZNF729	chr19:22261091-22291818	0,02	0,18	3,00	-5,01	5,34E-07	2,43E-05	yes
TSS5786	IQGAP2	chr5:75734904-76039713	1,27	3,67	1,53	-5,00	5,60E-07	2,54E-05	yes
TSS9467	APBB3	chr5:139918036-139924373	5,67	9,96	0,81	-5,00	5,70E-07	2,58E-05	yes

TSS21603	ASS1	chr9:132309914-132366482	1,77	6,21	1,81	-5,00	5,75E-07	2,59E-05	yes
TSS22684	CHRA1	chr8:141590578-141596434	3,99	1,03	-1,96	5,00	5,82E-07	2,62E-05	yes
TSS27987	DDR1	chr6:30959839-30975912	0,00	0,83	1.79769e+308	1.79769e+308	5,91E-07	2,65E-05	yes
TSS10941	NUDT1	chr7:2248382-2257306	1,60	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	6,03E-07	2,70E-05	yes
TSS27024	DBC1	chr9:120968728-121171560	0,90	3,18	1,82	-4,99	6,10E-07	2,72E-05	yes
TSS11130	NEFL	chr8:24864385-24870048	48,52	90,54	0,90	-4,99	6,17E-07	2,74E-05	yes
TSS19742	ING1	chr13:110163083-110171422	0,00	1,35	1.79769e+308	1.79769e+308	6,30E-07	2,79E-05	yes
TSS14112	DOCK9	chr13:98243741-98536661	3,18	6,96	1,13	-4,97	6,53E-07	2,89E-05	yes
TSS6798	CHD5	chr1:6084433-6162781	0,35	1,19	1,76	-4,97	6,78E-07	3,00E-05	yes
TSS20256	CCNA1	chr13:35903966-35915019	1,96	4,41	1,17	-4,97	6,85E-07	3,02E-05	yes
TSS22140	CLEC2D	chr12:9713574-9743418	9,54	5,28	-0,85	4,96	7,07E-07	3,11E-05	yes
TSS19958	KIAA1755	chr20:36272320-36322588	0,08	0,36	2,23	-4,96	7,11E-07	3,12E-05	yes
TSS2473	PHLDB2	chr3:112876212-113178054	0,11	0,54	2,36	-4,94	7,74E-07	3,38E-05	yes
TSS2036	SGK1	chr6:134532076-134680889	10,87	23,83	1,13	-4,94	7,76E-07	3,38E-05	yes
TSS9071	TXNDC5	chr6:7672009-8047827	0,44	0,05	-3,25	4,94	7,94E-07	3,45E-05	yes
TSS19805	TMEM105	chr17:76899666-76919069	0,37	1,49	2,01	-4,93	8,09E-07	3,51E-05	yes
TSS27087	IGSF1	chrX:130235162-130251084	23,55	9,86	-1,26	4,93	8,11E-07	3,51E-05	yes
TSS16269	LRR8B	chr1:89762984-89836008	1,47	0,42	-1,82	4,93	8,35E-07	3,61E-05	yes
TSS26451	COMT	chr22:18243039-18384309	1,25	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	9,14E-07	3,94E-05	yes
TSS20611	PTPRR	chr12:69318119-69600851	1,24	0,25	-2,33	4,90	9,49E-07	4,08E-05	yes
TSS18562	GTF2H2C	chr5:68891805-68926811	0,00	1,29	1.79769e+308	1.79769e+308	9,60E-07	4,12E-05	yes
TSS4089	FAN1	chr15:28983346-29071099	1,00	0,18	-2,44	4,90	9,69E-07	4,14E-05	yes
TSS9471	GRIA4	chr11:104986009-105358029	0,59	0,10	-2,59	4,90	9,70E-07	4,14E-05	yes
TSS16184	MANEAL	chr1:38032360-38039865	37,55	55,72	0,57	-4,89	1,00E-06	4,26E-05	yes
TSS1216	PTPN5	chr11:18706050-18769965	0,03	0,24	2,93	-4,89	1,01E-06	4,27E-05	yes
TSS16108	OPRM1	chr6:154373328-154719592	0,23	1,12	2,26	-4,89	1,01E-06	4,27E-05	yes
TSS12496	SLC6A11	chr3:10832916-10955146	0,55	2,24	2,02	-4,88	1,08E-06	4,56E-05	yes
TSS13160	SLC25A25	chr9:129870299-129911345	0,06	0,50	2,95	-4,87	1,09E-06	4,59E-05	yes
TSS24274	CSPG5	chr3:47578731-47596734	0,57	0,07	-3,00	4,87	1,09E-06	4,59E-05	yes
TSS19829	ARHGAP36	chrX:130019896-130051538	402,73	204,34	-0,98	4,86	1,15E-06	4,84E-05	yes
TSS20680	AURKAIP1	chr1:1298972-1300681	60,57	25,80	-1,23	4,86	1,16E-06	4,85E-05	yes
TSS23218	ST8SIA2	chr15:90738143-90812962	4,87	10,37	1,09	-4,86	1,16E-06	4,85E-05	yes
TSS5746	LCP1	chr13:45598058-45654460	2,37	6,39	1,43	-4,86	1,16E-06	4,85E-05	yes
TSS15658	CTSL2	chr9:98831779-98841746	0,58	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	1,18E-06	4,91E-05	yes
TSS21195	SLC30A3	chr2:27330943-27339464	0,30	1,33	2,14	-4,86	1,18E-06	4,91E-05	yes
TSS12988	DCDC5	chr11:30841725-30970809	0,01	0,11	3,54	-4,85	1,21E-06	5,00E-05	yes
TSS24354	SERF2	chr15:41825881-41882061	6,08	1,97	-1,63	4,84	1,27E-06	5,24E-05	yes
TSS2949	FLJ44635	chrX:71280758-71298325	40,27	20,30	-0,99	4,84	1,27E-06	5,25E-05	yes
TSS4958	NAPB	chr20:23303155-23350156	5,40	12,06	1,16	-4,84	1,31E-06	5,39E-05	yes
TSS18372	PPAP2C	chr19:232043-242435	16,96	35,22	1,05	-4,83	1,34E-06	5,50E-05	yes
TSS27375	CLEC2D	chr12:9713574-9743418	0,00	0,45	1.79769e+308	1.79769e+308	1,37E-06	5,60E-05	yes
TSS15452	PLCH2	chr1:2397613-2426824	2,97	7,12	1,26	-4,82	1,40E-06	5,72E-05	yes
TSS11006	PARP6	chr15:70320575-70350682	24,93	47,58	0,93	-4,82	1,43E-06	5,80E-05	yes
TSS19888	SSBP2	chr5:80751427-81082828	20,12	40,71	1,02	-4,82	1,46E-06	5,92E-05	yes
TSS1142	LYAR	chr4:4320329-4342797	3,24	0,73	-2,14	4,81	1,48E-06	6,01E-05	yes
TSS17388	ODZ4	chr11:78041975-78829343	10,53	19,24	0,87	-4,81	1,53E-06	6,18E-05	yes
TSS1209	PNMA2	chr8:26418112-26427400	32,69	59,64	0,87	-4,80	1,56E-06	6,31E-05	yes
TSS17722	RPL6	chr12:111327376-111331826	586,19	362,59	-0,69	4,80	1,62E-06	6,51E-05	yes
TSS19544	LPPR3	chr19:763517-772952	14,37	29,48	1,04	-4,79	1,68E-06	6,73E-05	yes
TSS3181	TCF7L2	chr10:114699998-114917426	6,81	5,12	-0,41	4,79	1,69E-06	6,79E-05	yes
TSS3761	SNAP25	chr20:9952459-10236066	22,38	38,56	0,78	-4,78	1,71E-06	6,84E-05	yes
TSS18978	YY1AP1	chr1:153895856-153925447	1,98	0,47	-2,08	4,78	1,75E-06	6,97E-05	yes
TSS21147	MGAT3	chr22:38183270-38218145	0,53	1,88	1,83	-4,78	1,77E-06	7,03E-05	yes
TSS22445	JUN	chr1:59019050-59022373	13,69	26,88	0,97	-4,78	1,78E-06	7,06E-05	yes
TSS13309	SH2B1	chr16:28782578-28793035	0,20	0,97	2,29	-4,77	1,84E-06	7,29E-05	yes
TSS16465	ETV4	chr17:38960736-38979288	16,93	33,89	1,00	-4,76	1,93E-06	7,62E-05	yes

TSS1742	BRCA1	chr17:38449837-38531026	0,78	2,02	1,36	-4,76	1,95E-06	7,67E-05	yes
TSS23342	ISLR2	chr15:72208767-72216196	0,86	2,81	1,71	-4,76	1,95E-06	7,67E-05	yes
TSS27133	PLCB1	chr20:8061295-8813547	4,37	2,50	-0,80	4,76	1,97E-06	7,74E-05	yes
TSS24336	CFL2	chr14:34249338-34253780	3,80	1,14	-1,73	4,75	2,05E-06	8,04E-05	yes
TSS17062	GRIP2	chr3:14419109-14558592	0,07	0,31	2,10	-4,75	2,06E-06	8,07E-05	yes
TSS14805	FAM19A3	chr1:113064711-113071379	0,86	0,17	-2,31	4,74	2,09E-06	8,14E-05	yes
TSS1884	GUK1	chr1:226394407-226403278	161,10	233,38	0,53	-4,74	2,14E-06	8,30E-05	yes
TSS21559	ITIH5	chr10:7641237-7748967	0,09	0,28	1,70	-4,74	2,14E-06	8,30E-05	yes
TSS6735	BTBD11	chr12:106236326-106577549	0,12	0,62	2,38	-4,73	2,26E-06	8,74E-05	yes
TSS13526	RGS9	chr17:60563917-60654283	1,70	3,78	1,16	-4,72	2,37E-06	9,15E-05	yes
TSS27842	ELAVL2	chr9:23680102-23816063	1,71	4,89	1,52	-4,72	2,38E-06	9,17E-05	yes
TSS24733	NFKBIZ	chr3:102980718-103062559	0,38	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	2,40E-06	9,24E-05	yes
TSS7319	KCNJ8	chr12:21809155-21819014	34,43	17,47	-0,98	4,71	2,47E-06	9,49E-05	yes
TSS1012	TNIK	chr3:172262985-172660891	2,75	3,90	0,51	-4,71	2,49E-06	9,53E-05	yes
TSS21950	C11orf70	chr11:101423378-101460501	1,92	0,52	-1,89	4,71	2,52E-06	9,62E-05	yes
TSS18551	PNISR	chr6:99954561-99979928	19,77	31,15	0,66	-4,71	2,52E-06	9,62E-05	yes
TSS26786	TGFB11	chr16:31390976-31396782	1,16	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	2,60E-06	9,91E-05	yes
TSS20990	GPC2	chr7:99605164-99612926	31,83	58,89	0,89	-4,70	2,61E-06	9,92E-05	yes
TSS14120	IRF5	chr7:128365229-128377324	0,42	1,09	1,39	-4,70	2,63E-06	9,97E-05	yes
TSS15889	SYN3	chr22:31238539-31784377	0,00	0,46	1.79769e+308	1.79769e+308	2,67E-06	0,000100821	yes
TSS15877	RNF19A	chr8:101338463-101391503	0,44	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	2,72E-06	0,000102657	yes
TSS20641	ISOC1	chr5:128458340-128477618	97,23	53,33	-0,87	4,69	2,74E-06	0,000103083	yes
TSS21163	LGI1	chr10:95507555-95547906	0,10	0,53	2,37	-4,69	2,74E-06	0,000103083	yes
TSS8471	LRRTM2	chr5:138117005-138298622	0,11	0,47	2,05	-4,68	2,86E-06	0,000107303	yes
TSS21958	SLC8A1	chr2:39998277-40593079	0,18	0,02	-3,45	4,68	2,87E-06	0,000107604	yes
TSS23081	LMO2	chr11:33836698-33870412	0,07	0,59	3,18	-4,68	2,89E-06	0,000108067	yes
TSS13971	LBR	chr1:223655826-223683180	0,00	0,49	1.79769e+308	1.79769e+308	2,90E-06	0,000108271	yes
TSS13187	FOXC1	chr6:1555679-1559128	6,03	13,15	1,12	-4,68	2,93E-06	0,000108923	yes
TSS23951	ID4	chr6:19945595-19948894	0,53	1,99	1,92	-4,67	2,97E-06	0,000110379	yes
TSS14597	PLAC2	chr19:5509177-5519005	0,08	0,40	2,27	-4,67	2,99E-06	0,000110676	yes
TSS19486	RNF41	chr12:54882554-54902020	0,32	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	3,02E-06	0,000111628	yes
TSS17588	FYN	chr6:112089171-112301348	0,00	0,70	1.79769e+308	1.79769e+308	3,03E-06	0,000111842	yes
TSS12994	CLVS1	chr8:62363078-62789753	0,49	1,80	1,87	-4,66	3,14E-06	0,00011552	yes
TSS9598	GRIK5	chr19:47194312-47261797	12,77	24,70	0,95	-4,66	3,15E-06	0,00011552	yes
TSS6467	DACH1	chr13:70910098-71339331	22,50	12,05	-0,90	4,66	3,20E-06	0,000117347	yes
TSS15492	MYO1B	chr2:191818351-191998360	37,16	56,80	0,61	-4,66	3,21E-06	0,000117539	yes
TSS22182	TBCEL	chr11:120400012-120465564	2,71	0,81	-1,74	4,66	3,24E-06	0,000118166	yes
TSS5412	DRD2	chr11:112785526-112851211	9,59	18,56	0,95	-4,65	3,32E-06	0,000120842	yes
TSS5177	BAIAP3	chr16:1323606-1341874	0,00	0,21	1.79769e+308	1.79769e+308	3,38E-06	0,0001229	yes
TSS10725	DCTN1	chr2:74441788-74474516	4,60	9,25	1,01	-4,64	3,45E-06	0,000125292	yes
TSS25705	ECE1	chr1:21416326-21544621	0,33	0,05	-2,60	4,64	3,48E-06	0,000126048	yes
TSS9782	PLK2	chr5:57785566-57791670	2,75	7,38	1,42	-4,63	3,58E-06	0,00012946	yes
TSS24775	PLD5	chr1:240318311-240754621	3,93	9,42	1,26	-4,63	3,66E-06	0,000132016	yes
TSS14383	FAM123C	chr2:131229546-131242177	1,19	2,76	1,21	-4,63	3,72E-06	0,000133455	yes
TSS7958	CYP51A1	chr7:91579398-91601995	4,35	1,38	-1,65	4,63	3,72E-06	0,000133455	yes
TSS8951	MAMLD1	chrX:149282208-149433106	0,28	0,81	1,51	-4,63	3,72E-06	0,000133455	yes
TSS19693	MAP7	chr6:136705111-136913650	0,40	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	3,75E-06	0,000134234	yes
TSS8863	RAB40C	chr16:579357-619274	0,00	0,67	1.79769e+308	1.79769e+308	3,84E-06	0,000136897	yes
TSS13580	STMN4	chr8:27149730-27171820	4,19	12,24	1,55	-4,62	3,90E-06	0,000139012	yes
TSS24067	CEPT1	chr1:111461476-111529247	0,23	1,14	2,32	-4,61	4,06E-06	0,000144425	yes
TSS17229	GAB2	chr11:77603983-77806516	0,00	0,28	1.79769e+308	1.79769e+308	4,11E-06	0,000145756	yes
TSS6796	RPS27	chr1:152229862-152231255	224,62	102,23	-1,14	4,60	4,24E-06	0,000150152	yes
TSS3187	PPARG	chr3:12304348-12450855	0,50	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	4,30E-06	0,000152089	yes
TSS15920	SIN3A	chr15:73448772-73535177	0,67	0,17	-2,02	4,60	4,31E-06	0,000152128	yes
TSS23573	ESYT3	chr3:139636104-139679946	0,18	0,03	-2,51	4,59	4,41E-06	0,000155264	yes
TSS20989	HR	chr8:22027876-22044510	5,81	9,14	0,65	-4,59	4,43E-06	0,00015569	yes

TSS7198	LOC150568	chr2:104417236-104495647	2,85	8,67	1,60	-4,59	4,48E-06	0,000156884	yes
TSS21258	RORB	chr9:76302071-76491937	6,27	13,28	1,08	-4,58	4,55E-06	0,000159003	yes
TSS8025	PRKCZ	chr1:1971768-2129032	0,88	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	4,55E-06	0,000159003	yes
TSS14594	TTBK1	chr6:43319199-43363975	3,65	7,51	1,04	-4,58	4,70E-06	0,000163643	yes
TSS24539	GRM7	chr3:6877801-7758218	1,53	4,00	1,39	-4,58	4,76E-06	0,000165571	yes
TSS27723	CHD8	chr14:20923192-20975297	1,52	3,71	1,29	-4,57	4,90E-06	0,000170053	yes
TSS27614	DPY19L2P2	chr7:102602697-102708149	0,12	0,55	2,17	-4,57	4,98E-06	0,000172492	yes
TSS10487	EIF4E3	chr3:71811129-71887018	0,00	0,22	1.79769e+308	1.79769e+308	5,04E-06	0,000174351	yes
TSS13150	KIFC3	chr16:56349629-56393940	4,83	8,41	0,80	-4,55	5,38E-06	0,000185812	yes
TSS17223	FAM65A	chr16:66120217-66138192	0,00	0,33	1.79769e+308	1.79769e+308	5,41E-06	0,000186465	yes
TSS27448	DKK3	chr11:11941118-11987493	0,73	2,61	1,83	-4,53	5,77E-06	0,000198461	yes
TSS21562	SFMBT2	chr10:7240591-7493454	0,25	0,87	1,82	-4,53	5,91E-06	0,000202682	yes
TSS23082	BTN2A2	chr6:26491302-26503079	0,00	0,36	1.79769e+308	1.79769e+308	5,96E-06	0,000204219	yes
TSS5339	MAGED1	chrX:51562894-51662190	97,16	171,31	0,82	-4,52	6,11E-06	0,000208841	yes
TSS12391	FBXO31	chr16:85920442-85983209	0,41	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	6,16E-06	0,000209975	yes
TSS13957	AUTS2	chr7:68701840-69895821	2,80	6,24	1,15	-4,52	6,20E-06	0,000211008	yes
TSS4752	NPPA	chr1:11788793-11830427	2,97	9,92	1,74	-4,52	6,28E-06	0,000213497	yes
TSS856	BAALC	chr8:104214366-104311709	8,54	17,03	1,00	-4,52	6,31E-06	0,000214139	yes
TSS2213	FBXO17	chr19:44123881-44158220	0,64	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	6,38E-06	0,000215825	yes
TSS7729	ZNF790	chr19:41980291-42099033	0,02	0,36	4,05	-4,51	6,42E-06	0,00021656	yes
TSS8965	TRIM9	chr14:50511730-50632172	1,29	2,78	1,10	-4,51	6,42E-06	0,00021656	yes
TSS19412	PPARG	chr3:12304348-12450855	0,05	0,52	3,37	-4,51	6,58E-06	0,00022087	yes
TSS8546	ZNF540	chr19:42731690-42796840	0,00	0,33	1.79769e+308	1.79769e+308	6,57E-06	0,00022087	yes
TSS15471	TNPO2	chr19:12671007-12695810	6,36	12,69	1,00	-4,50	6,66E-06	0,000223228	yes
TSS4566	AGL	chr1:100088227-100162167	0,19	0,03	-2,70	4,50	6,75E-06	0,000225932	yes
TSS7323	POP1	chr8:99198696-99241245	0,00	0,27	1.79769e+308	1.79769e+308	6,77E-06	0,000225932	yes
TSS23798	LIMS1	chr2:108517242-108670134	0,31	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	6,86E-06	0,000228803	yes
TSS23046	ZCCHC12	chrX:117841814-117844959	1,63	4,97	1,61	-4,49	7,09E-06	0,000236001	yes
TSS24599	CDC42EP1	chr22:36286416-36295356	0,79	2,71	1,78	-4,49	7,15E-06	0,000237503	yes
TSS25261	KIF5C	chr2:149349288-149591519	27,34	47,88	0,81	-4,48	7,31E-06	0,000242294	yes
TSS5119	TLE3	chr15:68127596-68177310	17,50	26,69	0,61	-4,48	7,32E-06	0,000242294	yes
TSS13166	INS,INS-IGF2	chr11:2106917-2139015	1,04	0,28	-1,88	4,47	7,64E-06	0,000252372	yes
TSS5601	MPP3	chr17:39233692-39266073	2,68	6,47	1,27	-4,47	7,70E-06	0,00025382	yes
TSS26130	APCDD1	chr18:10444624-10478698	0,15	0,63	2,11	-4,47	7,99E-06	0,000262838	yes
TSS3651	S1PR5	chr19:10484417-10489668	0,47	0,07	-2,72	4,46	8,05E-06	0,000264412	yes
TSS17524	SGCD	chr5:155686344-156127376	0,02	0,11	2,28	-4,46	8,26E-06	0,000270719	yes
TSS26899	FAM124A	chr13:50694470-50756378	10,15	4,96	-1,03	4,46	8,27E-06	0,000270719	yes
TSS15294	MOSPD3	chr7:100047660-100050936	1,38	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	8,41E-06	0,000274609	yes
TSS11390	FYTTD1	chr3:198882655-198995714	0,32	0,04	-2,87	4,45	8,67E-06	0,000282472	yes
TSS9931	ANK3	chr10:61456061-62163290	0,05	0,21	1,94	-4,45	8,75E-06	0,00028463	yes
TSS17099	STAU2	chr8:74494862-74822497	0,00	0,27	1.79769e+308	1.79769e+308	8,78E-06	0,000285137	yes
TSS6583	CYFIP2	chr5:156625668-156755184	0,00	0,17	1.79769e+308	1.79769e+308	8,97E-06	0,000290901	yes
TSS9279	DCC	chr18:48120539-49316271	0,18	0,60	1,73	-4,44	9,02E-06	0,000291775	yes
TSS20337	CPD	chr17:25730067-25820801	5,97	2,92	-1,03	4,44	9,17E-06	0,00029561	yes
TSS4173	CLU	chr8:27510350-27528245	15,97	7,66	-1,06	4,44	9,16E-06	0,00029561	yes
TSS6193	AMPD3	chr11:10428443-10485702	0,39	0,07	-2,42	4,43	9,38E-06	0,000301762	yes
TSS13224	FGFR1OP	chr6:167332805-167374056	10,12	17,09	0,76	-4,43	9,60E-06	0,000308493	yes
TSS25061	SLC6A2	chr16:54247042-54297605	29,61	52,19	0,82	-4,43	9,64E-06	0,000309119	yes
TSS20874	RMRP	chr9:35647747-35648015	2,09	10,01	2,26	-4,42	9,71E-06	0,000310805	yes
TSS567	ABL2	chr1:177335084-177465442	7,11	4,75	-0,58	4,42	9,90E-06	0,000316226	yes
TSS5884	C1orf111	chr1:160610138-160613268	0,19	0,93	2,29	-4,42	1,00E-05	0,000318835	yes
TSS5827	PTPRR	chr12:69318119-69600851	0,40	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	1,03E-05	0,000326978	yes
TSS13316	SLIT1	chr10:98747784-99042420	0,94	2,40	1,36	-4,41	1,05E-05	0,000332273	yes
TSS17184	RNF146	chr6:127629519-127651398	1,63	3,55	1,12	-4,41	1,05E-05	0,000332273	yes
TSS1427	GLB1L3	chr11:133651484-133694668	0,02	0,16	3,43	-4,40	1,06E-05	0,000335142	yes
TSS301	STRA6	chr15:72258860-72289099	4,44	10,38	1,23	-4,40	1,06E-05	0,000335142	yes

TSS9571	PHLDB2	chr3:112876212-113178054	0,57	0,14	-2,01	4,40	1,08E-05	0,000339545	yes
TSS13140	KCNQ2	chr20:61507985-61574437	100,30	162,83	0,70	-4,40	1,09E-05	0,000343375	yes
TSS18778	DCX	chrX:110423662-110542116	0,18	0,65	1,82	-4,40	1,09E-05	0,000343375	yes
TSS22980	CHRM1	chr11:62432726-62445588	0,72	0,18	-1,99	4,40	1,09E-05	0,000343389	yes
TSS785	PGBD5	chr1:228524014-228580014	7,97	16,11	1,01	-4,40	1,11E-05	0,000345842	yes
TSS9021	RAI2	chrX:17728089-17789378	0,32	1,27	2,00	-4,40	1,11E-05	0,000345842	yes
TSS8296	ARHGDIB	chr12:14986216-15005829	1,52	0,37	-2,05	4,39	1,12E-05	0,000349048	yes
TSS26021	HTR2B	chr2:231629821-231745784	0,41	1,51	1,87	-4,39	1,12E-05	0,000349455	yes
TSS24441	PPP1CB	chr2:28828117-28879310	5,30	10,66	1,01	-4,39	1,12E-05	0,000349742	yes
TSS38	AQP1	chr7:30917939-30931656	21,25	10,82	-0,97	4,39	1,14E-05	0,000353742	yes
TSS19877	AP3B2	chr15:81125087-81175689	13,20	24,38	0,89	-4,39	1,14E-05	0,000354781	yes
TSS1501	ZFAND6	chr15:78138964-78217790	0,69	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	1,17E-05	0,00036074	yes
TSS20808	PDZD4	chrX:152720816-152749197	22,43	39,68	0,82	-4,38	1,17E-05	0,000362139	yes
TSS14246	TUB	chr11:8016755-8147166	28,75	49,71	0,79	-4,38	1,18E-05	0,000364659	yes
TSS12111	OPRL1	chr20:62181914-62202440	0,32	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	1,21E-05	0,000373292	yes
TSS16400	RD3	chr1:209716486-209732882	11,53	16,72	0,54	-4,37	1,23E-05	0,000378548	yes
TSS8336	MID1	chrX:10373349-10761730	0,07	0,48	2,76	-4,37	1,24E-05	0,000380291	yes
TSS23264	PTPRN	chr2:219862588-219882539	18,14	32,70	0,85	-4,37	1,24E-05	0,000380303	yes
TSS21904	ABL2	chr1:177335084-177465442	4,84	6,90	0,51	-4,36	1,30E-05	0,000396074	yes
TSS163	ALDH4A1	chr1:19070510-19101880	0,33	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	1,32E-05	0,000400664	yes
TSS26020	NIPAL4	chr5:156819604-156834308	0,34	1,07	1,66	-4,36	1,32E-05	0,000400664	yes
TSS5811	ANK3	chr10:61456061-62163290	0,00	0,10	1.79769e+308	1.79769e+308	1,35E-05	0,000410844	yes
TSS8250	PCSK1	chr5:95751795-95794741	0,00	0,09	1.79769e+308	1.79769e+308	1,35E-05	0,000411005	yes
TSS9532	DAND5	chr19:12941431-12946567	2,67	7,57	1,50	-4,35	1,36E-05	0,000413354	yes
TSS9613	CPNE1	chr20:33677366-33716292	26,41	13,37	-0,98	4,35	1,39E-05	0,000420218	yes
TSS14868	ATAD3A	chr1:1437385-1459930	0,00	0,45	1.79769e+308	1.79769e+308	1,40E-05	0,000422583	yes
TSS697	TGFB11	chr16:31390976-31396782	0,60	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	1,40E-05	0,000422583	yes
TSS434	RNF145	chr5:158516994-158569639	10,02	19,14	0,93	-4,34	1,42E-05	0,00042609	yes
TSS13554	BTBD9	chr6:38244204-38715902	0,12	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	1,44E-05	0,000432619	yes
TSS14110	SHC1	chr1:153201397-153213583	35,62	22,29	-0,68	4,34	1,44E-05	0,000433249	yes
TSS27856	SH2D3C	chr9:129540416-129580869	2,88	0,87	-1,73	4,34	1,45E-05	0,000434484	yes
TSS16471	LHFPL3	chr7:103756339-104354328	0,15	0,59	1,98	-4,33	1,48E-05	0,000443777	yes
TSS6943	CNTNAP4	chr16:74868676-75150636	0,22	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	1,49E-05	0,000444416	yes
TSS22010	CNR1	chr6:88906303-88932486	0,03	0,14	2,50	-4,33	1,51E-05	0,000448408	yes
TSS5061	COL4A1	chr13:109599310-109757497	8,11	14,71	0,86	-4,33	1,51E-05	0,000450398	yes
TSS9514	SRRM3	chr7:75669151-75754541	9,73	18,52	0,93	-4,32	1,54E-05	0,000456085	yes
TSS5016	MYO3B	chr2:170742900-171219920	0,02	0,10	2,22	-4,32	1,55E-05	0,000460372	yes
TSS15106	ZDHHC22	chr14:76667365-76677887	0,96	2,85	1,57	-4,32	1,56E-05	0,000460973	yes
TSS22701	PLXNA4	chr7:131458630-131983987	6,80	11,43	0,75	-4,32	1,56E-05	0,000461577	yes
TSS19625	TMEM184B	chr22:36945243-36998986	0,00	0,27	1.79769e+308	1.79769e+308	1,59E-05	0,000467963	yes
TSS7966	FHOD3	chr18:32131699-32614016	22,03	38,16	0,79	-4,32	1,60E-05	0,000469835	yes
TSS6282	LRFN2	chr6:40467350-40663104	1,92	5,07	1,40	-4,31	1,62E-05	0,000476226	yes
TSS24430	NR1H3	chr11:47217428-47246977	1,25	0,33	-1,93	4,31	1,64E-05	0,000480997	yes
TSS26217	SCMH1	chr1:41252848-41493117	0,00	0,37	1.79769e+308	1.79769e+308	1,67E-05	0,000488392	yes
TSS15413	MST4	chrX:130984925-131037652	1,50	0,41	-1,88	4,30	1,71E-05	0,000499	yes
TSS13593	DIS3L	chr15:64372686-64413290	4,91	1,89	-1,38	4,29	1,77E-05	0,000515408	yes
TSS21432	UNC5A	chr5:176170165-176258939	4,21	9,09	1,11	-4,29	1,77E-05	0,000515408	yes
TSS6485	WDR52	chr3:114414064-114643051	1,51	3,19	1,08	-4,29	1,77E-05	0,000515408	yes
TSS20771	MAPK11	chr22:49044268-49050906	16,10	30,24	0,91	-4,29	1,79E-05	0,000520314	yes
TSS24942	RPRM	chr2:154042097-154043568	3,08	8,67	1,50	-4,29	1,79E-05	0,000520353	yes
TSS26949	IL20RA	chr6:137362800-137407991	5,79	2,38	-1,28	4,29	1,81E-05	0,000525659	yes
TSS5429	PPP1R3B	chr8:9031173-9046562	12,35	6,55	-0,91	4,29	1,82E-05	0,000527289	yes
TSS20178	RBBP4	chr1:32889335-32940948	0,12	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	1,86E-05	0,000536539	yes
TSS2991	RUNDC3A	chr17:39741452-39751564	39,81	60,80	0,61	-4,28	1,87E-05	0,000538614	yes
TSS11957	CABLES1	chr18:18968525-19094432	1,12	3,12	1,48	-4,28	1,88E-05	0,000539834	yes
TSS22608	ANKRD6	chr6:90199615-90405195	0,00	0,17	1.79769e+308	1.79769e+308	1,88E-05	0,000539834	yes

TSS10028	KRTAP5-2	chr11:1447260-1742077	0,30	1,52	2,36	-4,28	1,89E-05	0,00054211	yes
TSS24790	RB1CC1	chr8:53697570-53789579	8,17	11,71	0,52	-4,27	1,93E-05	0,000551294	yes
TSS24306	NTRK1	chr1:155042658-155118266	0,45	0,07	-2,77	4,27	1,93E-05	0,000552376	yes
TSS25921	OCLN	chr5:68823874-68889687	0,13	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	1,95E-05	0,000555542	yes
TSS1941	SCRT1	chr8:145525261-145530751	3,07	7,09	1,21	-4,26	2,03E-05	0,000577392	yes
TSS25803	MPPED2	chr11:30362615-30564506	0,06	0,25	2,11	-4,26	2,03E-05	0,000578307	yes
TSS1874	RFTN1	chr3:16332355-16530226	53,15	90,59	0,77	-4,26	2,05E-05	0,000581504	yes
TSS14776	CXCL16	chr17:4581471-4589972	0,19	0,59	1,66	-4,26	2,09E-05	0,000592287	yes
TSS5498	XIST	chrX:72928764-72989313	13,27	22,69	0,77	-4,25	2,19E-05	0,000618818	yes
TSS1162	STOM	chr9:1231411173-123172366	0,67	0,18	-1,91	4,24	2,21E-05	0,000624024	yes
TSS9299	AK3	chr9:4699556-4732043	6,77	12,86	0,93	-4,24	2,22E-05	0,000626696	yes
TSS14898	EDA2R	chrX:65732206-65775865	0,00	0,24	1.79769e+308	1.79769e+308	2,24E-05	0,000629831	yes
TSS26498	ABTB2	chr11:34129109-34336131	1,31	3,35	1,36	-4,24	2,27E-05	0,000637876	yes
TSS8371	NCOA4	chr10:51235113-51260740	17,96	9,43	-0,93	4,24	2,28E-05	0,000639481	yes
TSS17824	PSMB8	chr6:32916471-32929726	0,06	0,48	2,95	-4,23	2,29E-05	0,000642592	yes
TSS14094	RYR2	chr1:235272324-236063911	0,03	0,11	1,92	-4,23	2,32E-05	0,000649468	yes
TSS6548	SLC9A6	chrX:134895248-134957094	1,98	4,33	1,13	-4,23	2,33E-05	0,000651204	yes
TSS5144	ELAVL4	chr1:50286272-50440127	1,61	4,90	1,61	-4,23	2,34E-05	0,000653918	yes
TSS15989	PCNA-AS1	chr20:5043598-5055268	18,98	54,00	1,51	-4,23	2,36E-05	0,000658454	yes
TSS15358	SGK1	chr6:134532076-134680889	0,05	0,35	2,93	-4,22	2,48E-05	0,00069024	yes
TSS21742	PHF21B	chr22:43655706-43784473	2,57	6,17	1,26	-4,22	2,49E-05	0,00069104	yes
TSS20646	TTC3	chr21:37367440-37497278	0,46	1,30	1,50	-4,21	2,51E-05	0,000697165	yes
TSS19462	LOC392232	chr8:73280087-73326423	0,70	2,22	1,66	-4,21	2,53E-05	0,000699391	yes
TSS22692	EPHA8	chr1:22762590-22802674	2,30	5,42	1,24	-4,21	2,54E-05	0,000701142	yes
TSS8518	LPXN	chr11:58050919-58102215	0,00	0,40	1.79769e+308	1.79769e+308	2,54E-05	0,000701142	yes
TSS23232	NEDD4L	chr18:53862616-54219752	0,00	0,10	1.79769e+308	1.79769e+308	2,56E-05	0,000705228	yes
TSS1004	PACSIN2	chr22:41595715-41741128	0,26	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	2,58E-05	0,000707508	yes
TSS11545	PRKAR1B	chr7:555359-792642	0,35	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	2,57E-05	0,000707508	yes
TSS23167	PRKACB	chr1:84316332-84476769	6,67	3,23	-1,05	4,21	2,59E-05	0,000709797	yes
TSS23826	ACVRL1	chr12:50587468-50603412	4,67	1,91	-1,29	4,20	2,63E-05	0,000721508	yes
TSS8445	EGFR	chr7:55054218-55242525	20,95	11,98	-0,81	4,20	2,64E-05	0,000721508	yes
TSS769	RNF138	chr18:27925815-27965522	5,73	2,80	-1,03	4,20	2,66E-05	0,000726896	yes
TSS18905	DNMT3A	chr2:25309348-25418963	0,83	2,03	1,29	-4,20	2,68E-05	0,000730134	yes
TSS24901	HNRNPL	chr19:44018867-44034819	13,97	27,01	0,95	-4,20	2,70E-05	0,000734398	yes
TSS11441	PEX5L	chr3:181000743-181237211	0,17	0,62	1,87	-4,20	2,72E-05	0,000739315	yes
TSS16081	DGKD	chr2:233927891-234045482	0,00	0,13	1.79769e+308	1.79769e+308	2,74E-05	0,000743352	yes
TSS4128	CDH18	chr5:19508911-20024110	0,37	0,09	-2,09	4,19	2,77E-05	0,000749662	yes
TSS26945	CORO6	chr17:24944652-24972567	6,20	13,38	1,11	-4,19	2,80E-05	0,000756691	yes
TSS6826	FAM135B	chr8:139211447-139578247	0,06	0,21	1,96	-4,19	2,85E-05	0,000768838	yes
TSS21956	TRAF5	chr1:209566579-209614909	0,00	0,20	1.79769e+308	1.79769e+308	2,87E-05	0,000773749	yes
TSS2515	RAB42	chr1:28791298-28793675	1,19	0,21	-2,53	4,18	2,93E-05	0,000789011	yes
TSS20766	GRIA2	chr4:158361185-158506676	0,22	0,04	-2,55	4,18	2,94E-05	0,000789609	yes
TSS23685	SLC7A2	chr8:17398974-17472352	9,42	5,13	-0,88	4,18	2,97E-05	0,000797152	yes
TSS27224	EPDR1	chr7:37926687-37958067	6,76	2,48	-1,45	4,17	2,98E-05	0,000799269	yes
TSS10288	NT5C3	chr7:33020266-33068934	7,09	0,01	-10,19	4,17	2,99E-05	0,000801324	yes
TSS26746	LRSAM1	chr9:129253585-129305601	2,00	0,59	-1,76	4,17	3,01E-05	0,000803976	yes
TSS13771	NOS2	chr17:23107918-23151682	0,33	1,08	1,70	-4,17	3,06E-05	0,00081557	yes
TSS9751	C15orf59	chr15:71819193-71830869	0,09	0,49	2,41	-4,17	3,07E-05	0,00081836	yes
TSS5212	FN1	chr2:215933423-216009036	23,18	16,56	-0,49	4,17	3,09E-05	0,000822742	yes
TSS11227	RUNX1T1	chr8:93036370-93184630	0,00	0,10	1.79769e+308	1.79769e+308	3,19E-05	0,000846301	yes
TSS2509	WASF3	chr13:26029839-26161082	6,15	11,67	0,92	-4,16	3,20E-05	0,000846301	yes
TSS3319	KIAA1614	chr1:179148935-179181862	4,74	9,60	1,02	-4,16	3,19E-05	0,000846301	yes
TSS8937	ZNF566	chr19:41627860-41672303	0,15	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	3,29E-05	0,000869829	yes
TSS12708	RPL18A	chr19:17831730-17835124	310,37	180,69	-0,78	4,15	3,30E-05	0,000871709	yes
TSS12380	CELF5	chr19:3175700-3248073	1,37	3,43	1,33	-4,15	3,37E-05	0,000886865	yes
TSS8922	FGF1	chr5:141951926-142057819	0,03	0,21	2,88	-4,15	3,36E-05	0,000886865	yes

TSS9800	SORBS2	chr4:186743591-187114864	0,69	0,18	-1,91	4,14	3,42E-05	0,000897886 yes
TSS17291	RPL13AP20	chr12:12919677-12920337	97,07	50,05	-0,96	4,14	3,42E-05	0,000898154 yes
TSS16251	GPBAR1	chr2:218833982-218836826	0,66	1,48	1,17	-4,14	3,43E-05	0,00089954 yes
TSS15282	PDE4B	chr1:66030780-66612850	0,18	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	3,44E-05	0,00090096 yes
TSS14971	LMO2	chr11:33836698-33870412	0,09	0,50	2,55	-4,14	3,46E-05	0,000905249 yes
TSS15801	CNKSR3	chr6:154768124-154873445	11,81	21,69	0,88	-4,14	3,47E-05	0,000906224 yes
TSS15780	FRMD4A	chr10:13725711-14412872	2,89	5,83	1,01	-4,14	3,49E-05	0,000908122 yes
TSS13876	TNNT2	chr1:199594764-199613428	2,57	0,77	-1,75	4,14	3,51E-05	0,000914233 yes
TSS7247	MTUS1	chr8:17545582-17702706	0,88	0,23	-1,91	4,14	3,53E-05	0,000916653 yes
TSS15328	ALDH3B1	chr11:67532623-67553319	0,00	0,23	1.79769e+308	1.79769e+308	3,58E-05	0,000929321 yes
TSS27488	DCN	chr12:90063165-90100937	0,00	0,35	1.79769e+308	1.79769e+308	3,65E-05	0,000946062 yes
TSS5833	KLHDC8A	chr1:203572270-203592662	0,06	0,31	2,25	-4,13	3,66E-05	0,000946062 yes
TSS20933	CAMK2N2	chr3:185450138-185493513	10,79	23,36	1,11	-4,13	3,67E-05	0,000947053 yes
TSS5022	DPP8	chr15:63525050-63597088	0,19	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	3,67E-05	0,000947777 yes
TSS1613	PRKAR1B	chr7:555359-792642	13,85	25,84	0,90	-4,13	3,71E-05	0,000954212 yes
TSS16021	RAD17	chr5:68683308-68746387	0,00	0,25	1.79769e+308	1.79769e+308	3,78E-05	0,000973306 yes
TSS21848	SCAMP5	chr15:73074928-73100889	39,04	53,12	0,44	-4,11	3,92E-05	0,00100776 yes
TSS13488	DLGAP4	chr20:34428857-34590454	1,41	3,52	1,32	-4,11	3,96E-05	0,00101446 yes
TSS8106	FAM123C	chr2:131229546-131242177	0,00	0,11	1.79769e+308	1.79769e+308	4,03E-05	0,00103161 yes
TSS7856	TAGLN3	chr3:113200275-113215425	36,51	66,60	0,87	-4,10	4,08E-05	0,00104347 yes
TSS23610	ANO3	chr11:26310253-26641412	0,28	0,87	1,64	-4,10	4,10E-05	0,00104612 yes
TSS576	RAC2	chr22:35951255-35970251	0,72	0,17	-2,09	4,10	4,15E-05	0,00105884 yes
TSS11144	PAX5	chr9:36828530-37024476	1,71	4,29	1,33	-4,10	4,17E-05	0,00106226 yes
TSS2022	RTBDN	chr19:12797295-12807230	0,77	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	4,18E-05	0,0010628 yes
TSS20199	MST4	chrX:130984925-131037652	21,17	12,17	-0,80	4,10	4,22E-05	0,00107084 yes
TSS19085	POTEF	chr2:130547577-130603265	12,08	6,37	-0,92	4,09	4,30E-05	0,00108966 yes
TSS23416	MGAT5B	chr17:72376392-72458066	6,27	11,97	0,93	-4,09	4,31E-05	0,00108966 yes
TSS27452	MXRA8	chr1:1277933-1283778	74,80	44,25	-0,76	4,09	4,35E-05	0,00110031 yes
TSS21984	KCNQ1	chr11:2422796-2826916	0,11	0,53	2,23	-4,09	4,39E-05	0,00110751 yes
TSS10695	SCHIP1	chr3:160269734-161097849	0,31	1,05	1,76	-4,08	4,47E-05	0,00112722 yes
TSS12682	ANGPTL4	chr19:8335010-8345257	1,53	0,62	-1,30	4,08	4,49E-05	0,00113061 yes
TSS19788	OLFM1	chr9:137106909-137152851	11,05	20,62	0,90	-4,07	4,71E-05	0,00118489 yes
TSS21438	TBC1D14	chr4:6962071-7110578	3,88	7,86	1,02	-4,07	4,73E-05	0,00118618 yes
TSS728	MYO1H	chr12:108310906-108370559	0,04	0,18	2,18	-4,07	4,73E-05	0,00118618 yes
TSS5915	MFNG	chr22:36195046-36212424	0,17	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	4,76E-05	0,00119105 yes
TSS27989	ADAM12	chr10:127692894-128067117	16,61	27,62	0,73	-4,07	4,78E-05	0,00119524 yes
TSS8564	YY1AP1	chr1:153895856-153925447	4,43	9,82	1,15	-4,06	4,92E-05	0,00122788 yes
TSS2899	NDRG4	chr16:57055049-57105024	1,77	0,56	-1,67	4,05	5,03E-05	0,0012537 yes
TSS18460	PIK3R1	chr5:67547339-67633405	0,00	0,12	1.79769e+308	1.79769e+308	5,07E-05	0,00126108 yes
TSS20247	TCEAL2	chrX:101267315-101269340	0,30	1,20	1,98	-4,04	5,24E-05	0,00130135 yes
TSS24342	ZNF208	chr19:21940736-21985585	0,14	0,44	1,66	-4,04	5,25E-05	0,00130164 yes
TSS24368	SYP	chrX:48931208-48943605	28,95	49,63	0,78	-4,04	5,34E-05	0,00132297 yes
TSS13180	LYN	chr8:56954939-57087560	57,83	42,52	-0,44	4,03	5,55E-05	0,00137324 yes
TSS16612	HIF1A	chr14:61231871-61284730	0,00	0,16	1.79769e+308	1.79769e+308	5,61E-05	0,00138513 yes
TSS355	LRP1B	chr2:140705465-142605740	0,03	0,11	1,82	-4,03	5,63E-05	0,00138846 yes
TSS17484	KIAA1161	chr9:34358906-34366894	6,94	12,96	0,90	-4,03	5,68E-05	0,00139942 yes
TSS19762	GOLGA8B	chr15:32604775-32663063	4,84	8,94	0,89	-4,02	5,70E-05	0,00140316 yes
TSS14628	MOBK12C	chr1:46845973-46855150	0,00	0,22	1.79769e+308	1.79769e+308	5,72E-05	0,00140541 yes
TSS1288	AKAP12	chr6:151602826-151721390	3,02	5,76	0,93	-4,02	5,75E-05	0,00141149 yes
TSS7176	GOLGA4	chr3:37259685-37383374	5,39	8,11	0,59	-4,02	5,81E-05	0,00142414 yes
TSS18278	STX1A	chr7:72751470-72771953	16,50	30,19	0,87	-4,02	5,94E-05	0,00145427 yes
TSS16806	TGIF2,TGIF2-C	chr20:34635289-34707972	15,91	8,88	-0,84	4,01	6,04E-05	0,00147505 yes
TSS5046	IFLTD1	chr12:25520282-25692755	0,96	3,19	1,73	-4,01	6,17E-05	0,001505 yes
TSS16329	SIDT1	chr3:114733907-114831112	0,08	0,28	1,89	-4,00	6,24E-05	0,00151868 yes
TSS8987	AATK	chr17:76623541-76771559	1,22	3,05	1,32	-4,00	6,24E-05	0,00151868 yes
TSS17645	RELT	chr11:72765052-72786167	0,00	0,18	1.79769e+308	1.79769e+308	6,25E-05	0,00151878 yes

TSS10024	PLAGL1	chr6:144303129-144427428	1,59	2,46	0,63	-3,99	6,50E-05	0,00157646	yes
TSS9315	FBXO44	chr1:11631004-11645971	0,00	0,21	1.79769e+308	1.79769e+308	6,59E-05	0,00159383	yes
TSS9754	SSH1	chr12:107700594-107775488	0,00	0,23	1.79769e+308	1.79769e+308	6,58E-05	0,00159383	yes
TSS20253	C2orf28	chr2:27275958-27293550	13,97	28,91	1,05	-3,99	6,65E-05	0,00160828	yes
TSS6912	BCO2	chr11:111551417-111594859	0,11	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	6,68E-05	0,00161335	yes
TSS23754	TAP1	chr6:32916471-32929726	0,09	0,37	1,99	-3,99	6,71E-05	0,00161628	yes
TSS2505	TBCK	chr4:107186681-107489830	0,23	0,84	1,87	-3,98	6,82E-05	0,00164066	yes
TSS23992	PBX3	chr9:127549437-127769476	0,40	0,07	-2,44	3,98	6,84E-05	0,00164382	yes
TSS18305	RPS3A	chr4:152240203-152245254	534,11	324,33	-0,72	3,98	6,86E-05	0,00164567	yes
TSS27595	USH1G	chr17:70423770-70430946	0,23	0,77	1,72	-3,98	6,87E-05	0,00164779	yes
TSS6050	VSTM2L	chr20:35964912-36007161	6,09	13,25	1,12	-3,98	6,92E-05	0,00165727	yes
TSS19190	LAMA4	chr6:112535826-112682521	0,83	1,49	0,85	-3,98	7,04E-05	0,00168195	yes
TSS9358	NRSN1	chr6:24234392-24255736	4,77	10,42	1,13	-3,97	7,10E-05	0,00169413	yes
TSS11616	ITGB1BP3	chr19:3884100-3893414	0,00	0,29	1.79769e+308	1.79769e+308	7,20E-05	0,00171348	yes
TSS23175	WNT7A	chr3:13835082-13896619	0,00	0,18	1.79769e+308	1.79769e+308	7,20E-05	0,00171348	yes
TSS26566	SEMA6B	chr19:4493599-4510771	0,52	1,53	1,55	-3,97	7,22E-05	0,0017176	yes
TSS18913	BSN	chr3:49566925-49683986	3,32	5,73	0,79	-3,97	7,34E-05	0,00173747	yes
TSS19201	SERPINA5	chr14:94117483-94129210	2,05	5,30	1,37	-3,97	7,33E-05	0,00173747	yes
TSS9877	ZNF804A	chr2:185171337-185512459	3,53	1,48	-1,26	3,97	7,32E-05	0,00173747	yes
TSS10096	NIPA1	chr15:20594719-20638284	5,98	3,02	-0,98	3,96	7,36E-05	0,00173979	yes
TSS351	PRAME	chr22:21220122-21231696	25,57	39,99	0,65	-3,96	7,37E-05	0,00173979	yes
TSS12596	PDE4A	chr19:10388448-10441307	0,13	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	7,42E-05	0,00174727	yes
TSS2148	FGF1	chr5:141951926-142057819	0,33	1,06	1,66	-3,96	7,41E-05	0,00174727	yes
TSS8477	ZNF521	chr18:20895885-21186212	0,89	2,30	1,38	-3,96	7,45E-05	0,00175181	yes
TSS24298	CLIP2	chr7:73341740-73458209	23,27	35,46	0,61	-3,96	7,46E-05	0,00175287	yes
TSS20571	SEMA3C	chr7:80209789-80386603	16,48	27,58	0,74	-3,96	7,49E-05	0,0017565	yes
TSS18924	IGF2AS	chr11:2106917-2139015	11,21	5,08	-1,14	3,95	7,68E-05	0,00179873	yes
TSS15990	NTRK1	chr1:155042658-155118266	8,40	16,30	0,96	-3,95	7,72E-05	0,00180745	yes
TSS7857	CDC14B	chr9:98302215-98421933	3,80	1,87	-1,03	3,95	7,86E-05	0,00183688	yes
TSS14418	SCG3	chr15:49760841-49800515	25,92	43,01	0,73	-3,95	7,93E-05	0,00184723	yes
TSS2529	SSH2	chr17:24977090-25459596	15,27	25,06	0,71	-3,95	7,92E-05	0,00184723	yes
TSS16366	TLE2	chr19:2948635-2998633	4,65	1,69	-1,46	3,94	7,98E-05	0,00185779	yes
TSS17328	PPP1R12A	chr12:78691473-78853366	4,86	9,05	0,90	-3,94	8,04E-05	0,00186946	yes
TSS4023	FOXP1	chr3:71087425-71715830	8,16	14,09	0,79	-3,94	8,07E-05	0,00187375	yes
TSS13714	MID1	chrX:10373349-10761730	0,09	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	8,09E-05	0,0018767	yes
TSS6157	KDM3A	chr2:86521781-86573350	0,87	2,31	1,41	-3,94	8,15E-05	0,00188614	yes
TSS9750	DKFZp686D081	chrX:110641545-110652283	0,36	1,08	1,58	-3,94	8,17E-05	0,00188962	yes
TSS17525	LOC100506421	chr2:104788314-104834366	0,98	2,73	1,48	-3,94	8,23E-05	0,00190163	yes
TSS14808	NLGN4X	chrX:5818082-6156706	1,48	0,54	-1,46	3,93	8,34E-05	0,00192373	yes
TSS4309	CNTNAP4	chr16:74868676-75150636	1,06	0,36	-1,57	3,93	8,51E-05	0,00196078	yes
TSS560	SDC1	chr2:20264038-20288675	5,01	10,18	1,02	-3,92	8,68E-05	0,00199589	yes
TSS5950	PDE7B	chr6:135646802-136558402	4,83	9,02	0,90	-3,92	8,76E-05	0,00201152	yes
TSS11221	VDAC1	chr5:133335464-133368723	41,89	23,91	-0,81	3,92	8,85E-05	0,00202994	yes
TSS10593	FLJ39653	chr4:15837383-15868908	54,44	34,96	-0,64	3,92	8,97E-05	0,00205574	yes
TSS26761	GNAS	chr20:56827367-56919645	389,26	228,91	-0,77	3,91	9,10E-05	0,00208201	yes
TSS10537	GLI2	chr2:121271336-121466699	3,13	1,41	-1,15	3,91	9,11E-05	0,00208268	yes
TSS21596	FAM57B	chr16:29942155-29949687	30,83	52,81	0,78	-3,91	9,13E-05	0,00208436	yes
TSS21164	LRBA	chr4:151405045-152156099	13,76	8,26	-0,74	3,91	9,24E-05	0,00210723	yes
TSS23777	ST6GAL2	chr2:106784487-106869995	0,16	0,66	2,08	-3,91	9,37E-05	0,0021329	yes
TSS3801	PDE4B	chr1:66030780-66612850	0,00	0,12	1.79769e+308	1.79769e+308	9,44E-05	0,00214581	yes
TSS21030	PADI2	chr1:17265842-17318535	0,05	0,19	2,04	-3,90	9,60E-05	0,00218081	yes
TSS24862	ZNF767	chr7:148875177-148952814	4,02	7,25	0,85	-3,90	9,82E-05	0,00222681	yes
TSS24178	NBL1	chr1:19796057-19857536	0,00	0,28	1.79769e+308	1.79769e+308	9,88E-05	0,00223527	yes
TSS5217	RUFY1	chr5:178910176-178969625	20,65	13,11	-0,66	3,89	9,87E-05	0,00223527	yes
TSS3720	GNG4	chr1:233777607-233880677	3,23	1,33	-1,28	3,89	9,96E-05	0,00225122	yes
TSS21302	CDKN2A	chr9:21957137-21984490	0,39	1,51	1,96	-3,89	0,0001018	0,00229693	yes

TSS10710	DPYSL3	chr5:146750563-146869812	135,86	236,51	0,80	-3,88	0,000102914	0,00231733	yes
TSS17224	NFIB	chr9:14071841-14388982	20,91	27,44	0,39	-3,88	0,000102966	0,00231733	yes
TSS7186	PRMT8	chr12:3470685-3573399	0,01	0,14	4,21	-3,88	0,000104025	0,00233818	yes
TSS2276	PTAFR	chr1:28346263-28393034	0,00	0,08	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000104241	0,00234007	yes
TSS20170	CCDC88A	chr2:55368481-55500561	8,54	11,45	0,42	-3,88	0,000105889	0,00237404	yes
TSS6787	SPARC	chr5:151021201-151046710	75,32	46,32	-0,70	3,88	0,000106138	0,0023766	yes
TSS16987	GRM2	chr3:51716120-51727665	0,45	1,03	1,20	-3,87	0,000106702	0,00238622	yes
TSS1384	DPY19L2	chr12:62238959-62348621	0,13	0,45	1,75	-3,87	0,000107161	0,00239344	yes
TSS14801	NBL1	chr1:19796057-19857536	0,00	0,25	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000110641	0,00246805	yes
TSS878	LIMK1	chr7:73136042-73174791	15,15	26,03	0,78	-3,86	0,000111285	0,00247929	yes
TSS445	GCG	chr2:162707630-162717160	0,36	0,07	-2,47	3,86	0,000112202	0,00249657	yes
TSS4000	ITPR1	chr3:4510031-4864524	16,14	11,82	-0,45	3,86	0,000113295	0,00251772	yes
TSS15596	MCTP2	chr15:92642433-92828185	0,12	0,39	1,66	-3,86	0,000113749	0,00252462	yes
TSS14896	DDR1	chr6:30959839-30975912	3,78	1,85	-1,03	3,86	0,000114457	0,00253716	yes
TSS14828	ADCY5	chr3:124483832-124650082	0,22	0,71	1,71	-3,85	0,000115734	0,00256225	yes
TSS26526	PTPRR	chr12:69318119-69600851	4,07	1,56	-1,38	3,85	0,000120502	0,00266448	yes
TSS26001	ABCG4	chr11:118524959-118538584	0,11	0,43	1,94	-3,84	0,000120755	0,00266673	yes
TSS2778	CELF5	chr19:3175700-3248073	0,00	0,32	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000121423	0,00267812	yes
TSS5256	NFATC4	chr14:23905984-23918650	1,41	3,11	1,13	-3,84	0,000122789	0,00270489	yes
TSS15454	CA12	chr15:61402782-61461128	0,20	0,05	-2,02	3,84	0,000123892	0,00272568	yes
TSS4693	TMEM91	chr19:46552161-46581827	0,70	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,000124042	0,00272568	yes
TSS27619	RPL21	chr13:26723691-26728702	1,22	4,69	1,95	-3,83	0,000125993	0,00275827	yes
TSS4249	SF1	chr11:64288651-64302892	73,76	95,61	0,37	-3,83	0,000125742	0,00275827	yes
TSS6770	CHD3	chr17:7728847-7756800	19,69	11,96	-0,72	3,83	0,000125981	0,00275827	yes
TSS4203	GIT2	chr12:108851989-108918577	11,64	15,56	0,42	-3,83	0,000126401	0,00276377	yes
TSS18858	RHOC	chr1:113045271-113051548	35,51	55,32	0,64	-3,83	0,000127046	0,00277445	yes
TSS26846	PDE4D	chr5:58300622-59879241	2,19	1,13	-0,95	3,83	0,000127252	0,0027755	yes
TSS7705	TPBG	chr6:83129641-83133852	1,08	2,88	1,41	-3,83	0,000128371	0,00279645	yes
TSS26215	ADM2	chr22:49266877-49271732	2,18	4,80	1,14	-3,83	0,00012895	0,00280216	yes
TSS874	LHX6	chr9:124004676-124030912	0,00	0,12	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000128886	0,00280216	yes
TSS11770	DUSP6	chr12:88265967-88270427	30,20	49,43	0,71	-3,82	0,000132338	0,00287226	yes
TSS27563	NFIA	chr1:61315533-61701048	0,18	0,05	-2,00	3,82	0,00013253	0,00287288	yes
TSS5015	AGPAT3	chr21:44109543-44231903	5,88	3,05	-0,95	3,82	0,000133102	0,00288175	yes
TSS5053	RORA	chr15:58567774-59308794	0,27	0,72	1,44	-3,82	0,000134664	0,002912	yes
TSS21773	TMEM59L	chr19:18584681-18592849	23,91	42,16	0,82	-3,82	0,000135088	0,0029176	yes
TSS11168	FHL1	chrX:135056526-135121184	22,75	12,48	-0,87	3,82	0,000135529	0,00292354	yes
TSS1023	ZNF138	chr7:63892205-63931460	5,13	7,37	0,52	-3,81	0,000136583	0,00293554	yes
TSS11702	EEF1B2	chr2:206732562-206735898	116,80	86,65	-0,43	3,81	0,000136384	0,00293554	yes
TSS24886	GABRG3	chr15:24799174-25451968	0,28	0,93	1,73	-3,81	0,000136439	0,00293554	yes
TSS1345	RREB1	chr6:7052828-7197212	3,07	1,94	-0,66	3,81	0,000137432	0,00294661	yes
TSS19631	FBXO8	chr4:175394384-175491106	50,93	30,81	-0,73	3,81	0,000137375	0,00294661	yes
TSS1271	RUNX1T1	chr8:93036370-93184630	0,68	1,30	0,92	-3,81	0,00013801	0,00295184	yes
TSS15041	C14orf39	chr14:59972426-60022517	0,08	0,30	1,98	-3,81	0,000137904	0,00295184	yes
TSS342	SEMA5A	chr5:9088137-9599233	0,69	0,26	-1,41	3,81	0,000138199	0,0029523	yes
TSS20572	IRF5	chr7:128365229-128377324	0,34	0,06	-2,43	3,81	0,000139424	0,00297488	yes
TSS16992	SLC9A6	chrX:134895248-134957094	5,47	2,60	-1,07	3,81	0,000140897	0,00300269	yes
TSS16141	COL4A3BP	chr5:74702683-74931402	0,00	0,09	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000141739	0,00301699	yes
TSS20362	TMEM215	chr9:32773496-32779199	0,12	0,40	1,68	-3,80	0,000142521	0,00302998	yes
TSS13057	PICALM	chr11:85345861-85458571	9,26	4,70	-0,98	3,80	0,000143177	0,00304028	yes
TSS5594	HES4	chr1:924204-925415	8,85	17,04	0,95	-3,80	0,000143515	0,0030438	yes
TSS21752	CENPO	chr2:24866639-24995559	7,70	13,84	0,85	-3,80	0,000143793	0,00304603	yes
TSS15926	PAX2	chr10:102495457-102579688	0,02	0,11	2,46	-3,80	0,000144092	0,00304872	yes
TSS18185	RNF146	chr6:127629519-127651398	8,06	12,45	0,63	-3,80	0,000145775	0,00308063	yes
TSS16907	MDH1	chr2:63202038-63687834	54,77	31,63	-0,79	3,80	0,000146852	0,00309603	yes
TSS7822	GOLT1A	chr1:202433910-202449843	0,24	0,99	2,03	-3,80	0,000146854	0,00309603	yes
TSS27721	ZNF682	chr19:19976226-20011277	0,00	0,15	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000148401	0,0031212	yes

TSS855	SPRY1	chr4:124537405-124544359	2,00	5,00	1,32	-3,79	0,000148386	0,0031212	yes
TSS21165	KIF1C	chr17:4841966-4872418	13,66	8,22	-0,73	3,79	0,00015054	0,00315865	yes
TSS4314	GPC6	chr13:92677078-93858274	12,50	7,41	-0,76	3,79	0,000150484	0,00315865	yes
TSS9855	SH2D3C	chr9:129540416-129580869	2,10	5,14	1,29	-3,79	0,000152203	0,00318976	yes
TSS24446	TARBP2	chr12:52180971-52186482	17,09	9,31	-0,88	3,79	0,00015258	0,00319388	yes
TSS19405	NCS1	chr9:131974677-132039404	7,98	13,96	0,81	-3,79	0,000153365	0,00320271	yes
TSS19848	KIAA0182	chr16:84202529-84267313	10,00	5,78	-0,79	3,79	0,000153243	0,00320271	yes
TSS8402	BTBD11	chr12:106236326-106577549	0,71	1,80	1,35	-3,78	0,000153753	0,00320703	yes
TSS17958	SLC7A2	chr8:17398974-17472352	1,06	0,44	-1,27	3,78	0,000157065	0,00326838	yes
TSS5600	ATP1B1	chr1:167342570-167603810	86,84	139,28	0,68	-3,78	0,000156998	0,00326838	yes
TSS17546	EIF2B4	chr2:27440722-27446828	9,02	3,76	-1,26	3,78	0,000159618	0,00331762	yes
TSS18969	BMPR1B	chr4:95898150-96298624	12,01	6,92	-0,80	3,77	0,0001611	0,00334448	yes
TSS20392	CHRNA2	chr2:233099165-233108449	1,73	0,56	-1,61	3,77	0,000162432	0,00336818	yes
TSS16846	NADK	chr1:1672530-1701368	0,03	0,21	3,03	-3,77	0,000162773	0,0033713	yes
TSS8475	ELN	chr7:73080362-73122172	45,11	38,01	-0,25	3,77	0,000163185	0,00337586	yes
TSS23816	WDR35	chr2:19973509-20053365	7,24	10,66	0,56	-3,77	0,00016347	0,00337781	yes
TSS19990	CDH3	chr16:67235651-67290458	0,16	0,50	1,66	-3,77	0,000165365	0,00340978	yes
TSS22989	ASPHD1	chr16:29819647-29824878	10,20	20,60	1,01	-3,77	0,000165404	0,00340978	yes
TSS8574	RNF182	chr6:14032655-14088219	5,14	9,81	0,93	-3,76	0,000167286	0,00344457	yes
TSS10407	CENPF	chr1:212843154-212904537	29,87	48,12	0,69	-3,76	0,000168466	0,0034608	yes
TSS11796	DDAH1	chr1:85556755-85816634	51,84	82,98	0,68	-3,76	0,000168428	0,0034608	yes
TSS21905	GIPC3	chr19:3536568-3544539	0,08	0,28	1,81	-3,76	0,000168764	0,00346289	yes
TSS15032	PDP1	chr8:94998258-95007472	0,88	0,28	-1,66	3,76	0,000169871	0,00348156	yes
TSS14718	SEC16B	chr1:176164864-176205673	0,24	0,73	1,60	-3,76	0,000172926	0,00354008	yes
TSS7378	MAPK8IP2	chr22:49385996-49396845	0,00	0,15	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000174676	0,00357175	yes
TSS16624	FOXN4	chr12:108200165-108231408	1,91	4,44	1,22	-3,75	0,000179897	0,00367003	yes
TSS16783	CHRM3	chr1:237858995-238139340	27,84	45,68	0,71	-3,75	0,000179703	0,00367003	yes
TSS12050	PLEKHD1	chr14:69021223-69064968	0,28	0,92	1,72	-3,74	0,000181714	0,00369906	yes
TSS24386	CYTL1	chr4:5067214-5072098	0,34	1,22	1,84	-3,74	0,000181739	0,00369906	yes
TSS27965	GATA2	chr3:129680954-129694720	12,76	22,07	0,79	-3,74	0,000182372	0,00370766	yes
TSS20914	CHST11	chr12:103374821-103679922	6,77	9,54	0,49	-3,74	0,000182722	0,00371052	yes
TSS19147	RAX	chr18:55085246-55091605	0,57	1,60	1,49	-3,74	0,000183392	0,00371984	yes
TSS6423	PRKD1	chr14:29115437-29466650	1,12	0,39	-1,53	3,74	0,000185145	0,0037511	yes
TSS11405	IGF2	chr11:2106917-2139015	890,24	425,80	-1,06	3,74	0,000185681	0,00375765	yes
TSS10325	T	chr6:166491075-166502121	0,36	1,10	1,61	-3,73	0,000188105	0,00379855	yes
TSS17349	IRX6	chr16:53915971-53922173	0,05	0,24	2,14	-3,73	0,000188132	0,00379855	yes
TSS2109	NECAB2	chr16:82559737-82593880	0,52	1,60	1,63	-3,73	0,000189432	0,00382043	yes
TSS10923	PACSIN1	chr6:34541830-34612017	0,10	0,34	1,76	-3,73	0,000190448	0,00383655	yes
TSS15629	PIK3R1	chr5:67547339-67633405	1,24	2,86	1,20	-3,73	0,000190796	0,00383917	yes
TSS8143	RNF152	chr18:57633283-57711284	4,15	9,43	1,18	-3,73	0,000192215	0,00386333	yes
TSS1497	EXT2	chr11:44073674-44223556	11,44	6,06	-0,92	3,73	0,000193485	0,00387956	yes
TSS23566	DPYSL5	chr2:26924472-27026723	66,62	107,24	0,69	-3,73	0,000193424	0,00387956	yes
TSS6426	SH2D3C	chr9:129540416-129580869	1,54	3,94	1,36	-3,73	0,000193681	0,00387956	yes
TSS23781	ABCA2	chr9:139021506-139051055	0,25	0,71	1,53	-3,73	0,000194308	0,00388769	yes
TSS18920	NFKBIZ	chr3:102980718-103062559	0,24	0,74	1,65	-3,72	0,00019617	0,00392051	yes
TSS15262	LANCL1	chr2:211004217-211049744	14,41	8,30	-0,80	3,72	0,000196848	0,00392962	yes
TSS6954	GALC	chr14:87469110-87529762	0,24	0,05	-2,38	3,72	0,000197594	0,00394006	yes
TSS7233	GRIA2	chr4:158361185-158506676	0,58	1,20	1,05	-3,72	0,00020023	0,00398813	yes
TSS17709	SYK	chr9:92603832-92700663	0,00	0,09	1.79769e+308	1.79769e+308	0,0002024	0,0040268	yes
TSS2413	CORO2B	chr15:66658361-66807198	0,00	0,10	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000203563	0,00404538	yes
TSS17111	TPR	chr1:184532027-184611080	18,32	29,11	0,67	-3,71	0,000207151	0,00410746	yes
TSS2391	OLFM2	chr19:9825393-9908070	27,65	46,58	0,75	-3,71	0,000206933	0,00410746	yes
TSS17575	SPATA13	chr13:23632860-23779212	2,40	3,92	0,71	-3,71	0,000208254	0,00412469	yes
TSS6701	CBLN2	chr18:68354894-68362703	22,84	13,22	-0,79	3,71	0,000208569	0,00412629	yes
TSS27615	LRRFC4	chr7:127079437-127519895	1,98	4,46	1,17	-3,71	0,000210682	0,0041605	yes
TSS3716	H2AFY	chr5:134697969-134763476	0,25	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,000210769	0,0041605	yes

TSS8644	STC2	chr5:172674331-172689112	1,40	3,13	1,16	-3,70	0,00021203	0,00418072	yes
TSS22998	MICU1	chr10:73797089-74055955	0,26	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,000213279	0,00420067	yes
TSS298	NRG1	chr8:31616809-32742100	0,46	1,24	1,42	-3,70	0,000215737	0,00424435	yes
TSS6219	EIF4E3	chr3:71811129-71887018	0,81	1,98	1,29	-3,70	0,000215988	0,00424456	yes
TSS4438	TXK	chr4:47763166-47831030	0,04	0,18	2,12	-3,70	0,000217598	0,00427144	yes
TSS9383	VSTM2A	chr7:54577512-54606913	7,06	2,74	-1,37	3,70	0,000218648	0,0042873	yes
TSS1913	ZNF655	chr7:98993980-99012013	14,36	19,93	0,47	-3,70	0,000219408	0,00429743	yes
TSS27935	SLTM	chr15:56958535-57013144	16,32	22,35	0,45	-3,69	0,000220676	0,00431748	yes
TSS25402	GLI1	chr12:56140184-56159900	0,11	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,000221449	0,00432781	yes
TSS15236	ARL6IP6	chr2:153282668-153326013	23,70	15,04	-0,66	3,69	0,000223387	0,00436085	yes
TSS15012	RELL2	chr5:140996700-141011170	7,63	13,34	0,81	-3,69	0,000223933	0,0043667	yes
TSS13727	DMD	chrX:31047265-33267647	0,18	0,05	-1,79	3,69	0,00022676	0,00441593	yes
TSS3866	NPTX2	chr7:98084532-98097117	17,62	29,70	0,75	-3,69	0,000227149	0,00441593	yes
TSS6430	IGFBP2	chr2:217206371-217237403	240,09	382,95	0,67	-3,69	0,000227208	0,00441593	yes
TSS21426	LINGO1	chr15:75692423-75711764	1,17	2,97	1,35	-3,69	0,000228275	0,00443179	yes
TSS19857	MTRNR2L9	chr6:62341966-62342493	141,69	79,86	-0,83	3,68	0,000229712	0,00445481	yes
TSS2886	FYN	chr6:112089171-112301348	0,00	0,22	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000230283	0,00446098	yes
TSS19280	ZNF655	chr7:98993980-99012013	11,22	7,21	-0,64	3,68	0,000231104	0,00447197	yes
TSS3988	ABR	chr17:853508-1037366	12,51	20,24	0,69	-3,68	0,000233982	0,00452271	yes
TSS4303	TMEM176B	chr7:150119308-150133141	0,13	0,62	2,26	-3,68	0,000235677	0,0045505	yes
TSS5631	HNRNPA1	chr12:52960754-52965297	249,82	187,38	-0,41	3,68	0,000237749	0,0045855	yes
TSS17054	SYN2	chr3:12020861-12208532	7,67	12,00	0,65	-3,67	0,000238623	0,00459232	yes
TSS26466	EYA4	chr6:133604187-133894951	4,17	2,65	-0,65	3,67	0,000238538	0,00459232	yes
TSS6394	C1orf201	chr1:24518398-24614174	0,15	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,000239511	0,00460439	yes
TSS14342	TTC39C	chr18:19826734-19969572	1,29	0,47	-1,47	3,67	0,00024139	0,00463045	yes
TSS27519	CCDC64	chr12:118912030-119016682	2,32	5,22	1,17	-3,67	0,000241237	0,00463045	yes
TSS18206	TJP3	chr19:3679373-3701682	0,03	0,14	2,35	-3,67	0,000244403	0,00467302	yes
TSS23433	ZMYM2	chr13:19430809-19563968	3,83	6,27	0,71	-3,67	0,000244176	0,00467302	yes
TSS8876	SPTBN4	chr19:45664965-45774205	0,91	2,00	1,14	-3,67	0,00024422	0,00467302	yes
TSS16240	CHL1	chr3:213649-426097	0,10	0,31	1,59	-3,67	0,000244885	0,00467716	yes
TSS15461	UBE3B	chr12:108399821-108458890	22,77	30,52	0,42	-3,67	0,000245406	0,00468055	yes
TSS27520	NTRK2	chr9:86473285-86828325	0,06	0,22	1,86	-3,67	0,000245592	0,00468055	yes
TSS10892	KHDRBS3	chr8:136538897-136729030	27,86	15,76	-0,82	3,67	0,000246368	0,00469029	yes
TSS13010	LOC283547	chr14:38288293-38455837	0,46	1,25	1,45	-3,67	0,000247336	0,00470365	yes
TSS3060	ZNF580	chr19:60844203-60846648	25,52	12,21	-1,06	3,66	0,000247635	0,00470427	yes
TSS19795	SLC39A8	chr4:103391220-103485678	4,82	1,99	-1,27	3,66	0,000249522	0,00473503	yes
TSS12071	ZNF652	chr17:44721566-44794834	1,28	2,53	0,98	-3,66	0,0002498	0,00473521	yes
TSS11865	ALLC	chr2:3683660-3728135	0,05	0,24	2,42	-3,66	0,000251418	0,00476077	yes
TSS24398	DPY19L2P1	chr7:35095980-35113871	0,08	0,29	1,77	-3,66	0,000253644	0,00479779	yes
TSS8614	TMEM108	chr3:134239860-134599309	44,13	33,69	-0,39	3,66	0,000253978	0,00479896	yes
TSS20145	ACSL3	chr2:223433975-223516363	17,92	23,81	0,41	-3,65	0,000258894	0,00488663	yes
TSS12639	BZW2	chr7:16652283-16712673	105,97	75,57	-0,49	3,65	0,0002625	0,00494939	yes
TSS18610	DNM1	chr9:129968164-130057348	21,97	32,82	0,58	-3,65	0,000266068	0,00501133	yes
TSS18781	LOC150622	chr2:5990269-6037801	0,05	0,16	1,62	-3,65	0,000266356	0,0050114	yes
TSS19226	LARP7	chr4:113679937-113798191	6,98	13,66	0,97	-3,64	0,000268885	0,00505361	yes
TSS18626	CDON	chr11:125331922-125438397	16,19	10,06	-0,69	3,64	0,00026946	0,00505904	yes
TSS12423	8-mrt	chr10:45272822-45410360	6,29	2,59	-1,28	3,64	0,000269785	0,00505975	yes
TSS27093		chr1:62674562-62690063	17,04	10,15	-0,75	3,64	0,00027248	0,00510488	yes
TSS4011	FLNC	chr7:128257718-128286564	18,05	13,31	-0,44	3,64	0,000272811	0,00510567	yes
TSS23363	BMP7	chr20:55177215-55275114	3,99	7,68	0,95	-3,64	0,000275331	0,00514737	yes
TSS15727	CHD3	chr17:7728847-7756800	18,20	28,79	0,66	-3,64	0,000275844	0,00515152	yes
TSS20354	PMP22	chr17:15073820-15109369	11,78	22,03	0,90	-3,63	0,00027883	0,00520178	yes
TSS20146	LOC157627	chr8:9794983-9798249	0,35	1,01	1,54	-3,63	0,000283999	0,00529263	yes
TSS11253	FAM122B	chrX:133731261-133816307	0,63	1,79	1,50	-3,63	0,000288474	0,00536471	yes
TSS11386	SEC22C	chr3:42564462-42665237	0,00	0,28	1.79769e+308	1.79769e+308	0,00028825	0,00536471	yes
TSS17500	CNKSRI	chr1:26376567-26388962	0,37	0,08	-2,16	3,62	0,000289436	0,00537694	yes

TSS4415	NKTR	chr3:42564462-42665237	8,01	13,12	0,71	-3,62	0,000293236	0,00544181	yes
TSS11356	SCN3B	chr11:123005104-123030525	7,78	11,85	0,61	-3,62	0,000294615	0,00546167	yes
TSS28038	HYOU1	chr11:118420105-118433135	20,03	32,06	0,68	-3,62	0,000296524	0,00549128	yes
TSS19806	CASP4	chr11:104318803-104344535	0,33	0,07	-2,22	3,62	0,00029711	0,00549638	yes
TSS14186	SUSD4	chr1:221460783-221604167	0,37	0,93	1,34	-3,61	0,000301478	0,00557134	yes
TSS23883	TSPAN7	chrX:38305674-38433116	27,08	15,19	-0,83	3,61	0,000305934	0,00564778	yes
TSS7686	RPL9	chr4:39132139-39136963	36,40	18,14	-1,01	3,61	0,000307652	0,00567358	yes
TSS13646	GALNT13	chr2:154436671-155018735	6,05	10,39	0,78	-3,60	0,000318406	0,00586518	yes
TSS24475	UPK3BL	chr7:101965370-102099412	7,99	16,89	1,08	-3,60	0,000318706	0,00586518	yes
TSS26897	S100A11	chr1:150271605-150276135	234,03	143,84	-0,70	3,60	0,000319614	0,00587577	yes
TSS24396	SPON2	chr4:1150720-1192750	0,00	0,14	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000325079	0,00597003	yes
TSS16931	AKAP2	chr9:111442888-111974612	0,21	0,59	1,53	-3,59	0,000325466	0,00597093	yes
TSS2045	SPTBN4	chr19:45664965-45774205	2,98	6,67	1,16	-3,59	0,000326524	0,00598413	yes
TSS20910	TMEM132A	chr11:60448488-60475833	42,38	54,47	0,36	-3,59	0,00032868	0,0060174	yes
TSS11567	C1orf106	chr1:199127249-199151487	0,09	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,000330155	0,00603815	yes
TSS18662	CYP26A1	chr10:94823221-94827631	0,13	0,02	-2,94	3,58	0,000340036	0,00621243	yes
TSS4849	TSPAN13	chr7:16759875-16790686	38,43	22,87	-0,75	3,58	0,000341822	0,0062386	yes
TSS20650	MBNL2	chr13:96672574-96844375	8,54	5,64	-0,60	3,58	0,00034282	0,00625036	yes
TSS4299	TFAMP1	chr7:1620631-1622854	1,79	0,64	-1,48	3,58	0,000343925	0,00626404	yes
TSS11769	NBEA	chr13:34414423-35603514	29,36	46,28	0,66	-3,58	0,000347703	0,00632633	yes
TSS16760	SYT4	chr18:39101854-39111613	76,95	121,00	0,65	-3,58	0,000349177	0,00634009	yes
TSS27846	PPP1R9A	chr7:94374884-94763663	1,41	2,42	0,78	-3,58	0,000348839	0,00634009	yes
TSS17363	KIAA0930	chr22:43966786-44015314	0,41	1,10	1,41	-3,58	0,000349869	0,00634614	yes
TSS10926	NELL2	chr12:43188324-43593978	1,04	0,35	-1,59	3,57	0,000352524	0,00638774	yes
TSS16384	SUSD2	chr22:22907443-22915074	8,99	4,65	-0,95	3,57	0,00035417	0,00641098	yes
TSS1495	XYLT1	chr16:17103681-17472239	12,32	19,37	0,65	-3,57	0,00035792	0,00647224	yes
TSS13885	ELAVL4	chr1:50286272-50440127	28,89	47,69	0,72	-3,57	0,000358408	0,00647444	yes
TSS13335	BSX	chr11:122353566-122357589	0,00	0,31	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000361616	0,00652572	yes
TSS10905	ZEB1	chr10:31648106-31858748	0,10	0,02	-2,16	3,57	0,000362537	0,00653566	yes
TSS17733	FKBP5	chr6:35649339-35812702	0,03	0,19	2,49	-3,57	0,000363591	0,00654797	yes
TSS18705	TAGLN3	chr3:113200275-113215425	19,55	32,60	0,74	-3,56	0,000364175	0,00655181	yes
TSS27214	RASAL2	chr1:176327265-176715271	0,23	0,07	-1,70	3,56	0,0003667	0,00659053	yes
TSS21813	ARHGEF10L	chr1:17738916-17896957	5,69	10,19	0,84	-3,56	0,00036938	0,00662788	yes
TSS21931	FGF1	chr5:141951926-142057819	0,03	0,16	2,47	-3,56	0,000369529	0,00662788	yes
TSS14993	RAB3A	chr19:18168610-18175874	23,74	40,77	0,78	-3,56	0,000371241	0,00665185	yes
TSS11179	INA	chr10:105026909-105040098	40,30	63,16	0,65	-3,56	0,000371628	0,00665203	yes
TSS1950	RERG	chr12:15151982-15265678	1,01	2,36	1,23	-3,56	0,000375665	0,00671749	yes
TSS19583	ZNF583	chr19:61607194-61628212	0,15	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,000377429	0,0067422	yes
TSS9427	PKN1	chr19:14405165-14443679	45,84	71,73	0,65	-3,55	0,000378545	0,00675531	yes
TSS25792	RPL23A	chr17:24071126-24078076	359,57	230,91	-0,64	3,55	0,000381471	0,00680066	yes
TSS27582	FAM63A	chr1:149235924-149247478	0,00	0,18	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000382005	0,00680331	yes
TSS7882	CA10	chr17:47062672-47592376	0,09	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,000384756	0,00683851	yes
TSS8391	DNM3OS	chr1:170077243-170648480	2,22	4,31	0,96	-3,55	0,000384665	0,00683851	yes
TSS16880	BDNF	chr11:27484974-27700181	0,26	0,08	-1,80	3,55	0,000386567	0,0068569	yes
TSS522	DIO3	chr14:101097440-101099542	4,85	10,04	1,05	-3,55	0,000386303	0,0068569	yes
TSS25608	WDR81	chr17:1566566-1588643	1,25	0,49	-1,36	3,55	0,000388322	0,00688113	yes
TSS14380	SYT7	chr11:61039360-61104874	2,61	5,21	1,00	-3,55	0,000390088	0,00690549	yes
TSS3325	CRMP1	chr4:5873391-5945686	88,13	137,72	0,64	-3,55	0,000390983	0,00691442	yes
TSS3108	DSCAML1	chr11:116803698-117173186	0,15	0,05	-1,73	3,55	0,000392104	0,00692729	yes
TSS4961	SEPP1	chr5:42792676-42847781	0,35	0,07	-2,24	3,54	0,000394333	0,00695972	yes
TSS2284	SOX5	chr12:23576497-24606647	0,04	0,19	2,24	-3,54	0,00039646	0,00699028	yes
TSS23113	DLK1	chr14:100262954-100271220	3258,95	1602,04	-1,02	3,54	0,000397753	0,00700609	yes
TSS18825	DMTF1	chr7:86619612-86686967	13,89	19,20	0,47	-3,54	0,000400212	0,00703536	yes
TSS2973	LCOR	chr10:98582006-98714188	0,24	0,08	-1,67	3,54	0,000399848	0,00703536	yes
TSS26102	PDZRN4	chr12:39868516-40254659	0,09	0,31	1,88	-3,54	0,000402037	0,00706043	yes
TSS26047	TMEM151A	chr11:65815948-65820711	6,17	11,78	0,93	-3,54	0,000407126	0,00714269	yes

TSS1261	ARHGAP33	chr19:40958256-40971564	4,42	6,80	0,62	-3,53	0,000409039	0,00716204	yes
TSS2931	METTL7A	chr12:49604800-49612567	32,25	20,09	-0,68	3,53	0,000408815	0,00716204	yes
TSS3343	CD99P1	chrY:2537305-2585270	0,67	0,19	-1,80	3,53	0,000411925	0,00720543	yes
TSS12852	SREBF1	chr17:17525511-17681050	26,82	36,94	0,46	-3,53	0,000413078	0,00721845	yes
TSS2490	NRXN1	chr2:49999146-51113178	0,64	1,14	0,84	-3,53	0,000415261	0,00724942	yes
TSS5125	KCTD1	chr18:22288871-22474306	6,36	2,62	-1,28	3,53	0,000416332	0,00725577	yes
TSS7459	BOK	chr2:242132473-242162226	2,70	1,07	-1,34	3,53	0,000416446	0,00725577	yes
TSS10933	USP20	chr9:131637516-131683928	0,00	0,08	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000417337	0,00726414	yes
TSS1519	LMO4	chr1:87566738-87587194	0,14	0,42	1,54	-3,53	0,000420677	0,00731506	yes
TSS11316	PACSLN2	chr22:41595715-41741128	0,50	1,42	1,50	-3,53	0,000422316	0,00733633	yes
TSS22882	NR1D2	chr3:23961754-23997113	5,06	8,88	0,81	-3,52	0,000427285	0,00741537	yes
TSS4694	RIF1	chr2:151974642-152042106	2,04	3,74	0,87	-3,52	0,000431052	0,0074734	yes
TSS9784	PALM	chr19:659952-699330	35,55	53,64	0,59	-3,52	0,000433623	0,00751061	yes
TSS2482	CCDC88C	chr14:90807419-90953941	5,59	9,28	0,73	-3,52	0,000434921	0,00752571	yes
TSS11581	LYNX1	chr8:143842757-143856642	2,02	4,19	1,05	-3,52	0,000437731	0,00755953	yes
TSS24824	DYRK2	chr12:66328778-66342711	12,82	17,56	0,45	-3,52	0,000437549	0,00755953	yes
TSS11922	FNDC3B	chr3:173240111-173601186	3,74	1,91	-0,97	3,51	0,000443443	0,00764322	yes
TSS8233	IFLTD1	chr12:25520282-25692755	0,23	0,82	1,84	-3,51	0,000443265	0,00764322	yes
TSS3515	ISLR2	chr15:72208767-72216196	13,54	21,96	0,70	-3,51	0,000444126	0,00764754	yes
TSS26188	TPPP	chr5:712976-746510	1,54	3,18	1,05	-3,51	0,000446044	0,00767309	yes
TSS2891	VGLL4	chr3:11289009-11737220	2,69	5,56	1,05	-3,51	0,000448521	0,0077082	yes
TSS9566	MGLL	chr3:128890598-129024741	0,02	0,12	2,72	-3,51	0,000450544	0,00773544	yes
TSS21273	CLUL1	chr18:586997-702662	0,00	0,18	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000456357	0,00782004	yes
TSS7689	CAPN13	chr2:30799141-30883815	0,04	0,16	2,12	-3,51	0,00045592	0,00782004	yes
TSS9343	ASAP2	chr2:9264344-9463263	17,56	25,37	0,53	-3,50	0,000459299	0,00786283	yes
TSS13707	ATP5G2	chr12:52345210-52356779	0,00	0,29	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000461003	0,00788435	yes
TSS6509	MAPK8IP3	chr16:1696221-1760319	15,70	22,16	0,50	-3,50	0,000461649	0,00788777	yes
TSS5044	PMP22	chr17:15073820-15109369	0,00	0,20	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000467057	0,00797245	yes
TSS4424	GPR158	chr10:25487006-25931163	0,03	0,11	1,82	-3,50	0,000469165	0,00800072	yes
TSS12959	APC2	chr19:1401147-1430228	18,86	29,17	0,63	-3,50	0,000472059	0,00803455	yes
TSS16852	PCBP4	chr3:51964369-51976522	62,65	88,67	0,50	-3,50	0,000471843	0,00803455	yes
TSS9094	ISLR2	chr15:72208767-72216196	8,86	14,86	0,75	-3,49	0,000474295	0,00806484	yes
TSS3330	CELF6	chr15:70364121-70399579	1,23	2,95	1,26	-3,49	0,000477706	0,00811504	yes
TSS13292	MKLN1	chr7:130445394-130831938	0,56	0,21	-1,41	3,49	0,000481449	0,00817076	yes
TSS19017	TMEM54	chr1:33124684-33139540	25,00	44,95	0,85	-3,49	0,000482717	0,00818441	yes
TSS25228	TIAM2	chr6:155453114-155677309	0,00	0,12	1.79769e+308	1.79769e+308	0,00048851	0,00827469	yes
TSS4294	SLC35D2	chr9:98122808-98185813	37,56	22,18	-0,76	3,48	0,000493317	0,00834811	yes
TSS1928	XAGE1B	chrX:52544884-52550028	4,35	1,40	-1,64	3,48	0,000499098	0,00842174	yes
TSS2897	XAGE1E	chrX:52271944-52277088	4,35	1,40	-1,64	3,48	0,000499098	0,00842174	yes
TSS7758	USP1	chr1:62674562-62690063	9,50	15,97	0,75	-3,48	0,000498204	0,00842174	yes
TSS11321	ITGA11	chr15:66381095-66511546	0,24	0,08	-1,65	3,48	0,000502827	0,00847378	yes
TSS14064	PRDM10	chr11:129274810-129380591	0,12	0,36	1,58	-3,48	0,000503141	0,00847378	yes
TSS553	PTPRS	chr19:5156518-5291814	38,18	47,04	0,30	-3,48	0,000507697	0,00854236	yes
TSS16723	XAGE1C	chrX:52255534-52260678	4,34	1,40	-1,63	3,48	0,000508948	0,00855526	yes
TSS21898	GGT1	chr22:23309717-23354972	0,12	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,000510626	0,00857532	yes
TSS3503	SIPA1L2	chr1:230600334-230717866	11,97	18,90	0,66	-3,47	0,000513212	0,00861055	yes
TSS15161	SULT4A1	chr22:42551719-42589711	1,77	4,15	1,23	-3,47	0,000517029	0,00866637	yes
TSS5026	SSPN	chr12:26239535-26278975	1,62	0,64	-1,36	3,47	0,000517736	0,00866999	yes
TSS19780	RTN1	chr14:59132446-59407310	2,64	5,55	1,07	-3,47	0,00052566	0,00879436	yes
TSS8995	CREB5	chr7:28305464-28832036	0,11	0,34	1,58	-3,47	0,000526306	0,00879682	yes
TSS15248	HNRNPL	chr19:44018867-44034819	103,31	66,51	-0,64	3,46	0,00053259	0,0088862	yes
TSS25814	LPP	chr3:189351687-190091154	0,18	0,06	-1,45	3,46	0,000532659	0,0088862	yes
TSS13304	CKMT1A	chr15:41772375-41778712	34,70	55,74	0,68	-3,46	0,00053624	0,0089375	yes
TSS656	COL17A1	chr10:105781035-105835628	0,12	0,03	-1,82	3,46	0,00054304	0,0090423	yes
TSS2326	NIF3L1	chr2:201462294-201476900	0,28	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,000544093	0,00905131	yes
TSS27122	SPOCK1	chr5:136338885-136862917	11,01	17,79	0,69	-3,46	0,000548701	0,00911938	yes

TSS10430	COL19A1	chr6:70633168-70978878	0,14	0,39	1,44	-3,45	0,000550403	0,00912173	yes
TSS1164	GFOD1	chr6:13471565-13595848	0,13	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,000550284	0,00912173	yes
TSS26414	C1orf226	chr1:160615319-160623232	0,36	1,34	1,91	-3,45	0,000551424	0,00912173	yes
TSS4122	ABCG1	chr21:42492867-42590423	4,34	6,73	0,63	-3,45	0,000550967	0,00912173	yes
TSS501	ZNF701	chr19:57765337-57782239	0,12	0,02	-2,40	3,45	0,000550427	0,00912173	yes
TSS7162	DMD	chrX:31047265-33267647	1,85	0,87	-1,09	3,45	0,000553528	0,00914798	yes
TSS1868	C1orf187	chr1:11674367-11702923	0,70	1,91	1,45	-3,45	0,000554262	0,00915155	yes
TSS2762	TEF	chr22:40093337-40125276	0,53	0,17	-1,63	3,45	0,000554964	0,00915457	yes
TSS5500	RPS13	chr11:17052514-17055796	680,16	441,91	-0,62	3,45	0,000561301	0,00925046	yes
TSS936	FBXW8	chr12:115833143-115953336	32,35	24,58	-0,40	3,45	0,000562118	0,00925531	yes
TSS4794	CIZ1	chr9:129968164-130057348	0,00	0,11	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000565271	0,00929855	yes
TSS25192	DDC	chr7:50493627-50600648	184,59	137,32	-0,43	3,44	0,000572496	0,00940864	yes
TSS20070	DGKB	chr7:14151198-14847600	0,95	0,41	-1,23	3,44	0,000579542	0,00951559	yes
TSS4995	SH3BP2	chr4:2764547-2812621	0,15	0,43	1,48	-3,44	0,000585695	0,00960768	yes
TSS1959	PHYHIP1	chr10:60606353-60792667	0,00	0,09	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000591651	0,00969637	yes
TSS25330	GOLGB1	chr3:122864737-122951292	6,03	9,54	0,66	-3,43	0,000594889	0,00973219	yes
TSS25652	ASB9	chrX:15172029-15198510	1,58	0,85	-0,89	3,43	0,000594938	0,00973219	yes
TSS22280	KIF3C	chr2:26002958-26058947	34,12	52,36	0,62	-3,43	0,000596266	0,00974489	yes
TSS15196	TMEM151B	chr6:44346457-44355160	6,98	11,79	0,76	-3,43	0,000597996	0,00976414	yes
TSS27605	YAP1	chr11:101486401-101609364	4,10	2,82	-0,54	3,43	0,000605574	0,00987471	yes
TSS8656	TDRG1	chr6:40454140-40455609	0,11	0,45	2,04	-3,43	0,000605886	0,00987471	yes
TSS8724	ISLR2	chr15:72208767-72216196	2,01	4,09	1,03	-3,43	0,000607737	0,00989575	yes
TSS27791	RNF146	chr6:127629519-127651398	4,48	0,00	-11,22	3,43	0,00061243	0,00996298	yes
TSS12601	PLEKHA7	chr11:16765782-16992539	0,48	1,20	1,33	-3,43	0,000614776	0,00999194	yes
TSS22312	CLPTM1	chr19:50149681-50188444	3,07	1,22	-1,33	3,42	0,00061605	0,0100034	yes
TSS16236	KRIT1	chr7:91666218-91713350	1,42	3,09	1,12	-3,42	0,000627341	0,0101712	yes
TSS2532	RBMS3	chr3:29297806-30026890	12,64	16,72	0,40	-3,42	0,000627534	0,0101712	yes
TSS27699	JAG2	chr14:104679120-104706206	0,79	1,82	1,22	-3,42	0,000630001	0,0102019	yes
TSS10985	PABPN1	chr14:22845810-22865234	11,28	18,94	0,75	-3,42	0,000632814	0,010238	yes
TSS18464	EIF2AK2	chr2:37187202-37237694	0,00	0,14	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000633928	0,0102467	yes
TSS25288	KIFC3	chr16:56349629-56393940	0,10	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,000635442	0,0102524	yes
TSS4036	SEMA3F	chr3:50167851-50201512	3,71	1,69	-1,14	3,42	0,000634922	0,0102524	yes
TSS24177	CD99P1	chrX:2537305-2585270	0,64	0,19	-1,74	3,42	0,000637296	0,0102729	yes
TSS7255	IL17RC	chr3:9933757-9950305	10,84	7,47	-0,54	3,41	0,000645659	0,0103982	yes
TSS27379	DLX5	chr7:96487637-96492079	0,30	0,93	1,61	-3,41	0,000650094	0,0104601	yes
TSS17918	LARGE	chr22:31999061-32646416	1,30	2,35	0,85	-3,41	0,000652828	0,0104946	yes
TSS4611	DDHD2	chr8:38208165-38239444	4,29	2,10	-1,03	3,40	0,000663936	0,0106634	yes
TSS1968	TMEM178	chr2:39746141-39798607	0,30	0,92	1,60	-3,40	0,000670594	0,0107606	yes
TSS5366	LHFPL4	chr3:9515044-9570486	12,27	19,50	0,67	-3,40	0,000671586	0,0107667	yes
TSS19522	ABCC8	chr11:17371007-17455025	0,22	0,60	1,43	-3,40	0,000682764	0,010936	yes
TSS20778	SNURF	chr15:22619886-22774822	11,66	28,98	1,31	-3,40	0,000684906	0,0109604	yes
TSS20102	CACNG4	chr17:62391441-62459980	257,41	422,10	0,71	-3,39	0,000687503	0,0109878	yes
TSS3124	SEMA6D	chr15:45263694-45853712	1,34	2,28	0,77	-3,39	0,000687866	0,0109878	yes
TSS18213	SOX6	chr11:15944570-16454511	0,04	0,15	1,76	-3,39	0,000689652	0,0110064	yes
TSS3208	SLC27A6	chr5:128329108-128397234	0,47	0,13	-1,87	3,39	0,000692414	0,0110405	yes
TSS1057	NKX2-5	chr5:172591712-172594921	0,02	0,14	2,68	-3,39	0,000701835	0,0111806	yes
TSS141	GDF15	chr19:18357967-18360986	9,35	18,68	1,00	-3,39	0,000705925	0,0112357	yes
TSS24167	HAS3	chr16:67696967-67723994	0,38	0,12	-1,69	3,39	0,000711256	0,0113103	yes
TSS476	DCLK1	chr13:34414423-35603514	2,05	3,73	0,87	-3,38	0,000711954	0,0113112	yes
TSS17992	ZSCAN18	chr19:63287020-63321605	8,48	13,55	0,68	-3,38	0,000715861	0,0113631	yes
TSS8131	SGK3	chr8:67742340-67936811	0,15	0,47	1,63	-3,38	0,000717718	0,0113823	yes
TSS21021	NRXN3	chr14:77939845-79400513	0,14	0,04	-1,72	3,38	0,000719454	0,0113996	yes
TSS8852	AOAH	chr7:36519073-36730679	0,02	0,11	2,55	-3,38	0,000720569	0,0114071	yes
TSS16728	ANK1	chr8:41629900-41873437	0,51	1,18	1,22	-3,38	0,000727526	0,0115069	yes
TSS24196	RPL19P12	chr7:102502563-102576805	60,49	36,60	-0,72	3,38	0,000728431	0,0115109	yes
TSS18612	PFKM	chr12:46785922-46826454	29,04	18,16	-0,68	3,38	0,000732942	0,0115718	yes

TSS23229	DHRS2	chr14:23175412-23184688	1,57	3,86	1,30	-3,37	0,000741621	0,0116984	yes
TSS27569	MAMLD1	chrX:149282208-149433106	0,08	0,29	1,78	-3,37	0,000755375	0,0119047	yes
TSS8811	PTPRA	chr20:2769372-2967315	1,66	3,77	1,18	-3,37	0,000758975	0,0119508	yes
TSS18007	SLC12A7	chr5:1103488-1165172	2,53	4,78	0,92	-3,36	0,000765674	0,0120456	yes
TSS17878	UNC80	chr2:210344961-210572269	1,50	2,23	0,57	-3,36	0,000768141	0,0120674	yes
TSS26585	MEIS2	chr15:34970513-35180792	36,32	46,83	0,37	-3,36	0,000768426	0,0120674	yes
TSS18795	SLC35D3	chr6:137285094-137288469	14,30	7,93	-0,85	3,36	0,000770862	0,0120949	yes
TSS1376	DCTN1	chr2:74441788-74474516	3,29	6,19	0,91	-3,36	0,000772423	0,0121086	yes
TSS20480	QKI	chr6:163755664-163919618	18,97	13,20	-0,52	3,36	0,000775768	0,0121503	yes
TSS16683	NEBL	chr10:21108908-21503122	1,08	2,15	0,99	-3,36	0,000783402	0,012259	yes
TSS17163	ECE1	chr1:21416326-21544621	11,60	7,00	-0,73	3,35	0,000794106	0,0123935	yes
TSS25394	PPP2R2A	chr8:26204923-26286112	6,50	3,36	-0,95	3,36	0,000793628	0,0123935	yes
TSS7312	ASPH	chr8:62363078-62789753	1,91	3,30	0,79	-3,36	0,000793383	0,0123935	yes
TSS18343	GTF2IP1	chr7:74239039-74291395	40,49	26,21	-0,63	3,35	0,000795995	0,012412	yes
TSS7720	GPRC5A	chr12:12935222-12957867	0,13	0,40	1,60	-3,35	0,000797548	0,0124253	yes
TSS11183	RALGPS1	chr9:128716873-129025266	0,33	0,07	-2,33	3,35	0,000798292	0,0124259	yes
TSS5353	CCDC77	chr12:259483-422067	2,48	1,07	-1,22	3,35	0,000804223	0,0125072	yes
TSS10974	RIMS2	chr8:104582151-105335832	1,83	3,49	0,93	-3,35	0,000805899	0,0125113	yes
TSS1235	CDKN1A	chr6:36752214-36763095	86,47	131,43	0,60	-3,35	0,000805624	0,0125113	yes
TSS24418	NCOA1	chr2:24660849-24847074	8,39	10,86	0,37	-3,35	0,000808163	0,0125354	yes
TSS16649	DKKL1	chr19:54558798-54570185	0,00	0,30	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000813082	0,0125896	yes
TSS25077	GAD1	chr2:171381445-171425905	0,50	1,08	1,12	-3,35	0,000812769	0,0125896	yes
TSS6838	SLC25A25	chr9:129870299-129911345	0,00	0,09	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000818584	0,0126637	yes
TSS11198	EFR3B	chr2:25118476-25235508	6,61	10,56	0,68	-3,34	0,000824695	0,0127359	yes
TSS7047	ZBTB20	chr3:115539636-116348817	0,07	0,27	1,88	-3,34	0,000824479	0,0127359	yes
TSS3082	XAGE1A	chrX:52528485-52533629	4,71	1,64	-1,52	3,34	0,000837668	0,012925	yes
TSS19528	DLC1	chr8:12985242-13416800	3,39	1,82	-0,90	3,34	0,000842019	0,0129808	yes
TSS788	FAM13C	chr10:60606353-60792667	1,06	1,81	0,77	-3,34	0,000844634	0,0130097	yes
TSS13177	LOC729178	chr6:147204217-147753305	0,02	0,10	2,26	-3,34	0,000845632	0,0130137	yes
TSS9168	C1QTNF1	chr17:74526885-74557465	0,11	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,00084666	0,0130182	yes
TSS639	DRGX	chr10:50244166-50269913	10,42	21,95	1,07	-3,33	0,000859612	0,0132059	yes
TSS8545	RPL24	chr3:102882623-102888253	218,77	138,15	-0,66	3,33	0,000862653	0,0132411	yes
TSS7741	TJP2	chr9:70926043-71059944	2,19	4,23	0,95	-3,33	0,000877148	0,0134519	yes
TSS25403	NCOA4	chr10:51235113-51260740	0,08	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,000879	0,0134686	yes
TSS9438	AGAP1	chr2:236067474-236698859	15,47	20,69	0,42	-3,33	0,00088112	0,0134894	yes
TSS12136	VDAC2	chr10:76639917-76661212	52,61	32,49	-0,70	3,32	0,000885569	0,0135458	yes
TSS25804	MAD2L2	chr1:11657123-11674265	27,62	46,83	0,76	-3,32	0,000890242	0,0136055	yes
TSS14831	PCDHGA6	chr5:140690435-140872732	0,60	1,17	0,97	-3,32	0,000897429	0,0137034	yes
TSS15363	CDHR1	chr10:85944391-85969356	0,36	0,89	1,32	-3,32	0,000908873	0,0138662	yes
TSS10551	SPATA2	chr20:47953335-47965487	0,19	0,04	-2,14	3,32	0,000913632	0,0139268	yes
TSS6907	CCDC112	chr5:114630783-114660357	0,00	0,11	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000916951	0,0139653	yes
TSS7606	SLC6A2	chr16:54247042-54297605	21,52	33,67	0,65	-3,31	0,00092537	0,0140814	yes
TSS15235	MPPED2	chr11:30362615-30564506	1,38	3,27	1,24	-3,31	0,000928482	0,0141045	yes
TSS1942	INSM1	chr20:20296764-20299592	0,02	0,09	2,33	-3,31	0,000928012	0,0141045	yes
TSS3238	PRKACA	chr19:14063506-14089559	24,64	15,12	-0,70	3,31	0,000930043	0,014116	yes
TSS7738	FSTL4	chr5:132560050-132976122	0,10	0,28	1,51	-3,31	0,000932064	0,0141346	yes
TSS16536	BLCAP	chr20:35579232-35589747	0,00	0,14	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000939896	0,0142167	yes
TSS20439	C17orf55	chr17:76891218-76897643	0,31	0,83	1,43	-3,31	0,000938553	0,0142167	yes
TSS26401	SNPH	chr20:1194959-1237971	1,78	3,57	1,00	-3,31	0,000939796	0,0142167	yes
TSS364	MSRB3	chr12:63958689-64146954	3,57	5,51	0,63	-3,31	0,000942512	0,0142435	yes
TSS801	PKP2	chr12:32834946-32941047	4,99	2,59	-0,95	3,31	0,00094328	0,0142435	yes
TSS10574	RTKN	chr2:74506495-74522568	0,00	0,13	1.79769e+308	1.79769e+308	0,000950439	0,0143394	yes
TSS11365	PDCD2	chr6:170726584-170735705	5,10	2,56	-0,99	3,30	0,000952516	0,0143584	yes
TSS25213	NRG1	chr8:31616809-32742100	0,79	1,99	1,34	-3,30	0,000957999	0,0144288	yes
TSS11809	GALNT6	chr12:50032099-50071467	23,68	15,23	-0,64	3,30	0,000964862	0,0145198	yes
TSS18687	GATA5	chr20:60471947-60484421	0,29	0,79	1,46	-3,30	0,000967227	0,014543	yes

TSS13238	BCAT1	chr12:24854224-24993660	14,59	21,87	0,58	-3,30	0,000970084	0,0145735	yes
TSS23017	RPS27A	chr2:55253187-55316493	111,76	70,54	-0,66	3,30	0,000971971	0,0145895	yes
TSS1563	SLC22A17	chr14:22885366-22891920	48,72	74,33	0,61	-3,30	0,000973889	0,0146059	yes
TSS15686	LOC650226	chr7:56458890-56483562	0,01	0,14	3,62	-3,30	0,000981166	0,0147025	yes
TSS15567	FAM155B	chrX:68641802-68669076	1,00	2,27	1,18	-3,30	0,000982346	0,0147077	yes
TSS12282	TTC9B	chr19:45413804-45416146	1,75	4,57	1,38	-3,29	0,000986561	0,014751	yes
TSS20827	KIAA0895	chr7:36330283-36459925	0,09	0,30	1,80	-3,29	0,000988253	0,014751	yes
TSS22377	RTN1	chr14:59132446-59407310	88,20	133,53	0,60	-3,29	0,000988576	0,014751	yes
TSS6439	ADD3	chr10:111695306-111885313	12,08	7,21	-0,74	3,29	0,000987095	0,014751	yes
TSS6187	ERV3-1	chr7:64072264-64104559	5,77	10,25	0,83	-3,29	0,000991511	0,0147823	yes
TSS12465	DNM3	chr1:170077243-170648480	0,11	0,30	1,42	-3,29	0,00099385	0,0148047	yes
TSS5174	RGS2	chr1:191044791-191048030	19,77	33,86	0,78	-3,29	0,000995076	0,0148105	yes
TSS7841	TRIM14	chr9:99858779-99921309	5,65	3,02	-0,90	3,29	0,00100741	0,0149814	yes
TSS4598	USP20	chr9:131637516-131683928	7,14	9,96	0,48	-3,29	0,00100997	0,0150068	yes
TSS14949	ASPDH	chr19:55706668-55709759	0,31	1,06	1,77	-3,29	0,00101276	0,015023	yes
TSS7712	DTNA	chr18:30327251-30725806	0,07	0,23	1,73	-3,29	0,00101244	0,015023	yes
TSS15116	LOC338651	chr11:1447260-1742077	1,42	3,36	1,24	-3,29	0,00101597	0,015058	yes
TSS17534	SYNCRIP	chr6:86374220-86409762	11,36	7,45	-0,61	3,29	0,00101726	0,0150645	yes
TSS25347	ABCG1	chr21:42492867-42590423	0,00	0,09	1.79769e+308	1.79769e+308	0,00102093	0,0151062	yes
TSS24587	ATP5A1	chr18:41918107-41938197	0,15	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,00102939	0,0152186	yes
TSS23108	ZNF596	chr8:148344-187339	0,00	0,10	1.79769e+308	1.79769e+308	0,00104298	0,0154066	yes
TSS307	C1D	chr2:68122835-68143663	14,71	10,43	-0,50	3,28	0,00104546	0,0154304	yes
TSS18091	SLC6A2	chr16:54247042-54297605	57,31	86,50	0,59	-3,28	0,00104755	0,0154483	yes
TSS6339	FBLN2	chr3:13565624-13654923	5,17	2,69	-0,94	3,27	0,00106366	0,01567	yes
TSS9039	RTN2	chr19:50680389-50692153	17,23	28,34	0,72	-3,27	0,00106436	0,01567	yes
TSS16891	LRR36	chr16:65918247-65976610	0,11	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,0010887	0,0159884	yes
TSS23438	VPS13A	chr9:78981491-79222219	4,30	5,42	0,34	-3,27	0,00108828	0,0159884	yes
TSS24262	LOC100506451	chr12:25998854-26124092	1,94	0,63	-1,62	3,27	0,00108825	0,0159884	yes
TSS10283	FRMD3	chr9:85052126-85343168	5,03	9,48	0,91	-3,27	0,00109344	0,0160447	yes
TSS19156	SPTAN1	chr9:130354657-130458950	95,84	119,57	0,32	-3,26	0,00109751	0,016091	yes
TSS10621	GPRC5B	chr16:19777793-19803652	4,37	2,04	-1,10	3,26	0,00110845	0,016238	yes
TSS16161	ABCD2	chr12:38231288-38300110	5,70	9,45	0,73	-3,26	0,00111238	0,016282	yes
TSS4014	ESRRG	chr1:214743210-215377720	13,14	20,34	0,63	-3,26	0,00112256	0,0164175	yes
TSS24962	GRM1	chr6:146390474-146800424	0,07	0,20	1,50	-3,26	0,00112483	0,0164371	yes
TSS11698	TCF7	chr5:133478300-133511819	0,08	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,00113931	0,0166348	yes
TSS3270	TMUB1	chr7:150409104-150411553	4,33	9,00	1,05	-3,25	0,00114861	0,0167489	yes
TSS7310	SCN4B	chr11:117509301-117528840	0,20	0,06	-1,77	3,25	0,00114901	0,0167489	yes
TSS26255	SERF1A	chr5:69356827-69374696	0,59	1,62	1,47	-3,25	0,0011564	0,0168426	yes
TSS2560	KLF11	chr2:10101132-10112414	1,89	3,88	1,04	-3,25	0,00116398	0,0169391	yes
TSS12164	CHGA	chr14:92459197-92471393	1273,36	744,41	-0,77	3,25	0,00117128	0,0170313	yes
TSS10209	SEMA7A	chr15:72488682-72513352	0,51	1,29	1,34	-3,24	0,00117762	0,0171093	yes
TSS4605	EIF5A	chr17:7151041-7156506	18,95	9,80	-0,95	3,24	0,00118075	0,0171407	yes
TSS13110	LOC649330	chr1:12829822-12831165	4,37	10,06	1,20	-3,24	0,00118608	0,017204	yes
TSS18794	GPR19	chr12:12705261-12740388	1,96	4,53	1,21	-3,24	0,00119374	0,0173009	yes
TSS2058	DST	chr6:56430743-56615653	8,45	12,59	0,58	-3,24	0,00119887	0,017361	yes
TSS24544	GSDMD	chr8:144706699-144716374	0,09	0,32	1,87	-3,24	0,00120959	0,0175019	yes
TSS19182	3-mrt	chr5:126231304-126394339	0,67	1,57	1,23	-3,23	0,00122148	0,0176594	yes
TSS2536		chr7:127777614-127788975	115,33	144,31	0,32	-3,23	0,00122319	0,0176697	yes
TSS4291	PPAP2B	chr1:56733006-56817845	8,77	14,58	0,73	-3,23	0,00122705	0,0177111	yes
TSS3155	THRB	chr3:24133648-24511317	0,15	0,32	1,07	-3,23	0,00123227	0,0177719	yes
TSS27724	MAPRE3	chr2:27047028-27103591	11,59	20,10	0,79	-3,23	0,0012354	0,0178024	yes
TSS15754	ABTB1	chr3:128874470-128882459	5,53	8,63	0,64	-3,23	0,00123733	0,0178157	yes
TSS6349	TAGLN2	chr1:158154526-158161908	387,05	257,49	-0,59	3,23	0,00125443	0,0180473	yes
TSS24643	ALMS1P	chr2:73725553-73766202	0,37	1,03	1,47	-3,23	0,00125562	0,0180497	yes
TSS20281	BCL11A	chr2:60531805-60634137	3,35	2,19	-0,61	3,22	0,00126908	0,0182135	yes
TSS26613	MAPK8IP2	chr22:49385996-49396845	31,18	47,15	0,60	-3,22	0,00126896	0,0182135	yes

TSS17602	CHST8	chr19:38804700-38956254	19,92	31,93	0,68	-3,22	0,00127365	0,0182383	yes
TSS26700	GDAP1	chr8:75425172-75441890	23,15	35,18	0,60	-3,22	0,0012739	0,0182383	yes
TSS7081	FBLL1	chr5:167889159-167890217	24,15	41,37	0,78	-3,22	0,0012737	0,0182383	yes
TSS1049	GTF2IP1	chr7:72206947-72259272	28,09	18,16	-0,63	3,22	0,00127602	0,0182538	yes
TSS7013	SERF1A	chr5:70232245-70250113	0,57	1,58	1,46	-3,22	0,00128615	0,0183838	yes
TSS23231	SYNE1	chr6:152484511-153000227	0,14	0,32	1,20	-3,22	0,00128829	0,0183996	yes
TSS12822	RPL9	chr4:39132139-39136963	3,27	1,12	-1,54	3,22	0,00129024	0,0184077	yes
TSS13877	PRKAR1B	chr7:555359-792642	26,01	18,16	-0,52	3,22	0,00129095	0,0184077	yes
TSS15976	FBXO7	chr22:31200706-31224818	29,26	17,62	-0,73	3,22	0,00130183	0,0185348	yes
TSS6064	MYCN	chr2:15997470-16004580	6,32	3,16	-1,00	3,22	0,00130195	0,0185348	yes
TSS10162	NDUFAF3	chr3:49019640-49035930	31,76	16,98	-0,90	3,21	0,0013077	0,0185962	yes
TSS21592	KLHL13	chrX:116915803-117135331	6,40	3,47	-0,88	3,21	0,00130838	0,0185962	yes
TSS15562	SYT17	chr16:19087138-19186055	2,84	1,18	-1,27	3,21	0,00131889	0,0187305	yes
TSS11505	KCNK9	chr8:140693985-140784481	0,23	0,71	1,61	-3,21	0,0013328	0,018913	yes
TSS20981	SERBP1	chr1:67646080-67668711	59,16	47,36	-0,32	3,21	0,00133626	0,0189467	yes
TSS24602	TCF15	chr20:532636-538910	0,86	2,24	1,38	-3,21	0,00133791	0,018955	yes
TSS17938	PLXNB1	chr3:48420264-48446464	3,05	5,23	0,78	-3,21	0,00134331	0,0190162	yes
TSS15550	BMP2	chr20:6696744-6708910	1,79	3,79	1,09	-3,21	0,00134947	0,0190763	yes
TSS24403	FAM123C	chr2:131229546-131242177	0,21	0,56	1,39	-3,21	0,00134972	0,0190763	yes
TSS4204	GGA1	chr22:36334426-36359517	14,99	21,41	0,51	-3,20	0,00136024	0,0192097	yes
TSS2502	PORCN	chrX:48252314-48264146	0,97	2,48	1,36	-3,20	0,00136417	0,0192466	yes
TSS3723	THSD4	chr15:69220841-69862776	1,90	3,35	0,82	-3,20	0,00136503	0,0192466	yes
TSS12597	NAP1L1	chr12:74724938-74765005	115,00	92,49	-0,31	3,20	0,00137505	0,0193724	yes
TSS18161	BRD2	chr6:33044414-33057260	1,47	0,61	-1,26	3,20	0,00138061	0,0194043	yes
TSS3895	IRX3	chr16:52874712-52877879	0,90	2,18	1,27	-3,20	0,00137963	0,0194043	yes
TSS4468	CD6	chr11:60495690-60544424	0,10	0,29	1,57	-3,20	0,00137918	0,0194043	yes
TSS10848	CYLD	chr16:49333461-49393347	1,86	0,92	-1,02	3,20	0,00138435	0,0194259	yes
TSS25501	HSP90AB4P	chr15:56675801-56829469	2,97	1,21	-1,30	3,20	0,00138403	0,0194259	yes
TSS9069	AKT1	chr14:104306731-104333125	12,27	19,88	0,70	-3,19	0,00140046	0,0196365	yes
TSS16101	TGIF1	chr18:3402071-3448406	4,88	10,02	1,04	-3,19	0,0014096	0,019749	yes
TSS10523	PDLIM3	chr4:186658808-186693706	15,32	9,11	-0,75	3,19	0,00141508	0,01981	yes
TSS24473	DDAH1	chr1:85556755-85816634	0,07	0,25	1,86	-3,19	0,0014193	0,0198533	yes
TSS7886	STXBP2	chr19:7607990-7618759	0,37	0,11	-1,68	3,19	0,00142161	0,01987	yes
TSS25303	SGSM1	chr22:23532135-23652813	2,18	3,76	0,79	-3,19	0,00143321	0,0200162	yes
TSS17024	UGP2	chr2:63921601-63972200	1,68	0,64	-1,39	3,19	0,00143587	0,0200322	yes
TSS3021	SUMO2	chr17:70675419-70690693	325,68	241,79	-0,43	3,19	0,00143662	0,0200322	yes
TSS17899	ZNF146	chr19:41365026-41421515	21,68	26,81	0,31	-3,19	0,00143867	0,0200351	yes
TSS4387	CNTF	chr11:58103162-58149781	1,67	0,63	-1,40	3,19	0,0014391	0,0200351	yes
TSS4167	MGST1	chr12:16391342-16408611	0,28	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,00144188	0,020058	yes
TSS13135	MME	chr3:156280129-156384212	0,56	0,21	-1,40	3,19	0,0014451	0,020087	yes
TSS21879	PDZK1P1	chr1:145932717-145950955	0,13	0,37	1,48	-3,18	0,00145823	0,0202536	yes
TSS17661	EFHD1	chr2:233179010-233255735	1,70	3,93	1,21	-3,18	0,0014609	0,0202747	yes
TSS20593	EDA2R	chrX:65732206-65775865	0,37	0,97	1,39	-3,18	0,00146458	0,0203098	yes
TSS16954	ADAM19	chr5:156836889-156935361	3,35	5,72	0,77	-3,18	0,00146784	0,0203391	yes
TSS17309	ZNF117	chr7:64072264-64104559	5,41	8,74	0,69	-3,18	0,00147119	0,0203695	yes
TSS20728	ANKRD6	chr6:90199615-90405195	0,93	1,62	0,81	-3,18	0,00147537	0,0204115	yes
TSS12144	NAV1	chr1:199884072-200062725	2,22	3,66	0,72	-3,18	0,00148219	0,0204896	yes
TSS14626	ADAM11	chr17:40192093-40214740	2,23	4,29	0,94	-3,18	0,0014903	0,0205857	yes
TSS18888	ZNF423	chr16:48082021-48418419	41,72	61,98	0,57	-3,18	0,00149507	0,0206355	yes
TSS2691	TRHDE	chr12:70933553-71345689	0,13	0,04	-1,62	3,17	0,00151467	0,0208897	yes
TSS27119	BBC3	chr19:52415918-52427863	5,03	9,92	0,98	-3,17	0,00153252	0,0211193	yes
TSS27969	ANGPT2	chr8:6251520-6488548	0,38	0,74	0,99	-3,17	0,0015341	0,0211246	yes
TSS24724	GBP2	chr1:89345897-89364387	0,83	0,32	-1,38	3,17	0,00154196	0,0212164	yes
TSS8542	GABBR1	chr6:29677983-29708941	1,12	2,26	1,02	-3,17	0,0015497	0,0213063	yes
TSS5885	KIRREL2	chr19:41039649-41049888	1,05	2,29	1,12	-3,16	0,00157856	0,0216862	yes
TSS23556	MEST	chr7:129913281-130021946	2,82	1,23	-1,20	3,16	0,001599	0,0219379	yes

TSS4435	ARHGAP6	chrX:11065583-11593742	1,33	0,64	-1,05	3,16	0,00159937	0,0219379	yes
TSS11205	BIN1	chr2:127522076-127581334	53,47	66,16	0,31	-3,15	0,00162266	0,0222401	yes
TSS23891	C3orf37	chr3:130480373-130506825	1,25	3,06	1,30	-3,15	0,00163394	0,0223744	yes
TSS3229	C7orf53	chr7:111908143-111918179	0,13	0,50	1,98	-3,15	0,00163499	0,0223744	yes
TSS13428	PLEKHG5	chr1:6443800-6502656	2,27	0,00	-11,66	3,15	0,00164251	0,0224599	yes
TSS2311	CNTN4	chr3:2115549-3074645	5,58	9,16	0,72	-3,15	0,00164679	0,0225011	yes
TSS20043	STEAP1B	chr7:22425587-22506426	0,50	0,20	-1,30	3,15	0,00165112	0,0225427	yes
TSS14783	AMPD3	chr11:10428443-10485702	0,17	0,00	-5,56	3,15	0,00165515	0,0225731	yes
TSS8367	CHRD	chr3:185580554-185590311	0,08	0,25	1,56	-3,15	0,0016559	0,0225731	yes
TSS3595	DLL3	chr19:44681396-44690961	19,17	12,48	-0,62	3,14	0,00166686	0,0227051	yes
TSS20626	ZNF418	chr19:63125063-63138552	0,02	0,09	2,04	-3,14	0,00167553	0,0228055	yes
TSS16020	SAMD4A	chr14:54104079-54329783	5,15	7,12	0,47	-3,14	0,00168111	0,0228489	yes
TSS17772	BCL2	chr18:58941558-59137593	4,56	7,33	0,68	-3,14	0,0016813	0,0228489	yes
TSS7438	LSP1	chr11:1830775-1870069	6,92	3,19	-1,12	3,14	0,00169024	0,0229527	yes
TSS23728	EMID2	chr7:100792841-100989024	0,98	2,23	1,19	-3,14	0,00169523	0,0229792	yes
TSS3123	DACT1	chr14:58174509-58184791	0,01	0,11	3,56	-3,14	0,0016974	0,0229792	yes
TSS3269	MAPRE2	chr18:30810889-30976376	0,94	0,35	-1,42	3,14	0,00169466	0,0229792	yes
TSS3394	CGREF1	chr2:27163114-27195499	9,27	4,62	-1,01	3,14	0,00169658	0,0229792	yes
TSS7718	NID2	chr14:51541269-51605696	4,41	2,39	-0,88	3,14	0,00170571	0,0230742	yes
TSS13379	LOC100506451	chr12:25998854-26124092	1,17	3,11	1,41	-3,13	0,00173382	0,0234365	yes
TSS12855	SLC4A3	chr2:220200535-220214946	4,07	6,33	0,64	-3,13	0,0017592	0,0237613	yes
TSS11059	ANO4	chr12:99712504-100046550	0,14	0,04	-1,67	3,13	0,00176721	0,0238513	yes
TSS4451	ZNF37A	chr10:38423269-38452284	3,01	4,28	0,51	-3,13	0,00177068	0,0238798	yes
TSS10929	UPP1	chr7:48094879-48114855	0,36	0,08	-2,11	3,12	0,00178152	0,024004	yes
TSS8415	NDRG2	chr14:20554761-20563775	9,46	13,45	0,51	-3,12	0,0017826	0,024004	yes
TSS8439	AFF3	chr2:99530147-100125469	0,55	1,21	1,12	-3,12	0,00178901	0,024072	yes
TSS24075	UBE2H	chr7:129257808-129380036	27,54	38,83	0,50	-3,12	0,00179556	0,0241416	yes
TSS7576	ALDOA	chr16:29971911-29989242	210,46	142,46	-0,56	3,12	0,00179703	0,0241431	yes
TSS11756	ST3GAL5	chr2:85919781-85969668	1,54	3,47	1,17	-3,12	0,00180733	0,0242116	yes
TSS16781	RPL31	chr2:100985122-101134278	0,64	0,20	-1,64	3,12	0,00180429	0,0242116	yes
TSS528	ARHGEF10L	chr1:17738916-17896957	0,57	1,36	1,25	-3,12	0,00180761	0,0242116	yes
TSS6755	BBIP1	chr10:112621542-112669114	0,00	0,12	1.79769e+308	1.79769e+308	0,00180584	0,0242116	yes
TSS10439	JAKMIP1	chr4:6078826-6253219	4,97	9,02	0,86	-3,12	0,00181087	0,0242368	yes
TSS26965	AZU1	chr19:778830-783017	0,09	0,35	1,99	-3,12	0,00182368	0,0243713	yes
TSS27464	C6	chr5:41178092-41297297	0,15	0,41	1,45	-3,12	0,00182252	0,0243713	yes
TSS24640	KLHDC9	chr1:159334774-159336762	0,13	0,49	1,90	-3,12	0,00183062	0,0244456	yes
TSS23746	ST8SIA3	chr18:53170718-53187159	7,00	10,60	0,60	-3,12	0,00183441	0,0244777	yes
TSS23419	MAN1A1	chr6:119540965-119712625	14,37	9,05	-0,67	3,11	0,00184114	0,024549	yes
TSS5839	RPL7	chr8:74365427-74368423	182,98	121,79	-0,59	3,11	0,0018566	0,0247365	yes
TSS6053	RAPGEF4	chr2:173296162-173625866	1,81	0,79	-1,19	3,11	0,00186739	0,0248614	yes
TSS11281	NCCRP1	chr19:44379443-44384362	0,05	0,18	1,93	-3,11	0,00188331	0,0250545	yes
TSS19426	LEPR	chr1:65658718-65875764	10,32	7,01	-0,56	3,10	0,00190755	0,025358	yes
TSS10488	FBLIM1	chr1:15957841-15985671	11,84	18,72	0,66	-3,10	0,00191303	0,0254117	yes
TSS2442	P2RX5,P2RX5	chr17:3486510-3546447	1,90	1,14	-0,75	3,10	0,00192296	0,0255243	yes
TSS10878	PID1	chr2:229596932-229844301	1,59	3,39	1,09	-3,10	0,00192948	0,0255533	yes
TSS25107	VPS13C	chr15:59931881-60139956	4,58	6,17	0,43	-3,10	0,00192791	0,0255533	yes
TSS7569	NR3C1	chr5:142637688-142795270	1,95	1,22	-0,68	3,10	0,00192824	0,0255533	yes
TSS2567	CGNL1	chr15:55455996-55630213	0,46	1,02	1,15	-3,10	0,00193912	0,0256618	yes
TSS19917	SUGP2	chr19:18962696-19005380	27,70	35,26	0,35	-3,10	0,00194954	0,0257803	yes
TSS6512	KRT19	chr17:36933394-36938167	0,27	0,08	-1,87	3,10	0,00195411	0,0258215	yes
TSS10708	SP1	chr12:52060245-52096493	7,13	4,45	-0,68	3,09	0,00196913	0,0260005	yes
TSS14431	PCDHGB7	chr5:140690435-140872732	0,20	0,59	1,54	-3,09	0,00197167	0,0260145	yes
TSS10617	UBASH3B	chr11:122031607-122190397	0,19	0,46	1,29	-3,09	0,00197745	0,0260713	yes
TSS3517	SYT14	chr1:208178160-208404256	2,60	3,73	0,52	-3,09	0,00198716	0,0261798	yes
TSS20980	UBXN6	chr19:4396002-4408791	6,79	12,61	0,89	-3,09	0,00199496	0,026263	yes
TSS12191	CARD10	chr22:36216345-36245156	1,61	3,27	1,02	-3,09	0,00199824	0,0262866	yes

TSS27882	C16orf11	chr16:550422-555530	0,21	0,06	-1,76	3,09	0,00200299	0,0263295	yes
TSS1601	PACS1	chr11:65594399-65768789	33,53	49,37	0,56	-3,09	0,00201625	0,0264841	yes
TSS26738	KRT17	chr17:37029217-37034408	0,15	0,03	-2,35	3,08	0,00203681	0,0267342	yes
TSS13896	TMOD1	chr9:99303282-99475850	113,38	168,32	0,57	-3,08	0,00204142	0,0267749	yes
TSS14627	RPS17L	chr15:80608215-80611920	271,60	177,69	-0,61	3,08	0,00205296	0,0268884	yes
TSS755	SHROOM2	chrX:9714495-9877481	0,37	0,84	1,18	-3,08	0,00205312	0,0268884	yes
TSS25541	DTNB	chr2:25453615-25750007	12,25	16,46	0,43	-3,08	0,00206709	0,0270513	yes
TSS25010	GADD45A	chr1:67923447-67926609	11,38	19,84	0,80	-3,08	0,0020791	0,0271883	yes
TSS24921	NEAT1	chr11:64946844-64950579	14,69	22,51	0,62	-3,08	0,00209619	0,0273916	yes
TSS17585	LOC283392	chr12:70933553-71345689	0,11	0,04	-1,56	3,08	0,00210488	0,0274645	yes
TSS6058	SHBG	chr17:7435271-7477425	0,00	0,12	1.79769e+308	1.79769e+308	0,00210353	0,0274645	yes
TSS9348	IL10RA	chr11:117362315-117377408	0,18	0,39	1,11	-3,07	0,00210953	0,0275049	yes
TSS13895	CELF6	chr15:70364121-70399579	0,53	1,33	1,32	-3,07	0,00211199	0,0275167	yes
TSS10317	SIX6	chr14:60045690-60048278	4,94	9,89	1,00	-3,07	0,00213055	0,0277355	yes
TSS16928	THBS2	chr6:169357799-169396062	0,81	0,35	-1,22	3,07	0,00213193	0,0277355	yes
TSS24281	ATP2C1	chr3:132052058-132228336	1,37	2,93	1,09	-3,07	0,00213517	0,0277398	yes
TSS4093	FAM131B	chr7:142760614-142769962	0,24	0,07	-1,70	3,07	0,0021354	0,0277398	yes
TSS10314	GBX2	chr2:236739045-236741391	2,72	1,12	-1,28	3,07	0,00214028	0,0277827	yes
TSS3093	LEPROT	chr1:65658718-65875764	7,42	11,54	0,64	-3,07	0,00214763	0,0278578	yes
TSS4043	CCDC33	chr15:72315719-72415535	2,60	5,20	1,00	-3,07	0,00215695	0,0279171	yes
TSS6135	C6orf204	chr6:118888627-119137931	0,54	1,04	0,96	-3,07	0,00215379	0,0279171	yes
TSS6402	CRYM	chr16:21177339-21237413	2,76	4,56	0,72	-3,07	0,00215592	0,0279171	yes
TSS18357	THRA	chr17:35471971-35510499	15,70	20,93	0,41	-3,07	0,00217323	0,0280873	yes
TSS276	ANO6	chr12:43853083-44120454	0,16	0,04	-2,11	3,07	0,00217328	0,0280873	yes
TSS4481	FGL1	chr8:17766179-17797327	1,71	0,78	-1,13	3,06	0,0021772	0,0281174	yes
TSS21542	MTFR1	chr8:66719441-66785352	0,53	0,17	-1,62	3,06	0,00218904	0,0282291	yes
TSS8358	RIF1	chr2:151974642-152042106	1,44	2,56	0,83	-3,06	0,00218818	0,0282291	yes
TSS2548	PDZK1P1	chr1:144635744-144653976	0,12	0,33	1,44	-3,06	0,0021949	0,028284	yes
TSS19517	C9orf30	chr9:102229315-102379739	5,76	2,67	-1,11	3,06	0,00220787	0,0283889	yes
TSS20361	SLC25A27	chr6:46728610-46753886	0,28	0,13	-1,12	3,06	0,00220515	0,0283889	yes
TSS26432	KCNJ9	chr1:158317983-158325836	0,18	0,48	1,40	-3,06	0,00220784	0,0283889	yes
TSS8841	COPS3	chr17:17090662-17125342	0,13	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,00221909	0,0285125	yes
TSS24851	RIMBP2	chr12:129446633-129568363	15,01	22,27	0,57	-3,06	0,00223682	0,0287194	yes
TSS20026	ARID3B	chr15:72620600-72677525	25,22	16,77	-0,59	3,06	0,00224069	0,0287273	yes
TSS23437	PSD3	chr8:18429092-18915476	6,26	9,40	0,59	-3,06	0,00223976	0,0287273	yes
TSS27022	TGIF1	chr18:3402071-3448406	0,00	0,16	1.79769e+308	1.79769e+308	0,00224278	0,0287332	yes
TSS7499	SRC	chr20:35406501-35467235	55,92	81,84	0,55	-3,06	0,00224784	0,0287773	yes
TSS22744	RPL12	chr9:129249773-129253532	102,74	64,35	-0,68	3,05	0,00225186	0,0288078	yes
TSS27770	NDRG4	chr16:57055049-57105024	15,62	21,55	0,46	-3,05	0,00226292	0,0289154	yes
TSS3596	CHN1	chr2:175372287-175578353	1,99	0,81	-1,29	3,05	0,00226354	0,0289154	yes
TSS26331	PGAP2	chr11:3652815-3804158	0,61	0,01	-6,74	3,05	0,00226737	0,0289225	yes
TSS5182	GPR39	chr2:132890616-133145540	0,04	0,18	2,01	-3,05	0,00226618	0,0289225	yes
TSS18481	CPNE4	chr3:132736266-133236534	0,82	1,89	1,22	-3,05	0,00227015	0,028937	yes
TSS20748	LGI3	chr8:22060287-22070289	0,39	0,96	1,28	-3,05	0,00227363	0,0289604	yes
TSS9948	MGLL	chr3:128890598-129024741	0,56	1,31	1,21	-3,05	0,00228086	0,0290317	yes
TSS17943	CADM4	chr19:48818361-48835831	21,63	33,49	0,63	-3,05	0,00228667	0,0290847	yes
TSS22577	ATP1A1	chr1:116717317-116762767	74,25	50,71	-0,55	3,05	0,00230212	0,0292601	yes
TSS12711	TMCC1	chr3:130849324-131095109	0,22	0,07	-1,61	3,05	0,00230789	0,0292913	yes
TSS16905	BEX2	chrX:102450929-102452630	4,05	8,02	0,98	-3,05	0,00230656	0,0292913	yes
TSS3203	LOC100130331	chr1:236092097-236158242	3,61	1,76	-1,04	3,05	0,0023187	0,0294073	yes
TSS21357	VSTM4	chr10:49892338-49993565	3,97	6,40	0,69	-3,05	0,00232354	0,0294265	yes
TSS6415	PRKACA	chr19:14063506-14089559	20,28	31,30	0,63	-3,05	0,002322	0,0294265	yes
TSS23475	PGAP2	chr11:3652815-3804158	0,00	0,10	1.79769e+308	1.79769e+308	0,002327	0,0294492	yes
TSS17698	CCM2	chr7:45005869-45082594	22,98	13,85	-0,73	3,04	0,00232964	0,0294616	yes
TSS12807	TRH	chr3:131175803-131179469	0,01	0,09	3,36	-3,04	0,00234321	0,0295907	yes
TSS6000	RPS15A	chr16:18701777-18709157	465,61	366,91	-0,34	3,04	0,002342	0,0295907	yes

TSS11325	RPL13AP3	chr14:55302715-55304188	0,47	0,16	-1,59	3,04	0,00235554	0,0297252	yes
TSS11299	LTBP4	chr19:45790911-45827565	4,35	7,29	0,75	-3,04	0,0023719	0,0299103	yes
TSS27463	WNT5B	chr12:1596482-1626639	0,21	0,61	1,53	-3,04	0,00238299	0,0300288	yes
TSS3860	VWA5B2	chr3:185431010-185450007	0,66	1,49	1,17	-3,04	0,0023897	0,0300704	yes
TSS7223	ZNF652	chr17:44721566-44794834	2,96	1,76	-0,75	3,04	0,00238958	0,0300704	yes
TSS20793	RAB38	chr11:87486062-87548283	2,47	1,03	-1,26	3,03	0,00242019	0,0304323	yes
TSS7508	DLG3	chrX:69581429-69642064	0,23	0,55	1,28	-3,03	0,00244545	0,0307282	yes
TSS27193	SLC44A3	chr1:95058488-95133390	0,08	0,32	1,94	-3,03	0,0024788	0,031125	yes
TSS24296	LY6E	chr8:144171276-144175202	49,18	66,37	0,43	-3,02	0,00249161	0,0312636	yes
TSS22685	HSPA12A	chr10:118420692-118492075	15,11	22,40	0,57	-3,02	0,0024982	0,0313019	yes
TSS8755	CELF3	chr1:149939157-149955914	5,06	8,30	0,71	-3,02	0,00249704	0,0313019	yes
TSS14893	CPT1B	chr22:49354155-49368294	0,13	0,43	1,66	-3,02	0,00253988	0,0317791	yes
TSS9235	SPG21	chr15:63042415-63069304	25,32	15,27	-0,73	3,02	0,00253956	0,0317791	yes
TSS9963	CLMP	chr11:122448242-122571217	26,84	40,23	0,58	-3,02	0,00255099	0,0318955	yes
TSS13654	APH1B	chr15:61356801-61388378	7,04	4,43	-0,67	3,02	0,00256713	0,0320746	yes
TSS572	ASL	chr7:65178210-65195764	4,55	7,41	0,70	-3,02	0,00256953	0,032082	yes
TSS12320	RPS28	chr19:8292383-8293280	30,83	13,98	-1,14	3,01	0,00257391	0,0321139	yes
TSS14909	CCDC3	chr10:12978630-13083710	2,27	1,01	-1,16	3,01	0,00259668	0,0323751	yes
TSS19614	MYO18A	chr17:24424653-24531533	11,66	15,09	0,37	-3,01	0,00260831	0,0324972	yes
TSS18153	TNNI2	chr11:1816808-1819486	0,28	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,00261693	0,0325816	yes
TSS26685	CASP8AP2	chr6:90596339-90640876	4,94	6,41	0,37	-3,01	0,0026272	0,0326864	yes
TSS14793	XKR7	chr20:30019465-30049917	3,64	6,73	0,88	-3,01	0,00263086	0,0327089	yes
TSS10595	THSD7A	chr7:11376586-11838349	9,88	14,51	0,55	-3,01	0,00264193	0,0328235	yes
TSS20781	FAM189A1	chr15:27199746-27650219	0,11	0,29	1,38	-3,01	0,00265199	0,0329254	yes
TSS3223	MEPCE	chr7:99864348-99869685	34,86	25,54	-0,45	3,00	0,00265708	0,0329654	yes
TSS18742	RNF145	chr5:158516994-158569639	28,36	18,82	-0,59	3,00	0,00266336	0,0330201	yes
TSS24032	ACACA	chr17:32516039-32841015	0,47	1,00	1,08	-3,00	0,00266921	0,0330694	yes
TSS12120	POTEE	chr2:131692393-131738886	17,71	11,37	-0,64	3,00	0,00267355	0,0331	yes
TSS13776	ATXN1	chr6:16407321-16869700	3,56	2,24	-0,67	3,00	0,00267657	0,0331141	yes
TSS9804	ZNF33A	chr10:38339583-38389001	5,56	7,53	0,44	-3,00	0,00269077	0,0332665	yes
TSS21179	HNRNPA1P10	chr12:52960754-52965297	25,38	14,85	-0,77	3,00	0,00270377	0,0334039	yes
TSS9664	HPCAL4	chr1:39917231-39929676	8,60	13,46	0,65	-3,00	0,00271126	0,033473	yes
TSS6052	TMEM99	chr17:36227894-36246052	3,05	1,35	-1,17	3,00	0,00271994	0,0335566	yes
TSS12816	C3orf70	chr3:186278531-186353496	0,07	0,20	1,40	-3,00	0,00272545	0,0336012	yes
TSS4805	SH3GL1	chr19:4311363-4351565	4,02	1,85	-1,12	3,00	0,00273042	0,0336391	yes
TSS21739	POU4F3	chr5:145698779-145700276	0,08	0,30	1,87	-2,99	0,00274528	0,0337985	yes
TSS4241	OSMR	chr5:38881716-38971500	0,03	0,11	1,64	-2,99	0,00275968	0,0339522	yes
TSS15845	LOC100507173	chr6:27769792-27785980	0,84	1,85	1,13	-2,99	0,00277394	0,0341038	yes
TSS1200	ARHGAP29	chr1:94407050-94475895	1,96	1,06	-0,89	2,99	0,00277744	0,0341231	yes
TSS26503	C4orf48	chr4:2013517-2015495	93,21	151,88	0,70	-2,99	0,00278216	0,0341573	yes
TSS1524	FOLR1	chr11:71578249-71585015	2,33	1,14	-1,04	2,99	0,00278562	0,034176	yes
TSS11860	KRIT1	chr7:91666218-91713350	0,76	0,36	-1,07	2,99	0,00278937	0,0341923	yes
TSS12330	POLR3H	chr22:40195074-40270425	0,79	0,31	-1,32	2,99	0,00279082	0,0341923	yes
TSS14154	PRKAR1B	chr7:555359-792642	6,56	11,39	0,80	-2,99	0,00279593	0,0342312	yes
TSS17446	SNRPB2	chr20:16658608-16670417	43,98	60,71	0,47	-2,99	0,00279941	0,0342501	yes
TSS9028	NTF4	chr19:54256208-54258936	0,09	0,35	1,95	-2,99	0,00282235	0,0345069	yes
TSS12869	RIT2	chr18:38577189-38949655	0,32	0,90	1,47	-2,98	0,00284866	0,0347804	yes
TSS13364	THRB	chr3:24133648-24511317	0,13	0,34	1,33	-2,98	0,0028472	0,0347804	yes
TSS7099	SYPL1	chr7:105518187-105540293	31,18	20,16	-0,63	2,98	0,00285389	0,0347962	yes
TSS8135	IMPDH1	chr7:127819566-127837272	28,44	40,74	0,52	-2,98	0,00285299	0,0347962	yes
TSS20689	AHNAK	chr11:61957591-62070908	21,06	14,74	-0,52	2,98	0,0028714	0,0349374	yes
TSS4664	EEF1A2	chr20:61589809-61600949	221,87	325,00	0,55	-2,98	0,00286869	0,0349374	yes
TSS7777	BRSK1	chr19:60487345-60515715	25,09	37,24	0,57	-2,98	0,00287039	0,0349374	yes
TSS16639	RPL23P8	chr7:20833441-20833964	219,73	144,92	-0,60	2,98	0,0028886	0,0351225	yes
TSS25271	OPRM1	chr6:154373328-154719592	0,55	1,33	1,26	-2,98	0,00292868	0,0355853	yes
TSS20267	EEF1G	chr11:62083648-62098036	424,85	289,70	-0,55	2,97	0,00293357	0,0356203	yes

TSS3283	PODXL2	chr3:128830728-128874342	62,69	91,24	0,54	-2,97	0,0029406	0,035681	yes
TSS1067	C5orf27	chr5:95213691-95221592	0,01	0,10	2,78	-2,97	0,00296035	0,0358714	yes
TSS14072	GFOD1	chr6:13471565-13595848	0,00	0,11	1.79769e+308	1.79769e+308	0,00296013	0,0358714	yes
TSS10372	EZH2	chr7:148135396-148212374	0,02	0,14	2,52	-2,97	0,00296889	0,0359392	yes
TSS1403	KCNIP2	chr10:103575720-103593667	0,06	0,26	2,08	-2,97	0,00297171	0,0359392	yes
TSS20712	TNFRSF19	chr13:23042508-23148244	1,07	2,21	1,05	-2,97	0,00297205	0,0359392	yes
TSS6207	CADM2	chr3:85090822-86206269	1,26	0,73	-0,79	2,97	0,00297462	0,0359457	yes
TSS20951	PDE5A	chr4:120595385-120769429	1,27	0,60	-1,09	2,97	0,00298361	0,0360297	yes
TSS14675	NETO2	chr16:45672931-45735437	21,67	29,07	0,42	-2,97	0,00300163	0,0362142	yes
TSS14717	C20orf177	chr20:57942213-57957097	0,13	0,37	1,45	-2,97	0,00300504	0,0362142	yes
TSS3719	LOC100507055	chr4:100229030-100441536	0,31	0,72	1,22	-2,97	0,00300443	0,0362142	yes
TSS22032	CA10	chr17:47062672-47592376	0,02	0,10	2,40	-2,96	0,00303591	0,0365612	yes
TSS26600	LOC162632	chr17:16630930-16648544	0,28	0,66	1,26	-2,96	0,00306076	0,0368231	yes
TSS749	NCRNA00256A	chr9:114914996-114921947	0,24	0,56	1,23	-2,96	0,00306182	0,0368231	yes
TSS11181	HIP1R	chr12:121885991-121913460	11,48	17,38	0,60	-2,96	0,00307733	0,0369844	yes
TSS21507	PNCK	chrX:152588381-152593010	0,00	0,09	1.79769e+308	1.79769e+308	0,00311974	0,0374687	yes
TSS8618	PAQR8	chr6:52334884-52380534	17,45	11,59	-0,59	2,95	0,00312924	0,0375573	yes
TSS10289	NT5C3	chr7:33020266-33068934	0,12	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,00313855	0,0376178	yes
TSS24856	HDAC9	chr7:18093096-19003517	5,08	8,30	0,71	-2,95	0,00313828	0,0376178	yes
TSS10018	FGFRL1	chr4:995609-1010686	2,00	1,10	-0,87	2,95	0,00314219	0,037636	yes
TSS21221	MAST4	chr5:65927931-66501179	1,89	3,16	0,74	-2,95	0,00314635	0,0376603	yes
TSS17660	LOC729156	chr7:65843077-65947248	0,02	0,13	2,42	-2,95	0,00315022	0,037681	yes
TSS10274	SMAD3	chr15:65145248-65274587	4,79	7,61	0,67	-2,95	0,00315293	0,037688	yes
TSS10215	CYB561	chr17:58863396-58877454	79,93	115,73	0,53	-2,95	0,00316021	0,0377495	yes
TSS27457	NRG3	chr10:83625049-84736915	0,33	0,12	-1,51	2,95	0,00316569	0,0377893	yes
TSS8918	OSBPL6	chr2:178767453-179380395	1,77	2,45	0,47	-2,95	0,00316844	0,0377966	yes
TSS3726	PYCARD	chr16:31120307-31121598	0,15	0,50	1,74	-2,95	0,00317279	0,037823	yes
TSS13819	HK1	chr10:70699761-70831643	69,68	100,72	0,53	-2,95	0,00318193	0,0379064	yes
TSS16715	PSD2	chr5:139155589-139204232	0,80	1,70	1,09	-2,95	0,00318708	0,0379166	yes
TSS22824	LRTM2	chr12:1771383-1898131	0,03	0,09	1,71	-2,95	0,00318535	0,0379166	yes
TSS15568	ZNF706	chr8:102278441-102287136	1,98	3,80	0,94	-2,95	0,00319588	0,0379957	yes
TSS8175	GPRASP1	chrX:101740751-101859317	2,01	3,05	0,60	-2,95	0,00319982	0,038017	yes
TSS26317	ADAMTS2	chr5:178470457-178705037	5,28	7,72	0,55	-2,95	0,00321278	0,0381453	yes
TSS21644	BEST1	chr11:61473931-61491708	0,45	0,83	0,87	-2,95	0,00321603	0,0381583	yes
TSS14615	PACS2	chr14:104746667-104935529	3,05	5,14	0,75	-2,94	0,00323021	0,0383007	yes
TSS17578	WIPF1	chr2:175132547-175255873	0,37	0,13	-1,47	2,94	0,00324882	0,0384956	yes
TSS725	RUFY1	chr5:178910176-178969625	7,49	12,56	0,75	-2,94	0,00325825	0,0385814	yes
TSS25543	RPS10,RPS10-	chr6:34362950-34501880	246,80	169,19	-0,54	2,94	0,00327083	0,0387045	yes
TSS5305	YWHAZ	chr8:101999979-102034799	12,95	8,16	-0,67	2,94	0,00327595	0,038739	yes
TSS11332	ICAM4	chr19:10258642-10260260	0,30	0,09	-1,75	2,94	0,00327867	0,0387453	yes
TSS9610	CCP110	chr16:19442679-19472229	12,45	15,80	0,34	-2,94	0,00328155	0,0387535	yes
TSS12957	APBB1	chr11:6372930-6397220	16,14	24,82	0,62	-2,94	0,0032956	0,0388755	yes
TSS8055	HOMER3	chr19:18901009-18913041	0,14	0,47	1,72	-2,94	0,00329629	0,0388755	yes
TSS8769	PHLDA1	chr12:74705493-74711823	2,20	3,87	0,81	-2,94	0,00330466	0,0389483	yes
TSS9291	PPP1R1B	chr17:35036702-35046404	0,24	0,65	1,44	-2,94	0,0033079	0,0389605	yes
TSS13902	NLRC5	chr16:55580910-55674937	0,22	0,52	1,21	-2,94	0,00331501	0,0389829	yes
TSS18449	KIAA0040	chr1:173392745-173428852	2,22	1,26	-0,82	2,94	0,00331317	0,0389829	yes
TSS2877	SYNM	chr15:97462808-97493323	8,83	5,86	-0,59	2,94	0,00331642	0,0389829	yes
TSS24347	GUSBP10	chr7:57237318-57251805	0,00	0,09	1.79769e+308	1.79769e+308	0,0033278	0,0390906	yes
TSS16800	EIF2B4	chr2:27440722-27446828	20,48	29,42	0,52	-2,93	0,00337541	0,0396032	yes
TSS19898	LHX9	chr1:196148257-196165896	6,51	11,16	0,78	-2,93	0,00337592	0,0396032	yes
TSS27433	HOXD13	chr2:176665777-176668912	3,66	1,75	-1,07	2,93	0,00338659	0,039702	yes
TSS22881	OLFM1	chr9:137106909-137152851	3,38	7,23	1,10	-2,93	0,00341431	0,0400004	yes
TSS4858	ATP2B3	chrX:152454773-152501581	2,31	1,30	-0,83	2,93	0,00342587	0,0401092	yes
TSS19224	SPHK1	chr17:71892284-71895536	0,32	0,08	-1,97	2,93	0,00343977	0,0402453	yes
TSS27983	RPL14	chr3:40473804-40478863	330,49	228,89	-0,53	2,92	0,00344748	0,0403089	yes

TSS24903	PAMR1	chr11:35409951-35503752	0,02	0,10	2,16	-2,92	0,00345115	0,0403251	yes
TSS3987	DDHD1	chr14:52573207-52689796	3,64	4,63	0,35	-2,92	0,00349471	0,040807	yes
TSS22371	WNK2	chr9:94987032-95148517	8,19	12,24	0,58	-2,92	0,00353947	0,0413024	yes
TSS25740	RTN4RL1	chr17:1784720-1874928	0,04	0,14	1,66	-2,91	0,00356724	0,041599	yes
TSS16010	ZNF84	chr12:132123950-132149958	5,68	8,72	0,62	-2,91	0,00358172	0,0417402	yes
TSS24172	OTUD5	chrX:48664246-48700592	18,79	26,73	0,51	-2,91	0,00361446	0,0420663	yes
TSS17886	MMP15	chr16:56616782-56638305	11,13	16,78	0,59	-2,91	0,00361356	0,0420664	yes
TSS14397	SERPINE2	chr2:224548008-224612280	7,26	11,24	0,63	-2,91	0,00362483	0,0421593	yes
TSS7244	REPIN1	chr7:149696811-149702066	32,22	40,64	0,34	-2,91	0,00362931	0,0421836	yes
TSS8100	CDK11A	chr1:1560962-1645651	26,85	34,05	0,34	-2,91	0,00363813	0,0422583	yes
TSS6284	UBE2L3	chr22:20251956-20308323	41,13	33,33	-0,30	2,91	0,00364658	0,0423286	yes
TSS19334	SLC32A1	chr20:36786518-36791429	0,08	0,24	1,53	-2,90	0,0036981	0,0428702	yes
TSS22060	ROPN1B	chr3:127170717-127184986	0,07	0,29	2,03	-2,90	0,00369749	0,0428702	yes
TSS27412	PFKFB3	chr10:6226848-6317513	3,67	6,24	0,76	-2,90	0,00370361	0,042906	yes
TSS20876	CBFA2T3	chr16:87468763-87571005	0,79	1,70	1,11	-2,90	0,00371547	0,0430152	yes
TSS13209	ZNF513	chr2:27453601-27457115	14,20	22,47	0,66	-2,90	0,00372109	0,0430521	yes
TSS9865	SHC2	chr19:367582-411996	10,07	16,22	0,69	-2,90	0,00372504	0,0430696	yes
TSS7522	FLJ41649	chr6:40420061-40431723	0,08	0,23	1,48	-2,90	0,00373492	0,0431556	yes
TSS22201	F2RL1	chr5:76150588-76166896	0,11	0,30	1,43	-2,90	0,00374161	0,0432046	yes
TSS7927	REV3L	chr6:111726926-111911107	3,09	4,80	0,64	-2,90	0,00375791	0,0433644	yes
TSS26193	MB	chr22:34332756-34349347	0,10	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,00377359	0,043517	yes
TSS20249	SMC2	chr9:105896361-105943521	10,51	13,51	0,36	-2,89	0,00380985	0,0439064	yes
TSS21973	BSN-AS2	chr3:49561742-49566803	0,20	0,50	1,34	-2,89	0,00381886	0,0439817	yes
TSS2408	PTHLH	chr12:28002283-28016183	0,04	0,15	1,81	-2,89	0,00383684	0,04416	yes
TSS15516	IP6K3	chr6:33797420-33822740	0,22	0,47	1,06	-2,89	0,00389551	0,044806	yes
TSS10951	LIMS2	chr2:128112465-128155830	1,23	0,50	-1,31	2,89	0,00391175	0,0449512	yes
TSS26798	ABCB4	chr7:86869296-86942955	5,31	7,61	0,52	-2,88	0,00391838	0,0449512	yes
TSS3704	KRTAP5-1	chr11:1447260-1742077	0,54	1,37	1,36	-2,89	0,00391326	0,0449512	yes
TSS7622	RDM1	chr17:31269197-31281893	0,18	0,77	2,09	-2,88	0,00391678	0,0449512	yes
TSS8220	ASTN2	chr9:118227324-119217138	41,79	59,91	0,52	-2,88	0,00392341	0,0449512	yes
TSS8890	SERINC2	chr1:31654998-31680114	38,06	55,95	0,56	-2,88	0,00392124	0,0449512	yes
TSS26127	CCNL2	chr1:1310953-1324581	48,83	65,33	0,42	-2,88	0,00394347	0,0451518	yes
TSS7107	C9orf135	chr9:71625550-71710968	0,28	0,06	-2,21	2,88	0,00394865	0,0451818	yes
TSS3279	MEIS1	chr2:66516035-66653395	7,32	11,83	0,69	-2,88	0,00400027	0,0457134	yes
TSS7416	FNDC4	chr2:27568253-27571630	22,69	35,02	0,63	-2,88	0,00399792	0,0457134	yes
TSS13734	PDE9A	chr21:42946930-43068687	10,68	14,34	0,42	-2,88	0,00401367	0,0458368	yes
TSS17920	SYT1	chr12:77781903-78369919	3,07	1,59	-0,95	2,88	0,00403052	0,0459994	yes
TSS6345	HS3ST3A1	chr17:13339730-13445969	0,73	0,30	-1,27	2,87	0,00409741	0,0467327	yes
TSS25853	CD68	chr17:7423528-7426153	0,10	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,00412955	0,0470617	yes
TSS6640	TMEM179	chr14:104131464-104142142	1,42	3,13	1,14	-2,87	0,00413159	0,0470617	yes
TSS23934	ABAT	chr16:8675944-8785933	0,63	1,35	1,09	-2,87	0,00416236	0,0473817	yes
TSS21250	C9orf24	chr9:34369016-34387849	0,17	0,00	-1.79769e+308	-1.79769e+308	0,00419465	0,0476879	yes
TSS22103	ETV1	chr7:13897380-13997575	0,06	0,19	1,54	-2,86	0,00419294	0,0476879	yes
TSS13567	PLEKHG5	chr1:6443800-6502656	0,46	1,04	1,19	-2,86	0,00424731	0,0482554	yes
TSS26770	ARHGEF25	chr12:56290229-56297293	11,97	18,80	0,65	-2,86	0,0042502	0,0482572	yes
TSS12921	ENHO	chr9:34511039-34513037	10,95	19,67	0,84	-2,86	0,00426371	0,0483174	yes
TSS19613	BOD1L	chr4:13179463-13238426	8,12	11,78	0,54	-2,86	0,00425858	0,0483174	yes
TSS3715	CACNG5	chr17:62303852-62311857	0,27	0,77	1,50	-2,86	0,00426343	0,0483174	yes
TSS10931	MSRB2	chr10:23424432-23450948	28,65	42,93	0,58	-2,86	0,00428123	0,048439	yes
TSS25776	LOC100506585	chr7:157024510-158073243	0,03	0,10	1,63	-2,86	0,0042823	0,048439	yes
TSS8889	PFKM	chr12:46785922-46826454	29,39	42,59	0,54	-2,86	0,00428266	0,048439	yes
TSS27972	SIRPA	chr20:1822812-1868540	0,11	0,02	-2,16	2,85	0,00431863	0,0488146	yes
TSS16289	CLK1	chr2:201425976-201437712	13,53	17,77	0,39	-2,85	0,00432335	0,0488367	yes
TSS12368	PRRG1	chrX:37093448-37201469	1,47	0,74	-0,99	2,85	0,00433001	0,0488495	yes
TSS18065	PVRL1	chr11:119014017-119104645	76,71	106,87	0,48	-2,85	0,00432849	0,0488495	yes
TSS21870	ACPL2	chr3:142433371-142496176	15,16	10,16	-0,58	2,85	0,00434871	0,0490291	yes

TSS15900	PHACTR3	chr20:57585958-57856161	0,78	1,80	1,20	-2,85	0,00435728	0,0490944 yes
TSS12039	CCDC33	chr15:72315719-72415535	2,53	5,06	1,00	-2,85	0,0043866	0,0493933 yes
TSS1082	CACNG1	chr17:62471113-62483373	1,37	3,08	1,17	-2,85	0,00440392	0,0495568 yes
TSS8241	HMX2	chr10:124897627-124900178	0,22	0,07	-1,73	2,85	0,00440906	0,049583 yes
TSS19571	C19orf46	chr19:41185841-41191512	0,04	0,15	2,03	-2,85	0,00441715	0,0496423 yes
TSS17925	SIX3	chr2:45022540-45026720	14,22	21,87	0,62	-2,85	0,00443457	0,0497946 yes
TSS8229	SLC4A11	chr20:3156062-3167887	0,43	0,16	-1,44	2,85	0,00443633	0,0497946 yes
TSS21441	BEX1	chrX:102204236-102205824	118,97	172,58	0,54	-2,84	0,00445288	0,0499486 yes